**Supplemental File S2 : Raw data 2.** All the sequences (COI and ITS2) obtained in the present work

**COI sequences**

>819\_Achaeta\_sp\_E7

-----CTCTATNCTTTATCCTCGGAATATGAGCTGGCATAATAGGTGCAGCTATAAGACT

CCTCATCCGATTTGAACTAAGTCAACCCGGATCATTTTTAGGGAGAGACCAATTATATAA

TACCATTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGATTTGGAAATTGACTCATTCCATTAATACTTGGAGCTCCAGATATAGCTTTTCC

ACGATTAAATAATATAAGATTCTGATTACTTCCACCATCCCTCATATTACTTCTTTCTTC

TACAGCTGTAGAAAAAGGTATAGGAACAGGATGAACAGTATATCCTCCTTTAGCTAGAAA

CATTGCTCATGCAGGACCATCTGTAGATTTAGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGAGC

TTCATCAATTCTAGGAGCAGTAAATTTCATTACTACTGTAATTAATATACGATGACAAGG

TATACGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCTATAATAATCACAGTAGCCCTCCT

ACTTTTAGCACTACCAGTCCTAGCTGGCGCAATTACTATGCTTCTTACTGATCGAAACCT

TAACACATCATTCTTTGATCCAGCTGGTGGAGGTGACCCTATTCTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>783\_Tubifex\_tubifex\_T27

-----CCCTTTACATACTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTAATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

TACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCATTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCATTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTTTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGACCCTGCCGGTGGGGGAGACCCTGTTCTTTATCAAAAATCATT

C--------------------------------------------

>784\_Tubifex\_tubifex\_T27

---AACCCTTTACATACTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTAATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

TACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCATTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCATTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTTTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGACCCTGCCGGTGGGGGAGACCCTGTTCTTTATCAAAATCTATT

C--------------------------------------------

>786\_Tubifex\_tubifex\_T27

---AACCCTTTACATACTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTAATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

TACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCATTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCATTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTTTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGACCCTGCCGGTGGGGGAGACCCTGTTCTTTATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>787\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

--------------------------------------------------------GCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATGGTCATACAACATCATAAA------------------------------

---------------------------------------------

>789\_Tubifex\_tubifex\_T27

---AACCCTTTACATACTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTAATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

TACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCATTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCATTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTTTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGACCCTGCCGGTGGGGGAGACCCTGTTCTTTATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>792\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

-----------------------------------------------------CAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATTCTTCGATCCTGCGG----------------------------------

---------------------------------------------

>793\_Tubifex\_tubifex\_T27

---AACCCTTTACATACTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTAATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

TACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCATTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCATTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTTTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGA------------------------------------------

---------------------------------------------

>806\_Fridericia\_sp\_E12

-----CACTCTTCTTCATTTTAGGAGTTTGAGCAGGAATAATAGGAGCCGCTATAAGACT

TCTAATTCGAATTGAACTTAGACAACCAGGATCATTTCTTGGCAGAGACCAACTATATAA

TACAATTGTTACAGCTCATGCATTTCTTATAATCTTTTTTTTAGTGATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGAAACTGACTCTTACCATTAATATTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGTCTAAATAATATAAGATTTTGATTACTTCCTCCGTCTCTAATACTTCTTCTATCATC

TGCCGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGTACAGGATGAACAGTATACCCACCATTAGCAAGAAA

TATAGCCCACGCAGGTCCATCAGTAGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGAGC

TTCATCTATTCTAGGAGCCGTTAATTTTATTTCAACAGTAATCAATATACGCTGACAAGG

TCTTCAACTTGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTGTCACTATTACTGTTGTACTCTT

ATTATTATCCTTACCAGTATTAGCTGGTGCTATTACCATACTTCTCACAGATCGTAACCT

AAATACATCTTTCTTCGACCCCGCTGGCGGAGGAGACCCTATTTTTGTATCAACACTATT

T--------------------------------------------

>807\_Lumbricillus\_sp\_E13

-----CACTTTATTTTATCCTCGGAGTATGAGCAGGTATAATAGGCGCAGCTATAAGCCT

AATTATTCGAACAGAACTTAGCCAACCAGGATCATTCTTAGGTAGGGACCAGTTATACAA

TACTGTTGTAACAGCCCACGCATTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCAGTATTCAT

TGGGGGCTTTGGTAATTGGCTTTTACCCCTAATACTCGGAGCACCTGATATAGCATTTCC

GCGACTCAACAATATAAGATTTTGACTTCTTCCCCCTTCACTACTTCTACTTCTCTCATC

AGCCGCAGTAGAAAAAGGTGCTGGAACTGGTTGAACAGTTTACCCACCCCTAGCAAGAAA

TATGGCACATGCAGGACCATCTGTAGATTTAGCAATTTTTTCCCTTCATTTAGCAGGGGC

TTCCTCTATTCTTGGTGCCGTAAATTTTATTTCCACTGTAATCAATATACGATGACAAGG

CCTCCAGTTAGAGCGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTTACAATCACAGTAGTACTTCT

TCTCTTATCTTTACCAGTATTAGCTGGTGCTATTACCATATTACTAACAGATCGAAACCT

AAATACTTCATTCTTTGACCCTGCAGGTG-------------------------------

---------------------------------------------

>808\_Achaeta\_sp\_E6

-----CATTATATTTTATCCTAGGGATCTGAGCAGGTATAATAGGAGCAGCTATAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAACTAAGACAACCAGGCTCATTTTTAGGAAGAGATCAACTGTACAA

CACAATTGTAACAGCTCATGCATTTTTAATAATCTTCTTCCTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGATTACTACCTCTAATGTTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACATAAGATTTTGATTATTACCCCCCTCACTTATACTTCTTCTATCCTC

AGCAGCAGTTGAAAAAGGAGCAGGTACCGGATGAACAGTATACCCACCACTAGCCAGAAA

CATTGCACACGCTGGCCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCTCTACATCTTGCAGGGGC

ATCCTCAATTCTTGGAGCAGTAAACTTCATTACTACAGTAATCAATATACGATGACAAGG

AATACGATTAGAACGAATCCCCCTTTTTGTATGAGCAGTAGTAATTACAGTAGTTCTACT

ACTACTATCTCTACCAGTCCTTGCTGGGGCTATTACTATATTACTTACAGATCGCAATCT

AAACACATCATTTTTTGACCCGGCAGGTGGTGGAGACCCCATTCTATACCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>809\_Fridericia\_sp\_E15

-----CACTATATTTCATTCTAGGAGTATGAGCAGGCATAATAGGAGCAGCCATAAGACT

ATTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCAGGCTCCTTTCTAGGCAGAGACCAACTATATAA

CACAATCGTAACTGCCCATGCCTTTCTCATAATTTTTTTTCTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTCGGAAATTGATTACTTCCATTAATACTAGGGGCACCAGACATAGCCTTCCC

GCGACTCAATAACATAAGATTCTGACTCTTGCCCCCCTCCCTTCTCCTTCTTTTATCTTC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGTACAGGTTGAACAGTCTATCCTCCGCTAGCTAGAAA

TATGGCTCACGCCGGACCATCAGTAGATCTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCCGGAGC

CTCATCCATTCTAGGGGCAGTAAATTTTATTTCAACCGTCATTAACATACGATGACAAGG

TCTACAATTAGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTGTAACCATTACAGTAGTTCTTCT

ATTATTATCTCTACCAGTTCTAGCCGGAGCAATTACTATACTTTTAACAGATCGAAACCT

TAATACATCATTTTTTGATCCAGCCGGAGGTGGAGATCCAATTTTATACCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>810\_Henlea\_perpusilla\_E16

---------------------------------------GATAGGAGCAGCCATAAGCCT

TCTAATTCGAATTGAACTAAGTCAACCAGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTACAA

CACTATTGTTACTGCACATGCATTTCTTATAATTTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTCCCATTAATACTGGGAGCCCCAGATATAGCTTTTCC

CCGACTAAATAACATAAGATTTTGACTTCTTCCCCCATCACTTCTTCTTCTACTTTCCTC

TGCAGCTGTGGAAAAAGGAGCCGGAACCGGCTGAACTGTATACCCCCCCCTATCAAGAAA

TATCGCTCATGCGGGCCCATCTGTAGACCTAGCCATTTTCTCCCTCCACTTAGCCGGAGC

ATCCTCCATCTTAGGTGCAGTAAACTTTATCACTACTGTTATTAACATACGTTGACAAGG

CCTTCACCTAGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAACAATTACAGTAGTCCTTCT

CCTCTTATCTTTACCAGTGTTAGCCGGAGCAATTACTATACTACTAACTGACCGAAACCT

AAACACATCCTTTTTCGACCCAGCTGGAGGAGGTGACCCAATTCTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>811\_Fridericia\_sp\_E14

--------------------------------------------GAGCCGCAATAAGATT

ATTAATTCGAATTGAACTCAGACAACCAGGCTCCTTCCTTGGAAGAGATCAGCTTTATAA

CACTATCGTAACAGCACATGCATTTCTAATAATCTTTTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGCTTTGGTAATTGACTTTTACCATTAATATTAGGAGCCCCAGATATAGCATTCCC

CCGACTAAATAATATAAGATTCTGATTACTACCCCCATCTTTAATACTTCTTCTATCTTC

AGCTGCAGTAGAAAAAGGTGCTGGCACTGGGTGAACTGTATACCCCCCACTAGCAAGAAA

TATAGCTCATTCTGGGCCATCCGTTGACTTAGCAATTTTTTCTCTACATCTTGCAGGAGC

ATCTTCAATTCTAGGCGCAGTAAATTTTATTTCCACAGTTATTAATATGCGATGACAAGG

CCTACAACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCTGTTACAATCACAGTAGTATTACT

ACTACTATCTCTCCCAGTTCTAGCTGGCGCAATTACTATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAATACATCGNTCTTCGACCCTGCTGGTGGAGGAGATCCAATCCTATATCAACACCTCTT

T--------------------------------------------

>813\_Fridericia\_sp\_E14

---------------------------------------AATAGGAGCCGCAATAAGATT

ATTAATTCGAATTGAACTCAGACAACCAGGCTCCTTCCTTGGAAGAGATCAGCTTTATAA

CACTATCGTAACAGCACATGCATTTCTAATAATCTTTTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGCTTTGGTAATTGACTTTTACCATTAATATTAGGAGCCCCAGATATAGCATTCCC

CCGACTAAATAATATAAGATTCTGATTACTACCCCCATCTTTAATACTTCTTCTATCTTC

AGCTGCAGTAGAAAAAGGTGCTGGCACTGGGTGAACTGTATACCCCCCACTAGCAAGAAA

TATAGCTCATTCTGGGCCATCCGTTGACTTAGCAATTTTTTCTCTACATCTTGCAGGAGC

ATCTTCAATTCTAGGCGCAGTAAATTTTATTTCCACAGTTATTAATATGCGATGACAAGG

CCTACAACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCTGTTACAATCACAGTAGTATTACT

ACTACTATCTCTCCCAGTTCTAGCTGGCGCAATTACTATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCTGGTGGAGGAGATCCAATCCTATATCAACACCTCTT

T--------------------------------------------

>814\_Henlea\_perpusilla\_E16

-----CACTATATTTCATTCTAGGCGTATGAGCCGGAATGATAGGAGCAGCCATAAGCCT

TCTAATTCGAATTGAACTAAGTCAACCAGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTACAA

CACTATTGTTACTGCACATGCATTTCTTATAATTTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTCCCATTAATACTGGGAGCCCCAGATATAGCTTTTCC

CCGACTAAATAACATAAGATTTTGACTTCTTCCCCCATCACTTCTTCTTCTACTTTCCTC

TGCAGCTGTGGAAAAAGGAGCCGGAACCGGCTGAACTGTATACCCCCCCCTATCAAGAAA

TATCGCTCATGCGGGCCCATCTGTAGACCTAGCCATTTTCTCCCTCCACTTAGCCGGAGC

ATCCTCCATCTTAGGTGCAGTAAACTTTATCACTACTGTTATTAACATACGTTGACAAGG

CCTTCACCTAGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAACAATTACAGTAGTCCTTCT

CCTCTTATCTTTACCAGTGTTAGCCGGAGCAATTACTATACTACTAACTGACCGAAACCT

AAACACATCCTTTTTCGACCCAGCTGGAGGAGGTGACCCAATTCTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>817\_Marionina\_argentea\_E5

-----CTCTATATTTTATTTTAGGAACTTGAGCTGGGATATTAGGAGCAGCTATAAGATT

ATTAATTCGTTTTGAACTAGGTCAACCTGGCTCATTTTTAGGTAGAGATCAATTATATAA

TACTATTGTAACTGCTCATGCCTTTTTAATAATTTTTTTTTTAGTGATACCTGTCTTTAT

TGGAGGATTTGGAAATTGATTATTACCACTAATATTAGGTGCGCCAGACATGGCTTTCCC

TCGACTTAATAATTTGAGATTTTGGCTATTACCCCCATCTTTGCTACTTTTAGTGTCTTC

AGCTGCGGTAGAAAAGGGGGCGGGAACAGGTTGGACAGTGTACCCACCACTTTCGTCAAA

TATTGCCCATTCAGGTCCATCTGTAGACTTAGCTATCTTTTCTCTTCATCTAGCAGGAGC

ATCATCTATTTTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACTGTAATTAATATACGATGACGGGG

ATTGCAATTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTTTGAGCAGTTACTATTACAGTTGTGCTATT

ATTACTATCTTTACCTGTATTAGCTGGAGCTATTACTATATTGTTAACTGATCGTAATTT

AAATACATCATTTTTTGATCCTGCTGGAGGAGGGGACCCAATTTTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>818\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

------------------------------------------------------------

------------------------ACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAAACATTATT

T--------------------------------------------

>820\_Vejdovskyella\_intermedia\_N7

-----CATTATATTTAATTTTAGGGGTATGAGCAGGAATAGTTGGAACCGGAACTAGAAT

ATTAATTCGAGTTGAATTATCACAACCAGGAGCTTTTCTTGGGAGAGACCAATTATATAA

TACATTAGTAACTGCACACGCATTCTTAATAATCTTTTTCTTAGTAATACCCGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTATTACCATTAATACTAGGAGCACCGGATATAGCATTCCC

ACGACTTAATAATCTAAGATTTTGACTATTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCTTC

AGCTGCAGTAGAAAAAGGAGCAGGAACAGGCTGAACCGTATATCCACCACTTTCAAGAAA

TCTAGCACATGCGGGACCATCAGTAGATATAGCAATTTTTTCACTACATTTAGCTGGTGC

ATCATCTATTCTAGGAGCCGTAAATTTTATTACAACTGTAATAAATATACGATGAAATGG

AATACGATTAGAACGAGTACCATTATTCGTTTGATCGGTAATATTAACAGTTATTCTTCT

TATTCTATCATTACCTGTACTTGCGGGAGCANATACAATATTATTAACAGATCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGGGGTGGAGACCCAATTCTTTATCAAACATCATT

T--------------------------------------------

>821\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

-----------------------------------GTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>822\_Spirosperma\_ferox\_T24

-----CCTTATATATAATTTTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTAGGCACCGGAACTAGTCT

ATTAATTCGCTTCGAGCTTGCTCAACCAGGGTCATTCCTAGGTAGAGACCAATTATACAA

TACATTAGTAACCGCACATGCCTTCCTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAATCCCACTAATATTAGGTGCCCCTGATATAGCATTCCC

ACGACTGAATAATTTAAGATTCTGACTACTTCCTCCGTCCCTTATTCTCCTTGTATCCTC

TGCCGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGTACCGGATGAACTGTTTATCCCCCTTTAGCTGGCAA

CCTCGCCCACTCCGGCCCTTCAGTAGACTTAGCAATTTTTTCTCTCCATCTAGCCGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAATCAACTTTATTACAACTATGGTTAACATACGAAGAAAAGG

TATACGCCTGGAACGAGTTCCTCTATTTGTTTGAGCTGTTATTTTAACAGTAATCCTCCT

ATTACTTACACTTCCTGTATTAGCCGGTGCTATCACCATACTTCTAACAGATCGTAATCT

CAACACGTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGGGGCGACCCTGTACTATACCAAACACCATT

C--------------------------------------------

>823\_Spirosperma\_ferox\_T24

-----CCTTATATATAATTTTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTAGGCACCGGAACTAGTCT

ATTAATTCGCTTCGAACTTGCTCAACCAGGGTCATTCCTAGGTAGAGACCAATTATACAA

TACATTAGTAACCGCACATGCCTTCCTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAATCCCACTAATATTAGGTGCCCCTGATATAGCATTCCC

ACGACTGAATAATTTAAGATTCTGACTACTTCCTCCGTCCCTTATTCTCCTTGTATCCTC

TGCCGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGTACCGGATGAACTGTTTATCCCCCTTTAGCTGGCAA

CCTCGCCCACTCCGGCCCTTCAGTAGACTTAGCAATTTTTTCTCTCCATCTAGCCGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAATCAACTTTATTACAACTATGGTTAACATACGAAGAAAAGG

TATACGCCTGGAACGAGTTCCTCTATTTGTTTGAGCTGTTATTTTAACAGTAATCCTCCT

ATTACTTACACTTCCTGTATTAGCCGGTGCTATCACCATACTTCTAACAGATCGTAATCT

CAACACGTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGGGGCGACCCTGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>824\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

-----CCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>825\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

-----CCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>826\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

------CCCTATATATAGTATTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCGGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>812\_Achaeta\_sp\_E7

----------------------------------------------GCAGNTATAAGACT

CCTCATTCGAATTGAACTAAGTnANCCCGGATCATTTTTAGGGAGAGANNAATTATATAA

TACCATTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGATTTGGAAATTGACTCATTCCATTAATACTTGGAGCTCCANATATAGCTTTTCC

ACGATTAAATAATATAAGATTCTGATTACTTCCACCATCCCTCATATTACTTCTTTCTTC

TACAGCTGTAGAAAAAGGTATAGGAACAGGATGAACAGTATATCCTCCTTTAGCTAGAAA

CATTGCTCATGCAGGACCATCTGTAGATTTAGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGAGC

TTCATCAATTCTAGGAGCAGTAAATTTCATTACTACTGTAATTAATATACGATGACAAGG

TATACGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCTATAATAATCACAGTAGCCCTCCT

ACTTTTAGCACTACCAGTCCTAGCTGGCGCAATTACTATGCTTCTTACTGATCGAAACCT

TAACACATCATTCTTTGATCCAGCTGGTGGAGGTGACCCTATTCTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>750\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T16

---CACTCTATACATGGTCTTCGGCCTCTGAGCAGGAATAGTGGGCACAGGAACCAGACT

ACTAATTCGATTTGAATTAGCACAACCTGGCTCATTCCTTGGCAGAGATCAATTATATAA

CACCCTAGTTACAGCTCATGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATTTTCAT

TGGGGGCTTCGGTAACTGACTAGTCCCCCTAATACTTGGAGCTCCAGATATAGCCTTCCC

ACGACTCAATAATTTGAGATTTTGATTAATACCCCCATCTCTAATTCTATTAGTCTCCTC

GGCGGCTGTTGAGAAGGGTGCCGGAACAGGATGAACTGTATATCCACCTTTAGCTAGAAA

CCTGGCTCATTCTGGGCCCTCTGTAGACCTGGCCATTTTTTCACTTCACTTAGCAGGGGC

TGCATCAATCTTAGGTGCAATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATACGTTTAGAACGTATTCCCCTATTCGTGTGATCAGTTATTATTACGGTTATTTTACT

CCTTCTAACCTTACCAGTTCTAGCAGGGGCAATCACTATACTTCTAACAGACCGAAATCT

AAACACGTCATTCTTCGACCCTGCGGGTGGTGGCGACCCGGTCCTATATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>752\_Potamothrix\_moldaviensis\_T30

---ACTTCTTTATATATTATATGGACTATGAACAGGTATGGTGGGAACAGGAACTAGAAT

TTTAATTCGTCTGGAACTTGCTCAGCCTGGGTCATTCCTAGGTAGTGATCAGTTATATAA

CACCCTCGTAACTGCTCACGCCTTTCTGATAATCTTTTTTCTAGTAATACCTGTATATAT

TGGAGCTTTCGGGAACTTCCTAATCCCACTAATACTAGGGGCTCCTGATATAGCTTTCCC

ACGGTTAAACAATTTAAGATTTTGACTTATACCTTCATCTGTAATCCTCCTTGTGGCATC

TGCAGCTGTTGAAAAGGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTGTACCCTCCCCTAGCAAGAAA

CCTTGCCCATTCCGGGCCTTCGGTAGACCTGGCCATTTTCTCTCTCCATCTAGCAGGAAT

TGCTTCCATTTTAGGGGCAATTAACTTCATTACAACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

GATACGATTAGAGCGAATCCCCTTATTCGTTTGAGCGACAATCATCACAGTTATTTTACT

ACTATTAACTCTACCCGTATTAGCGGGCGCTATTACCATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGGGGAGGAGACCCTGTCTTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>753\_Potamothrix\_moldaviensis\_T30

---ACTTCTTTATATATTATATGGACTATGAACAGGTATGGTGGGAACAGGAACTAGAAT

TTTAATTCGTCTGGAACTTGCTCAGCCTGGGTCATTCCTAGGTAGTGATCAGTTATATAA

CACCCTCGTAACTGCTCACGCCTTTCTGATAATCTTTTTTCTAGTAATACCTGTATATAT

TGGAGCTTTCGGGAACTTCCTAATCCCACTAATACTAGGGGCTCCTGATATAGCTTTCCC

ACGGTTAAACAATTTAAGATTTTGACTTATACCTTCATCTGTAATCCTCCTTGTGGCATC

TGCAGCTGTTGAAAAGGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTGTACCCTCCCCTAGCAAGAAA

CCTTGCCCATTCCGGGCCTTCGGTAGACCTGGCCATTTTCTCTCTCCATCTAGCAGGAAT

TGCTTCCATTTTAGGGGCAATTAACTTCATTACAACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

GATACGATTAGAGCGAATCCCCTTATTCGTTTGAGCGACAATCATCACAGTTATTTTACT

ACTATTAACTCTACCCGTATTAGCGGGCGCTATTACCATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGGGGAGGAGACCCTGTCTTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>754\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>755\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>757\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATTCTTCGATCCTGCGGAGGGGGGGNACCCGGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>758\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

---------------------------------------------

>759\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCANGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

---------------------------------------------

>760\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACCCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGGACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCTGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAACTATATAA

TACCCTGGTAACGGCTCACGCATTTTTAATAATCTTCTTCATAGTAATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCGGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGTTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTAGGTGCAATCAACTTCATTACTACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

GATGCGACTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGAGCTATTACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>763\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTATCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTCCTATATCAACACTTATT

---------------------------------------------

>764\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTATCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATCTCAACACTTATT

---------------------------------------------

>765\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAGTTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGGAACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAGTTAGCTCAACCCGGATCATTCTTAGGCAGAGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCAATCTTTAT

TGGTGGATTTGGAAATTGATTAGTTCCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCGCCATCATTAATTCTATTAGTGTCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGTACAGGTTGAACTGTATATCCACCCCTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCAGGACCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTCGAACGAATTCCATTATTCGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTAACCCTTCCAGTACTTGCGGGAGCTATCACGATGCTGTTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCGGGGGGGGGAGACCCTGTACTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>766\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTATCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>767\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAGTTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGGAACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAGTTAGCTCAACCCGGATCATTCTTAGGCAGAGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCAATCTTTAT

TGGTGGATTTGGAAATTGATTAGTTCCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCGCCATCATTAATTCTATTAGTGTCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGTACAGGTTGAACTGTATATCCACCCCTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCAGGACCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTCGAACGAATTCCATTATTCGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTAACCCTTCCAGTACTTGCGGGAGCTATCACGATGCTGTTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCGGGGGGGGGAGACCCTGTACTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>768\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATTTTTAT

CGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>769\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATTTTTAT

CGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>770\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>772\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAGTTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGGAACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAGTTAGCTCAACCCGGATCATTCTTAGGCAGAGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCAATCTTTAT

TGGTGGATTTGGAAATTGATTAGTTCCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCGCCATCATTAATTCTATTAGTGTCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGTACAGGTTGAACTGTATATCCACCCCTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCAGGACCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTCGAACGAATTCCATTATTCGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTAACCCTTCCAGTACTTGCGGGAGCTATCACGATGCTGTTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCGGGGGGGGGAGACCCTGTACTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>773\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>775\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>777\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>778\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGAATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACTGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTAGCACAACCTGGATCCTTCCTAGGAAGAGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCCCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCTCCCGATATAGCATTTCC

ACGACTCAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCACCTTCACTAATTTTACTAGTCTCATC

TGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGAACAGGTTGAACAGTATACCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCACTCAGGACCTTCTGTAGACCTCGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGAGT

AGCATCAATTTTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACCATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTATGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCCTACCAGTTCTTGCAGGAGCAATCACTATACTTTTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCGGCTGGAGGTGGTGACCCTGTTCTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>779\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGAATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACTGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTAGCACAACCTGGATCCTTCCTAGGAAGAGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCCCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCTCCCGATATAGCATTTCC

ACGACTCAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCACCTTCACTAATTTTACTAGTCTCATC

TGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGAACAGGTTGAACAGTATACCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCACTCAGGACCTTCTGTAGACCTCGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGAGT

AGCATCAATTTTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACCATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTATGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCCTACCAGTTCTTGCAGGAGCAATCACTATACTTTTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCGGCTGGAGGTGGTGACCCTGTTCTATACCAACATCTATC

---------------------------------------------

>794\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>795\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>749\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACTCTATATATAGTATTTGGTGTGTGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTTGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGCAGTGACCAACTCTACAA

TACATTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTAATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGAGGATTCGGAAATTGGCTTCTCCCGCTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

CCGCTTAAATAACCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTGTCTTC

GGCGGCCGTAGAAAAAGGAGCCGGAACAGGATGAACAGTATATCCCCCGCTTTCCGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGGCCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCCCTTCACTTAGCCGGTGC

GTCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

CATACGACTAGAGCGGGTACCACTATTTGTATGAGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTCCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCATTCTTTGACCCGGCTGGTGGTGGCGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>827\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>830\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTACAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>832\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACCGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCACCTTCTTTAACTCTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>834\_Potamothrix\_hammoniensis\_T28

---ACTCCTTTATATAATATATGGACTATGAACAGGTATGGTGGGAACTGGAACTAGAAT

ACTAATCCGAATAGAATTAGCTCAACCTGGATCCTTCCTTGGAAGGGACCAACTATATAA

TACTCTTGTAACTGCTCATGCCTTCTTAATAATTTTCTTCTTGGTTATACCGGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTTCTTGTACCTTTAATACTAGGTGCACCTGATATAGCTTTCCC

CCGAATAAATAATTTAAGATTTTGACTTATACCTTCATCTGTAATTCTATGCGTAGCATC

TGCAGCAGTTGAAAAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTATACCCGCCCTTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCGGGACCATCTGTAGATTTAGCAATCTTCTCTTTACATTTAGCCGGAAT

TTCCTCTATTTTAGGGGCAATCAATTTTATTACTACAATAATTAACATACGTTGAAAAGG

AATGCGATTAGAACGAATTCCTTTATTTGTGTGAGCGACAATCATTACTGTTCTTCTTCT

ATTATTAACTCTACCAGTTCTTGCTGGTGCTATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGGGACCCTGTTCTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>837\_Tubificinae\_sp\_T2

---ACTTCTCTATATAATGTATGGCCTATGAACAGGTATGGTAGGAACAGGAACTAGAAT

TCTAATTCGAATAGAACTTGCCCAACCAGGATCATTCCTTGGGAGAGACCAGCTATATAA

TACACTCGTAACTGCCCATGCTTTCTTAATAATTTTCTTCCTAGTAATGCCCGTATACAT

TGGTGCTTTTGGAAACTTCCTGGTACCATTAATACTTGGCGCACCAGATATAGCATTTCC

ACGAATAAATAATCTCAGATTCTGATTAATACCTTCCTCTGTAATTTTATGTGTAGCATC

TGCTGCCGTTGAAAAAGGAGCCGGTACAGGTTGAACCGTTTACCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGCCCATCTGTAGACTTAGCCATCTTCTCCCTTCACTTAGCAGGTAT

TTCCTCTATTTTAAGAGCAATTAACTTCATTACTACAATAATCAATATACGATGAAAAGG

AATACGACTTGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATCATTACAGTAATTCTACT

ACTATTAACACTTCCAGTTCTAGCTGGGGCTATCACCATATTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGAGACCCTGTGCTTTATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>838\_Tubificinae\_sp\_T2

---ACTTCTCTATATAATGTATGGCCTATGAACAGGTATGGTAGGAACAGGAACTAGAAT

TCTAATTCGAATAGAACTTGCCCAACCAGGATCATTCCTTGGGAGAGACCAGCTATATAA

TACACTCGTAACTGCCCATGCTTTCTTAATAATTTTCTTCCTAGTAATGCCCGTATACAT

TGGTGCTTTTGGAAACTTCCTGGTACCATTAATACTTGGCGCACCAGATATAGCATTTCC

ACGAATAAATAATCTCAGATTCTGATTAATACCTTCCTCTGTAATTTTATGTGTAGCATC

TGCTGCCGTTGAAAAAGGAGCCGGTACAGGTTGAACCGTTTACCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGCCCATCTGTAGACTTAGCCATCTTCTCCCTTCACTTAGCAGGTAT

TTCCTCTATTTTAAGAGCAATTAACTTCATTACTACAATAATCAATATACGATGAAAAGG

AATACGACTTGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATCATTACAGTAATTCTACT

ACTATTAACACTTCCAGTTCTAGCTGGGGCTATCACCATATTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGAGACCCTGTGCTTTATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>839\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGNTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>840\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAAGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>841\_Embolocephalus\_velutinus\_T25

---AACCCTATATATAGTATTTGGTGTATGAGCCGGTATAGTTGGAACCGGCACTAGATT

ACTAATCCGCTTTGAGCTCGCGCAACCTGGATCATTCCTAGGTAGTGACCAACTCTACAA

TACGTTAGTTACTGCTCACGCCTTCCTTATAATCTTTTTCCTAGTAATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGACTTCTCCCATTAATATTAGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGCTTAAATAATCTAAGATTTTGGCTGCTGCCACCATCTTTAATTCTTCTAGTATCTTC

GGCGGCTGTAGAAAGGGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTGTACCCCCCACTATCAGGTAA

CTTAGCCCATTCGGGACCATCAGTAGACTTAGCAATCTTTTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

ATCGTCCATTTTAGGGGCAATCAACTTCATTACTACAGTAATTAACATACGAAGTAAAGG

TATGCGGCTGGAACGGGTACCACTATTTGTATGGGCTGTCCTTCTTACAGTAATTCTTCT

CCTGTTAACCCTTCCAGTACTCGCCGGAGCTATTACTATATTACTGACAGACCGCAATCT

AAATACGTCGTTCTTTGATCCAGCTGGAGGTGGTGACCCAGTACTATACCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>842\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T20

---CACCCTTTACATAGTTTTTGGCTTATGAGCCGGAATAGTAGGTACCGGGACAAGATT

ACTAATTCGCTTCGAACTGGCACAACCGGGATCATTCCTAGGCAGAGATCAGTTATATAA

TACATTAGTAACTGCTCATGGTTTCTTAATAATTTTCTTCATGGTGATACCAATCTTTAT

CGGTGGTTTTGGAAATTGATTAATTCCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCGTTTCC

TCGACTAAATAATCTTAGATTTTGATTAATGCCACCCTCTCTGATTCTACTTGTATCGTC

AGCAGCCGTGGAAAAAGGTGCAGGTACCGGATGAACTGTATACCCGCCGCTAGCTAGAAA

TCTGGCACATTCAGGTCCATCGGTAGATCTAGCAATTTTTTCTTTACATTTAGCAGGTGC

AGCTTCAATTCTCGGGGCAATTAACTTCATTACTACAATAATTAACATACGGTGAAAAGG

AATACGTTTAGAACGTATTCCACTATTTGTGTGATCCGTAATTATTACTGTAGTCCTTCT

TCTACTAACCCTACCTGTATTAGCAGGAGCCATTACAATATTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGACCCTGCAGGAGGTGGAGACCCTGTACTCTACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>843\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGAATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACCGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCGCCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

CGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCAGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGGCCTTCAGTAGATCTGGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGGGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCAGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGGCGGTGACCCTGTATTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>844\_Tubifex\_sp\_T26

---AACACTATATATCATTTTTGGGGTATGAGCAGGAATGGTCGGAACAGGTACTAGATT

ATTAATTCGACTAGAACTTGCCCAACCTGGCTCATTTCTTGGTAGCGATCAATTATTTAA

TACTCTGGTTACAGCCCATGCATTCCTGATAATCTTCTTCATAGTAATACCAATCTACAT

CGGGGGATTCGGAAACTGATTAATTCCCTTAATACTGGGCGCCCCTGACATGGCCTTCCC

TCGTCTAAATAACTTAAGATTCTGACTTCTTCCACCATCTCTAATTCTATGTATTTCCTC

GGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACTGGGTGAACTGTATACCCCCCACTAGCAAGAAA

CCTTGCCCACTCGGGACCATCTGTAGATCTTGCTATTTTCTCCTTACACTTAGCCGGGGT

TGCATCAATTCTTGGTGCCATTAACTTTATTACAACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATACGACTTGAACGAATCCCTCTATTTGTATGATCTGTAATTATTACAGTAGTTCTCCT

ACTTCTTACATTACCAGTATTAGCGGGTGCTATCACTATACTACTAACAGACCGAAACCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCCGGAGGAGGTGACCCAGTTCTTTACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>845\_Potamothrix\_heuscheri\_T31

---GCTTCTATATATAATATATGGCCTATGAACAGGTATAGTGGGAACCGGGACTAGAAT

TCTAATTCGTATAGAACTAGCTCAACCTGGATCATTTCTAGGCAGGGACCAACTATATAA

TACACTTGTAACTGCTCATGCCTTTTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATATAT

TGGGGCTTTTGGAAACTTTCTTGTTCCTTTAATACTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGAATAAACAATCTTAGATTCTGATTAATACCATCTTCTGTAATCTTATGTGTAGCTTC

TGCTGCCGTAGAAAAAGGGGCCGGTACAGGATGAACAGTATATCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGACCATCTGTAGATCTTGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCGGGGAT

CTCCTCTATTCTAGGCGCAATTAATTTCATTACTACGATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATTATTACAGTAGTCTTACT

ACTACTAACACTTCCAGTTCTAGCTGGGGCTATTACTATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

GAATACCTCATTCTTTGATCCTGCAGGTGGAGGGGATCCTGTCCTGTACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>847\_Potamothrix\_heuscheri\_T31

---GCTTCTATATATAATATATGGCCTATGAACAGGTATAGTGGGAACCGGGACTAGAAT

TCTAATTCGTATAGAACTAGCTCAACCTGGATCATTTCTAGGCAGGGACCAACTATATAA

TACACTTGTAACTGCTCATGCCTTTTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATATAT

TGGGGCTTTTGGAAACTTTCTTGTTCCTTTAATACTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGAATAAACAATCTTAGATTCTGATTAATACCATCTTCTGTAATCTTATGTGTAGCTTC

TGCTGCCGTAGAAAAAGGGGCCGGTACAGGATGAACAGTATATCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGACCATCTGTAGATCTTGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCGGGGAT

CTCCTCTATTCTAGGCGCAATTAATTTCATTACTACGATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATTATTACAGTAGTCTTACT

ACTACTAACACTTCCAGTTCTAGCTGGGGCTATTACTATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

GAATACCTCATTCTTTGATCCTGCAGGTGGAGGGGATCCTGTCCTGTACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>848\_Potamothrix\_vejdovskyi\_T29

---ATTCCTTTACATAATATATGGTTTATGAACAGGTATAGTAGGAACGGGAACTAGAAT

TTTAATCCGGATAGAGCTAGCTCAACCGGGATCATTCCTTGGGAGTGACCAGCTATATAA

TACTCTTGTAACTGCTCACGCTTTTCTGATAATCTTCTTCTTAGTGATACCTGTTTATAT

CGGCGCATTTGGGAACTTTCTTATACCTTTAATACTCGGGGCACCTGACATAGCATTTCC

ACGACTTAATAATTTAAGATTTTGATTGATACCTTCATCCGTAATTCTATGCGTAGCCTC

TGCAGCTGTAGAAAAGGGAGCAGGTACAGGCTGAACAGTATACCCTCCTCTAGCTAGGAA

CCTTGCTCATTCTGGACCGTCTGTGGATTTAGCCATTTTCTCTTTACATTTAGCAGGTAT

CGCCTCTATTTTAGGTGCAATCAATTTTATTACAACCATAATTAATATGCGGTGAATAGG

AATACGGTTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATTATTACAGTTCTCCTTCT

ATTACTTACCCTACCTGTTCTGGCGGGGGCTATTACTATACTCTTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCGGGAGGGGGAGACCCTGTACTATATCAGCATCTATT

C--------------------------------------------

>850\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

-----------------------------------------------CAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCAGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

---------------------------------------------

>851\_Potamothrix\_heuscheri\_T31

---GCTTCTATATATGATATATGGCCTATGAACAGGTATAGTGGGAACCGGGACTAGAAT

TCTAATTCGTATAGAACTAGCTCAACCTGGATCATTTCTAGGCAGGGACCAACTATATAA

TACACTTGTAACTGCTCATGCCTTTTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATATAT

TGGGGCTTTTGGAAACTTTCTTGTTCCTTTAATACTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGAATAAACAATCTTAGATTCTGATTAATACCATCTTCTGTAATCTTATGTGTAGCTTC

TGCTGCCGTAGAAAAAGGGGCCGGTACAGGATGAACAGTATATCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGACCATCTGTAGATCTTGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCGGGGAT

CTCCTCTATTCTAGGCGCAATTAATTTCATTACTACGATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATTATTACAGTAGTCTTACT

ACTACTAACACTTCCAGTTCTAGCCGGGGCTATTACTATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

GAATACCTCATTCTTTGATCCTGCGGGTGGAGGNGATCCTGTCCTGTACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>852\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATACATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGCCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGAGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGGGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGGACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTGTGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGTGATCCTGTACTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>853\_Tubifex\_tubifex\_T12

-----------------TTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGGACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCTGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAATTATATAA

TACCCTGGTAACGGCTCACGCATTTTTAATAATCTTCTTCATAGTAATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTAGGGGCTCCGGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCACTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTAGGTGCAATCAACTTCATTACTACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGACTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGAGCTATTACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>854\_Potamothrix\_heuscheri\_T31

---GCTTCTATATATAATATATGGCCTATGAACAGGTATAGTGGGAACCGGGACTAGAAT

TCTAATTCGTATAGAACTAGCTCAACCTGGATCATTTCTAGGCAGGGACCAACTATATAA

TACACTTGTAACTGCTCATGCCTTTTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATATAT

TGGGGCTTTTGGAAACTTTCTTGTTCCTTTAATACTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

TCGAATAAACAATCTTAGATTCTGATTAATACCATCTTCTGTAATCTTATGTGTAGCTTC

TGCTGCCGTAGAAAAAGGGGCCGGTACAGGATGAACAGTATATCCTCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCTGGACCATCTGTAGATCTTGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCGGGGAT

CTCCTCTATTCTAGGCGCAATTAATTTCATTACTACGATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTACAATTATTACAGTAGTCTTACT

ACTACTAACACTTCCAGTTCTAGCTGGGGCTATTACTATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

GAATACCTCATTCTTTGATCCTGCGGGTGGAGGGGATCCTGTCCTGTACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>855\_Potamothrix\_hammoniensis\_T28

---ACTCCTTTATATAATGTACGGACTATGAACAGGTATGGTGGGAACTGGAACTAGAAT

ACTAATTCGAATAGAACTAGCTCAACCGGGGTCCTTCCTTGGAAGGGACCAACTATACAA

TACCCTTGTAACTGCTCATGCCTTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTCATGCCAGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTTCTTGTACCTTTAATACTAGGGGCCCCTGATATGGCTTTCCC

CCGAATAAATAATTTAAGATTTTGACTTATACCCTCATCTGTAATTCTATGTGTAGCATC

TGCAGCAGTTGAAAAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTTGCTCACTCGGGGCCATCTGTAGATTTAGCAATCTTCTCTTTACATTTAGCAGGAAT

TTCCTCTATTTTAGGAGCAATCAATTTTATTACTACAATAATTAACATGCGTTGAAAAGG

TATACGATTAGAACGAATTCCTTTATTTGTGTGAGCAACAATCATTACTGTTCTTCTTCT

ATTATTAACTCTACCCGTTCTTGCTGGTGCTATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGTGGCGGGGACCCTGTTCTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>856\_Tubifex\_tubifex\_T27

---AACCCTTTATATAGTATTTGGTATTTGAGCAGGTATAGTTGGCACCGGAACAAGTCT

ACTGATTCGTCTAGAACTAGCTCAACCTGGCTCTTTCCTCGGCAGCGACCAATTATATAA

CACATTAGTTACAGCACATGCATTCCTTATAATCTTCTTTATGGTAATACCTATTTACAT

TGGGGGATTCGGAAATTGACTAGTCCCACTAATACTGGGGGCACCAGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTTCTACCCCCCTCCCTAATTCTACTTGTATCATC

TGCTGCAGTAGAAAAAGGAGCTGGAACAGGGTGAACTGTCTACCCACCACTAGCCAGTAA

CTTAGCACACTCTGGACCCTCAGTAGACTTAGCAATCTTCTCACTACACTTAGCTGGTGT

AGCCTCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATCACTACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

TATACGCCTAGAACGAATCCCATTATTTGTCTGATCAGTAATTATTACTGTAATTCTTTT

ACTACTTACACTTCCAGTACTAGCCGGTGCAATTACCATACTACTAACAGACCGAAATCT

AAATACTTCATTCTTCGACCCTGCCGGTGGGGGAGACCCTGTTCTCTATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>857\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>858\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

-------------------------------------------------------AGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCCGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTAACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCGGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCNGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

---------------------------------------------

>859\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T20

---CACCCTTTACATAGTTTTTGGCTTATGAGCCGGAATAGTAGGTACCGGGACAAGATT

ACTAATTCGCTTCGAACTGGCACAACCGGGATCATTCCTAGGCAGAGATCAGTTATATAA

TACATTAGTAACTGCTCATGGTTTCTTAATAATTTTCTTCATGGTGATACCAATCTTTAT

CGGTGGTTTTGGAAATTGATTAATTCCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCGTTTCC

TCGACTAAATAATCTTAGATTTTGATTAATGCCACCCTCTCTGATTCTACTTGTATCGTC

AGCAGCCGTGGAAAAAGGTGCAGGTACCGGATGAACTGTATACCCGCCGCTAGCTAGAAA

TCTGGCACATTCAGGTCCATCGGTAGATCTAGCAATTTTTTCTTTACATTTAGCAGGTGC

AGCTTCAATTCTCGGGGCAATTAACTTCATTACTACAATAATTAACATACGGTGAAAAGG

AATACGTTTAGAACGTATTCCACTATTTGTGTGATCCGTAATTATTACTGTAGTCCTTCT

TCTACTAACCCTACCTGTATTAGCAGGAGCCATTACAATATTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGACCCTGCAGGAGGTGGAGACCCTGTACTCTACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>860\_Potamothrix\_moldaviensis\_T30

---ACTTCTTTATATCTTCTCTGGACTATGAACAGGTATGGTAGGAACAGGAACTAGAAT

TTTAATTCGTCTGGAACTTGCTCAGCCTGGATCATTCCTAGGTAGTGATCAGTTATATAA

CACTCTCGTAACTGCCCACGCCTTTCTGATAATCTTTTTTTTAGTAATACCTGTATATAT

TGGAGCTTTCGGGAACTTCCTAATTCCACTAATACTAGGGGCTCCTGATATAGCTTTCCC

ACGATTAAACAATTTAAGATTTTGACTTATACCCTCATCTGTAATCCTGTGTGTGGCATC

TGCAGCTGTTGAAAAGGGGGCAGGAACAGGTTGAACAGTATACCCTCCCCTAGCAAGAAA

CCTTGCCCATTCCGGGCCTTCGGTAGACCTGGCCATTTTCTCTCTTCATCTAGCAGGAAT

TGCTTCCATTTTAGGCGCAATTAACTTCATTACAACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

AATACGGTTAGAGCGAATCCCCTTATTCGTTTGAGCGACAATCATTACAGTTCTTTTACT

ACTATTAACTCTACCCGTATTAGCGGGCGCTATTACCATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGGGGAGGAGACCCTGTCTTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>866\_Potamothrix\_moldaviensis\_T30

---ACTTCTTTATATATTATATGGACTATGAACAGGTATGGTGGGAACAGGAACTAGAAT

TTTAATTCGTCTGGAACTTGCTCAGCCTGGGTCATTCCTAGGTAGTGATCAGTTATATAA

CACCCTCGTAACTGCTCACGCCTTTCTGATAATCTTTTTTCTAGTAATACCTGTATATAT

TGGAGCTTTCGGGAACTTCCTAATCCCACTAATACTAGGGGCTCCTGATATAGCTTTCCC

ACGGTTAAACAATTTAAGATTTTGACTTATACCTTCATCTGTAATCCTCCTTGTGGCATC

TGCAGCTGTTGAAAAGGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTGTACCCTCCCCTAGCAAGAAA

CCTTGCCCATTCCGGGCCTTCGGTAGACCTGGCCATTTTCTCTCTCCATCTAGCAGGAAT

TGCTTCCATTTTAGGGGCAATTAACTTCATTACAACAATAATTAATATACGTTGAAAAGG

GATACGATTAGAGCGAATCCCCTTATTCGTTTGAGCGACAATCATCACAGTTATTTTACT

ACTATTAACTCTACCCGTATTAGCGGGCGCTATTACCATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGGGGAGGAGACCCTGTCTTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>867\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---------------------------------------------------AACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGTGNGAGGCGATCCAGTTTTATACCAATATCTATT

T--------------------------------------------

>868\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

------------------------------------------------------------

----------------TTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>836\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

-------------------------CTATGAGCTGGAATAGTAGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATACTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCATTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACCTCATTCTTCGATCCTGCGGGGGGGGGGGNCCCGGTACTATATAAAAAACTATT

T--------------------------------------------

>874\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>880\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>885\_Haplotaxis\_gordioides\_H1

---AACCCTTTACTTTATCCTAGGCATCTGAGGGGGACTTCTAGGAACAAGAATAAGAAT

AGTAATCCGAATTGAACTAAGACAACCAGGGTCATTCCTTGGTAGAGATCAATTATACAA

TACCATTGTTACTGCCCATGCCTTCCTAATAATTTTCTTTCTTGTCATACCAGTATTTAT

TGGAGGGTTCGGAAACTGACTCTTACCTCTAATGTTAGGAGCCCCCGACATAGCATTCCC

ACGACTCAACAATATAAGATTTTGACTTCTACCTCCTGCAACAATCCTTCTTGTGTCCTC

AGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCAGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCGCCCTTAGCCAGAAA

TCTTGCACATGCTGGCCCTTCTGTTGATCTCGCCATTTTCTCTCTTCATTTAGCAGGAGT

TTCCTCCATTTTAGGAGCAGTAAATTTCATCACCACTGTTGTCAATATACGATGAAATGG

CCTGCGGTTAGAACGAATTCCTTTATTCGTATGATCCGTAACTATTACAGTGGTTCTTCT

CCTTTTATCTCTACCAGTGCTAGCCGGCGCTATTACCATACTACTAACTGACCGAAATCT

TAATACATCATTCTTCGACCCAGCTGGAGGAGGAGATCCAGTTCTGTATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>888\_Nais\_elinguis\_N4

---TACATTATACTTAATTCTAGGAGTATGAGCGGGAATAGTTGGAACTGGAACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAACTTGCTCAACCAGGAGCCTTCCTCGGAAGAGACCAACTCTATAA

CACCCTAGTTACAGCTCATGCATTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATGCCAGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTTCTACCACTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGATTAAATAATCTAAGATTTTGATTACTACCACCATCATTAATTATACTAATTTCATC

AGCCGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCATTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCTGGACCATCAGTTGACATGGCTATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCTATTTTAGGTGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGTTTACCTTTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACTGTAATTCTCCT

TCTACTATCGCTACCAGTATTAGCTGGCGCTATTACAATACTTCTTACAGACCGTAATTT

AAATACCTCATTCTTTGATCCAGCAGGAGGAGGAGATCCGATTCTTTATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>892\_Haplotaxis\_gordioides\_H1

---AACCCTTTCTTTTATCCTAGGCATCTGAGGGGGACTTCTAGGAACAAGAATAAGAAT

AGTAATCCGAATTGAACTAAGACAACCAGGGTCATTCCTTGGTAGAGATCAATTATACAA

TACCATTGTTACTGCCCATGCCTTCCTAATAATTTTCTTTCTTGTCATACCAGTATTTAT

TGGAGGGTTCGGAAACTGACTCTTACCTCTAATGTTAGGAGCCCCCGACATAGCATTCCC

ACGACTCAACAATATAAGATTTTGACTTCTACCTCCTGCAACAATCCTTCTTGTGTCCTC

AGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCAGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCGCCCTTAGCCAGAAA

TCTTGCACATGCTGGCCCTTCTGTTGATCTCGCCATTTTCTCTCTTCATTTAGCAGGAGT

TTCCTCCATTTTAGGAGCAGTAAATTTCATCACCACTGTTGTCAATATACGATGAAATGG

CCTGCGGTTAGAACGAATTCCTTTATTCGTATGATCCGTAACTATTACAGTGGTTCTTCT

CCTTTTATCTCTACCAGTGCTAGCCGGCGCTATTACCATACTACTAACTGACCGAAATCT

TAATACATCATTCTTCGACCCAGCTGGAGGAGGAGATCCAGTTCTGTATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>899\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTTCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>907\_Psammoryctides\_barbatus\_T8

---TACTTTATATTTAATTTTTGGCTTATGAGCTGGGATGGTCGGAACTGGAACTAGTTT

ATTAATTCGTATAGAACTCGCTCAACCGGGATCATTCCTTGGAAGAGACCAGTTATATAA

CACACTAGTAACAGCACATGCTTTCCTAATAATCTTCTTCCTAGTAATACCCGTATTTAT

TGGTGGGTTTGGTAATTGACTTCTACCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCTTTTCC

ACGCCTAAACAATTTAAGATTTTGATTATTACCTCCATCCCTTATTCTTCTAGTATCATC

TGCTGCTGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACAGTATATCCACCACTAGCTGGTAA

CCTGGCACACTCTGGCCCTTCTGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

CGCATCTATTTTAGGAGCCATTAATTTTATTACTACTATAATTAATATACGGTGAAAAGG

TATACGATTAGAGCGAATTCCTCTATTTGTATGAGCTGTAATCATTACAGTAATTCTTCT

TTTATTAACCCTTCCAGTATTAGCAGGTGCAATTACTATACTACTAACGGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGGGATCCTGTTCTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>913\_Psammoryctides\_barbatus\_T8

---TACTTTATATTTAATTTTTGGCTTATGAGCTGGGATGGTCGGAACTGGGACTAGTTT

ATTAATTCGTATAGAACTCGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGAAGAGACCAGTTATATAA

CACACTAGTAACAGCACATGCTTTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTAATACCCGTATTTAT

TGGTGGGTTTGGTAATTGACTTCTACCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCTTTCCC

ACGCCTAAACAATTTAAGATTTTGATTATTACCTCCATCCCTTATTCTTCTAGTATCATC

CGCTGCTGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACAGTATATCCACCACTAGCTGGTAA

CCTGGCACACTCTGGCCCTTCTGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

CGCATCTATTTTAGGAGCTATTAATTTTATTACTACTATAATTAATATACGGTGAAAAGG

TATACGATTAGAGCGAATTCCTTTATTTGTGTGAGCTGTAATCATTACAGTAGTTCTTCT

TTTATTAACCCTTCCAGTATTAGCCGGTGCAATTACTATACTACTAACGGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGGGATCCTGTTCTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>919\_Psammoryctides\_barbatus\_T8

---TACTTTATATTTAATTTTTGGCTTATGAGCTGGGATGGTCGGAACTGGAACTAGTTT

ATTAATTCGTATAGAACTCGCTCAACCGGGATCATTCCTTGGAAGAGACCAGTTATATAA

CACACTAGTAACAGCACATGCTTTCCTAATAATCTTCTTCCTAGTAATACCCGTATTTAT

TGGTGGGTTTGGTAATTGACTTCTACCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCTTTTCC

ACGCCTAAACAATTTAAGATTTTGATTATTACCTCCATCCCTTATTCTTCTAGTATCATC

TGCTGCTGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACAGTATATCCACCACTAGCTGGTAA

CCTGGCACACTCTGGCCCTTCTGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

CGCATCTATTTTAGGAGCCATTAATTTTATTACTACTATAATTAATATACGGTGAAAAGG

TATACGATTAGAGCGAATTCCTCTATTTGTATGAGCTGTAATCATTACAGTAATTCTTCT

TTTATTAACCCTTCCAGTATTAGCAGGTGCAATTACTATACTACTAACGGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGGGATCCTGTTCTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>918\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>916\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>917\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>688\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>689\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>690\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTCTAGGCATTTGAGCAGGTATACTTGGTGCTGCTATAAGACT

TTTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCAGGATCTTTTCTTGGTAGAGACCAACTATATAA

TACTATTGTAACAGCCCATGCCTTCCTAATAATCTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGTTTTGGAAATTGACTACTCCCATTAATACTTGGGGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCTCCTTCATTATTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCTGTTGAAAAAGGCGCAGGAACAGGATGAACAGTATATCCTCCCCTTTCTAGAAA

TATAGCACATGCTGGACCCTCTGTAGACTTAGCCATTTTCTCCCTTCACTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATTCTAGGAGCAGTAAATTTCATTACGACAGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTTAGATTAGAACGAATCCCTTTATTTGTATGAGCAGTAACAATCACTGTAGTACTTCT

TCTTCTATCTCTTCCAGTATTAGCTGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGATCGAAATTT

AAATACATCATTTTTTGATCCAGCTGGAGGAGGTGATCCCGTTTTATACCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>691\_Potamothrix\_bavaricus\_T7

-----------ATATAATGTATGGCCTATGAACAGGCATGGTAGGAACTGGAACTAGACT

ACTAATTCGAATGGAACTTGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGCAGAGATCAACTCTATAA

CACTCTCGTAACCGCACACGCATTTCTTATAATCTTTTTCCTTGTTATACCTGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTCCTCGTCCCATTAATACTTGGCGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGGCTAAATAACTTAAGATTTTGACTAATACCCTCATCTGTAATTCTATGCGTGTCATC

AGCTGCTGTTGAAAAAGGAGCCGGTACTGGTTGAACAGTATACCCCCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCATTCAGGCCCATCTGTCGACTTAGCTATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGTAT

CTCCTCTATTCTAGGGGCGATTAACTTTATTACCACTATAATTAATATGCGTTGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTACTATTATTACAGTAGTATTACT

CCTACTAACTCTTCCTGTCCTGGCCGGAGCTATTACTATACTTCTAACCGACCGTAATCT

AAATACCTCATTCTTCGACCCTGCTGGAGGGGGGTGACCCCTGTCCC-------------

---------------------------------------------

>693\_Cernosvitoviella\_minor\_E8

---AACACTTTACTTTATTTTAGGTGTATGAGCAGGAATACTAGGAGCTGCTATAAGACT

TCTAATTCGAATTGAACTGAGACAACCTGGCTCATTCCTAGGGAGAGATCAATTATATAA

TACTATCGTTACAGCACATGCATTTTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGATTTGGGAACTGACTTTTACCTTTAATATTAGGAGCTCCAGACATGGCTTTTCC

TCGATTAAACAACATAAGATTTTGACTCCTACCACCATCATTAATATTATTAGTATCCTC

AGCAGCCGTAGAAAAAGGAGCCGGCACTGGATGAACAGTATATCCACCTCTTTCTAGAAA

TTTAGCACATGCTGGACCATCAGTAGATTTAGCAATTTTCTCTCTTCATCTTGCAGGAGC

TTCCTCAATTCTTGGGGCCGTAAACTTTATTACTACAGTAGTAAATATACGTTGACAAGG

CCTTCGACTAGAACGAATCCCCCTATTTGTATGAGCAGTAGTAATTACAGTAGTTCTACT

ACTCTTATCTCTACCAGTACTAGCAGGAGCAATTACTATACTATTAACAGACCGAAATTT

AAACACATCATTCTTTGACCCGGCAGGAGGGGGAGACCCTATTTTATACCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>694\_Globulidrilus\_riparius\_E9

---CACTATATATTTTATCCTAGGTGTTTGAGCCGGAATACTAGGAGCAGCAATAAGACT

ATTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCTGGTGCATTTCTTGGAAGAGACCAACTCTATAA

TACTATCGTAACAGCTCATGCATTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATGCCTGTGTTCAT

TGGTGGATTTGGAAACTGATTACTCCCTTTAATGCTAGGAGCACCAGATATAGCCTTTCC

ACGTCTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTTCCACCTTCACTACTTCTTCTTGTTTCATC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCTGGAACTGGTTGAACTGTATATCCCCCTCTATCAAGAAA

CATAGCTCACGCAGGACCATCCGTAGACCTAGCAATTTTTTCCCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCAATTCTTGGAGCAGTAAATTTTATCACAACAGTAATTAACATACGATGACAAGG

ATTGAGATTAGAGCGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTGTAACAATCACTGTAGTTCTTCT

TCTTCTATCTCTCCCTGTTCTGGCTGGTGCAATCACCATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAACACTTCATTTTTTGACCCTGCTGGAGGAGGAGATNCAGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>695\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>696\_Globulidrilus\_riparius\_E9

---CACTATATATTTTATCCTGGGTGTTTGAGCCGGAATACTAGGAGCAGCAATAAGACT

ATTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCTGGCGCATTCCTTGGAAGAGACCAACTCTATAA

TACTATCGTAACAGCACATGCATTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATGCCTGTGTTCAT

TGGTGGATTTGGAAACTGATTACTCCCTTTAATGCTAGGAGCACCAGATATAGCCTTTCC

ACGTCTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTTCCACCTTCACTACTTCTTCTTGTATCATC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCTGGAACTGGTTGAACCGTATACCCCCCTCTATCGAGAAA

CATAGCTCATGCAGGACCATCTGTAGACCTAGCAATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCAATTCTTGGGGCAGTAAATTTTATCACAACAGTAATTAACATACGATGACAAGG

ATTAAGATTAGAGCGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTGTAACAATCACTGTAGTTCTTCT

TCTTCTATCTCTCCCTGTTCTAGCTGGCGCAATCACCATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAACACTTCATTTTTTGACCCTGCTGGAGGAGGAGATCCAGTATTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>697\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTCTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCTGCTATAAGGCT

TTTAATTCGAATCGAATTAAGACAACCTGGATCCTTTCTTGGTAGAGATCAGCTTTATAA

TACTATTGTAACAGCTCATGCCTTTCTAATAATCTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGATTATTACCATTAATACTAGGGGCTCCAGATATAGCATTTCC

ACGTTTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCTCCATCATTATTATTACTTGTATCATC

CGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGTACAGGATGAACAGTATATCCACCTCTTTCTAGAAA

TATGGCACATGCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTTCTCTTCATCTAGCAGGTGC

TTCATCAATTTTAGGAGCAGTAAACTTTATTACAACAGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTTAGATTAGAACGAATCCCTCTATTTGTATGGGCAGTAACCATTACTGTAGTACTTCT

TCTATTATCCCTTCCAGTTTTAGCCGGCGCTATTACTATACTTTTAACTGATCGAAATTT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGCGGGGACCCTGTTTTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>698\_Globulidrilus\_riparius\_E9

---CACTATATATTTTATCCTAGGTGTTTGAGCCGGAATACTAGGAGCAGCAATAAGACT

ATTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCTGGTGCATTCCTTGGAAGAGACCAACTCTATAA

TACTATCGTAACAGCACATGCATTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATGCCTGTGTTCAT

TGGTGGATTTGGAAACTGATTACTCCCTTTAATGCTAGGAGCACCAGATATAGCCTTTCC

ACGTCTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTTCCACCTTCACTACTTCTTCTTGTATCATC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCTGGAACTGGTTGAACCGTATACCCCCCTCTATCGAGAAA

CATAGCTCATGCAGGACCATCTGTAGACCTAGCAATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCAATTCTTGGGGCAGTAAATTTTATCACAACAGTAATTAACATACGATGACAAGG

ATTAAGATTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTGTAACAATCACTGTAGTTCTTCT

TCTTCTATCTCTCCCTGTTCTAGCTGGCGCAATCACCATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAACACTTCATTTTTTGACCCTGCTGGAGGAGGAGATCCAGTATTATATCAACACTTATT

---------------------------------------------

>699\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>700\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTG-------------------

---------------------------------------------

>701\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTCTAGGCATTTGAGCAGGTATACTTGGTGCTGCTATAAGACT

TTTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCAGGATCTTTTCTTGGTAGAGACCAACTATATAA

TACTATTGTAACAGCCCATGCCTTCCTAATAATCTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGTTTTGGAAATTGACTACTCCCATTAATACTTGGGGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCTCCTTCATTATTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCTGTTGAAAAAGGCGCAGGAACAGGATGAACAGTATATCCTCCCCTTTCTAGAAA

TATAGCACATGCTGGACCCTCTGTAGACTTAGCCATTTTCTCCCTTCACTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATTCTAGGAGCAGTAAATTTCATTACGACAGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTTAGATTAGAACGAATCCCTTTATTTGTATGAGCAGTAACAATCACTGTAGTACTTCT

TCTTCTATCTCTTCCAGTATTAGCTGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGATCGAAATTT

AAATACATCATTTTTTGATCCAGCTGGAGGAGGTGATCCCGTTTTATACCAACACTTATT

---------------------------------------------

>702\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>703\_Globulidrilus\_riparius\_E10

---CACAATATATTTTATTTTAGGTGTTTGAGCAGGTATACTAGGTGCAGCTATAAGATT

ACTAATTCGTATTGAATTAAGCCAACCAGGATCATTTCTTGGTAGAGATCAATTATACAA

TACCATTGTAACCGCTCATGCCTTCTTAATAATCTTCTTCTTAGTAATACCTGTATTTAT

TGGAGGATTTGGAAACTGACTACTTCCATTAATACTAGGTGCCCCTGACATAGCATTCCC

GCGACTAAATAATATAAGATTCTGACTCCTTCCTCCATCACTATTACTACTAGTATCTTC

AGCCGCTGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTATACCCACCCCTTTCAAGAAA

TATAGCTCATGCAGGCCCATCTGTAGATCTAGCTATTTTCTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

GTCTTCAATTCTAGGTGCTGTAAATTTCATCACTACAGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTTAGATTAGAACGAATCCCTTTATTTGTTTGAGCAGTAACTATTACTGTAGTTCTTCT

TCTACTATCTCTACCAGTTTTAGCAGGAGCCATTACTATACTTCTAACTGACCGTAATTT

AAACACCTCATTCTTTGATCCTGCTGGAGGTGGAG-------------------------

---------------------------------------------

>704\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATATA-------------

---------------------------------------------

>706\_Globulidrilus\_riparius\_E9

---CACTATATATTTTATCCTAGGTGTTTGAGCCGGAATACTAGGAGCAGCAATAAGACT

ATTAATTCGAATTGAATTAAGTCAACCTGGTGCATTCCTTGGAAGAGATCAACTCTATAA

TACTATCGTAACAGCTCATGCATTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATGCCTGTATTCAT

TGGTGGATTTGGAAACTGATTACTGCCTTTAATACTAGGGGCACCAGATATAGCCTTTCC

ACGTCTAAATAACATAAGATTTTGACTTCTTCCACCTTCACTACTTCTTCTTGTTTCATC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCTGGAACTGGTTGAACCGTATATCCTCCTCTATCAAGAAA

CATAGCTCATGCAGGACCATCTGTAGATCTAGCAATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCAATTCTTGGAGCAGTAAATTTTATCACAACAGTAATTAACATACGATGACAAGG

ATTAAGATTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCTGTAACAATCACTGTAGTTCTTCT

TCTTCTATCTCTCCCTGTTCTGGCTGGTGCAATCACCATATTATTAACTGATCGAAATCT

AAACACTTCATTTTTTGATCCTGCTGGTGGAGGAGA------------------------

---------------------------------------------

>707\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGA--------------------------------

---------------------------------------------

>708\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCC---------------------

---------------------------------------------

>709\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTGCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTNGNNNGANNNNGCTATTTTTNCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTTTTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAG-------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------

>710\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTG-------------------

---------------------------------------------

>711\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTNTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGG-----------------------------

---------------------------------------------

>712\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTNCTGTNGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGT--------------------------

---------------------------------------------

>713\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATCCTGTATTT--------------

---------------------------------------------

>715\_Potamothrix\_bavaricus\_T7

---ACTCCTTTATATAATGTATGGCCTATGAACAGGCATGGTAGGAACTGGAACTAGACT

ACTAATTCGAATGGAACTTGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGCAGAGATCAACTCTATAA

CACTCTCGTAACCGCACACGCATTTCTTATAATCTTTTTCCTTGTTATACCTGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTCCTCGTCCCATTAATACTTGGCGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGGCTAAATAACTTAAGATTTTGACTAATACCCTCATCTGTAATTCTATGCGTGTCATC

AGCTGCTGTTGAAAAAGGAGCCGGTACTGGTTGAACAGTATACCCCCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCATTCAGGCCCATCTGTCGACTTAGCTATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGTAT

CTCCTCTATTCTAGGGGCGATTAACTTTATTACCACTATAATTAATATGCGTTGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTACTATTATTACAGTAGTATTACT

CCTACTAACTCTTCCTGTCCTGGCCGGAGCTATTACTATACTTCTAACCG----------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------

>716\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTNCTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTT---------------------------------------------

---------------------------------------------

>717\_Globulidrilus\_riparius\_E11

---CACTATATATTTTATTTTAGGTATTTGAGCAGGTATACTTGGAGCAGCCATAAGACT

CTTAATTCGAATTGAATTAAGACAACCTGGATCTTTCCTTGGTAGAGATCAGTTATATAA

TACAATCGTAACAGCTCACGCCTTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGTTTCGGAAATTGATTATTACCTTTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATATAAGATTTTGACTTCTACCCCCATCATTACTACTTCTTGTATCATC

TGCTGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGGTGAACAGTATACCCCCCTCTTTCCAGTAA

TATAGCTCATGCAGGGCCTTCTGTTGATTTAGCTATTTTTTCTCTACATTTAGCAGGTGC

TTCTTCAATCTTAGGGGCAGTAAATTTTATTACTACCGTAATTAATATACGATGACAAGG

TCTCAGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCAGTAACTATTACTGTAGTACTTCT

CCTATTATCTCTCCCAGTTTTAGCAGGTGCCATTACTATACTTTTAACTGACCGAAATTT

AAACACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGATC----------------------

---------------------------------------------

>678\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

----------------------------TGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGATTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCCGCTGGTGGTGGAGA------------------------

---------------------------------------------

>679\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

-----------------TCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGATTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCCGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>680\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGATTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATGACGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTAT-------------

----------------------------------------------

>681\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

----------------------GGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>682\_Lumbriculidae\_LL3

---GACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTGGGAGCAGGCATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCTGGGTCATTTTTAGGAAGTGACCAACTATACAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTCATACCTATATTTAT

TGGTGGTTTTGGTAACTGAATACTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGGCTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTTCCACCATCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

CGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCAGGTACAGGATGAACAGTTTACCCGCCTCTATCAAGAAA

TTTAGCCCATGCAGGTCCATCAGTAGATCTAGCAATCTTTTCACTTCATCTAGCCGGAGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACAACAGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTACGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTAGTACTCTT

ACTATTATCTTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTTGATCCAGCGGGAGGTGGAGACCCAGTACTA--------------

---------------------------------------------

>683\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

-----------------TCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGNGAC-----------------------

---------------------------------------------

>684\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTAT-------------

----------------------------------------------

>685\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGATTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCCGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>882\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>896\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>897\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>929\_Limnodrilus\_udekemianus\_T23

---CACCCTTTATTTTATCTTCGGCCTATGAGCCGGTATAGTCGGTACCGGAACCAGATT

ATTAATTCGATTTGAACTAGCACAACCCGGATCATTTCTAGGTAGAGACCAACTCTATAA

CACACTAGTAACAGCACATGGATTTCTAATAATTTTCTTCCTTGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTCGGCAATTGACTAGTACCATTAATACTTGGGGCTCCCGACATAGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTTATTCTACTTGTATCCTC

AGCAGCCGTAGAAAAAGGGGCTGGAACAGGGTGAACTGTATATCCTCCATTAGCAGGGAA

TCTTGCTCATTCAGGCCCTTCTGTAGACCTTGCCATTTTTTCCCTTCATCTGGCCGGAAT

TTCTTCAATTTTAGGGGCTATTAACTTCATCACCACTATAATCAATATACGATGAAAAGG

AATACGACTTGAACGAATTCCTTTATTTGTGTGATCTGTAATTATCACTGTAGTCTTACT

TCTACTAACTCTCCCTGTATTAGCAGGTGCAATTACAATACTTCTAACAGATCGAAATCT

GAATACATCATTCTTTGATCCTGCCGGAGGAGGTGACCCTGTCCTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>879\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>941\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

-------------ATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTAGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTATCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCTGCGGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

---------------------------------------------

>942\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGAATCTGGGCCGGTATAGTTGGTACTGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCCCCTGATATAGCATTCCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCACCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

CGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCGGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGACCTTCCGTAGATCTGGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGGGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCGGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGGCGGTGACCCTGTATTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>943\_Nais\_elinguis\_N4

---TACATTATACTTAATTCTAGGAGTATGAGCGGGAATAGTTGGAACTGGAACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAACTTGCTCAACCAGGAGCCTTCCTCGGAAGAGACCAACTCTATAA

CACCCTAGTTACAGCTCATGCATTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATGCCAGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTTCTACCACTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGATTAAATAATCTAAGATTTTGATTACTACCACCATCATTAATTCTACTAATTTCATC

AGCCGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCATTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCTGGACCATCAGTTGACATGGCTATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCTATTTTAGGTGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGTTTACCTTTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACTGTAATTCTCCT

TCTACTATCGCTACCAGTATTAGCTGGCGCTATTACAATACTTCTTACAGACCGTAATTT

AAATACCTCATTCTTTGATCCAGCAGGAGGAGGAGATCCGATTCTTTATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>954\_Henlea\_perpusilla\_E16

---AACNCTATATTTCATTCTAGGCGTATGAGCCAGAATGATAGGAGCAGCCATAAGCCT

TCTAATTCGAATTGAACTAAGTCAACCAGGTTCATTCCTCGGAAGAGACCAACTCTACAA

CACTATTGTTACTGCACATGCATTTCTTATAATTTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTCCCATTAATACTAGGGGCCCCAGATATAGCTTTTCC

CCGACTAAATAACATAAGTTTTTGACTTCTTCCCCCATCACTTCTTCTTCTACTTTCCTC

TGCAGCTGTGGAAAAAGGAGCCGGAACCGGCTGAACTGTATATCCCCCCCTATCAAGAAA

CATCGCTCATGCAGGCCCATCTGTAGACCTAGCCATTTTCTCCCTCCACTTAGCCGGAGC

ATCCTCCATCTTAGGTGCAGTAAACTTTATCACTACTGTTATTAATATACGTTGACAAGG

CCTTCACCTAGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAACAATTACAGTAGTCCTTCT

CCTCTTATCTTTACCAGTATTAGCCGGAGCAATTACTATACTACTAACTGACCGAAACCT

AAACACATCCTTTTTCGACCCAGCTGGAGGAGGTGACCCAATTCTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>955\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>956\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATTATTTTCGGGATTTGAGCTGGAATGGTCGGGACAGGAACTAGCCT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAACTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACACGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

CGGGGGCTTCGGCAATTGACTAGTGCCTTTAATACTGGGGGCCCCTGACATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATTTAAGATTTTGACTATTACCTCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCAGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCACCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGNCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCCCTACATTTAGCGGGAGT

AGCATCGATTCTAGGGGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGGTGAAAAGG

GATACGTCTTGAACGAATTCCTCTATTTGTATGAGCCGTAATTCTAACTGTAATCTTACT

TCTACTAACATTACCAGTTTTAGCGGGTGCTATTACCATGCTACTGACAGATCGAAACCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGTGATCCTGTACTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>957\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGGATAGTAGGAGCAGGGATGAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCCGGGTCATTTTTAGGAAGTGACCAACTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCATTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGTTTTGGTAACTGAATACTACCGTTAATATTAGGAGCACCAGACATAGCATTTCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGATTACTACCACCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTAGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCTGGACCCTCAGTAGACCTGGCAATCTTCTCACTCCATCTAGCAGGAGC

CTCCTCCATTTTAGGAGCCATTAACTTTATTACGACTGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTACGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTAGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTTGATCCAGCTGGAGGTGGAGACCCCGTACTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>958\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>959\_Tubificinae\_sp\_T32

---ATTTTTATATATATTATTTGGGCTATGAGCTGGAATAGTAGGAACTGGTACCAGTCT

TCTAATTCGGTTAGAACTTGCTCAACCAGGCTCATTCCTGGGAAGAGATCAACTTTATAA

TACTATTGTAACAGCACATGCATTCCTGATAATCTTCTACATAGTAATACCAATTTATGT

AGGAGGATTTGGAAACTATTTAATACCTTTAATACTGGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTAAATAACCTGAGATTCTGATTAATACCGCCATCTTTAATTCTTCTAGTAGCATC

AGCTGCTGTTGAAAAAGGGGCCGGAACTGGATGAACTGTTTACCCTCCTCTAGCTAGAAA

TCTGGCACATTCTGGTCCATCAGTAGATCTAGCTATTTTTGCCTTACATCTTGCTGGTGC

AGCCTCTATTATCGGAGCCATTAATTTCATTACAACAATAATTAATATACGCTGAAAAGG

GATGCGACTAGAGCGTATTCCCCTGTTCGTGTGATCTGTAATTATTACTGTAGTTCTATT

ATTACTTACACTTCCTGTTCTTGCAGGTGCCATTACTATACTCCTAACAGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTCGATCCTGCTGGTGGCGGTGACCCTGTACTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>960\_Nais\_alpina\_N8

---TACACTATATTTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTGGGAACTGGAACAAGATT

ACTTATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAACTATACAA

CACTCTTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTGGTAATACCAGTATTCAT

TGGGGGGTTTGGAAACTGACTTCTTCCATTAATACTAGGTGCTGCCGATATAGCATTTCC

ACGACTTAATAATCTTAGATTTTGATTGCTACCACCATCATTAATTTTATTAATTTCTTC

TGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTTTATCCGCCTCTATCAAGAAA

TCTAGCACATGCCGGACCTTCTGTAGATATGGCTATTTTTTCACTTCATTTAGCAGGTGC

TTCATCTATTTTAGGAGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAATGG

AATACGACTAGAACGGCTACCATTATTTGTTTGAGCAGTATTTCTTACAGTAATTCTTCT

TTTATTATCTCTTCCAGTACTTGCTGGGGCAATTACAATACTATTAACAGATCGAAATCT

TAATACTTCATTTTTTGATCCTGCTGGAGGTGGGGATCCAATCTTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>961\_Eiseniella\_tetraedra\_LC3

---AACCCTTTACTTCATTTTAGGTATTTGAGCTGGGATGGTAGGAGCTGGAATAAGCTT

ACTAATTCGAATCGAATTAAGCCAACCTGGAGCCTTTTTAGGTAGTGACCAACTATACAA

CACTATTGTCACAGCACACGCATTCGTAATAATCTTTTTCCTAGTAATACCAGTATTCAT

TGGTGGATTCGGAAACTGGTTATTACCTTTAATACTTGGTGCGCCAGATATAGCATTTCC

ACGTTTAAATAACATAAGATTTTGACTTTTACCTCCTTCTCTAATTCTATTAGTATCTTC

CGCCGCCGTAGAAAAGGGTGCCGGGACAGGTTGAACTGTTTACCCACCCTTAGCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGACCATCCGTAGATCTAGCTATTTTCTCCTTACATTTAGCGGGAGC

TTCATCTATTTTAGGGGCCATCAACTTTATTACCACAGTCATTAATATACGATGAAGGGG

CTTACGATTAGAACGAATCCCCCTTTTCGTCTGAGCTGTGCTAATTACAGTGATTCTTCT

ACTACTATCATTGCCCGTGCTTGCAGGAGCAATTACCATGTTATTAACTGACCGAAATCT

CAACACATCTTTTTTTGATCCGGCTGGTGGTGGTGACCCAATTCTATATCAACACCTCTT

C--------------------------------------------

>962\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATTATTTTCGGGATTTGAGCTGGAATGGTCGGGACAGGAACTAGCCT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAACTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACACGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

CGGGGGCTTCGGCAATTGACTAGTGCCTTTAATACTGGGGGCCCCTGACATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATTTAAGATTTTGACTATTACCTCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCAGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCACCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGACCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCCCTACATTTAGCGGGAGT

AGCATCGATTCTAGGGGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGGTGAAAAGG

GATACGTCTTGAACGAATTCCTCTATTTGTATGAGCCGTAATTCTAACTGTAATCTTACT

TCTACTAACATTACCAGTTTTAGCGGGTGCTATTACCATGCTACTGACAGATCGAAACCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGTGATCCTGTACTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>963\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>964\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1000\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1001\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>1002\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACTCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGAACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCCGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTGGTAACGGCTCATGCATTTTTAATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCAGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTGGGTGCAATCAACTTCATTACCACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

GATGCGACTAGAACGTATTCCTTTATTTGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGGGCTATCACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>1003\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>1004\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTTGGAATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACCGGTACCAGACT

ATTAATCCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATACAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCTCCTGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCCCCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

AGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCAGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGACCTTCTGTAGATCTAGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCGGGAGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCGGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGGCGGTGACCCTGTATTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>1005\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>1006\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTTGGAATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACCGGTACCAGACT

ATTAATCCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATACAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCTCCTGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCCCCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

AGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCAGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGACCTTCTGTAGATCTAGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCGGGAGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCGGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGGCGGTGACCCTGTATTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>1007\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>1008\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

CTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGAGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>1009\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>965\_Nais\_communis\_N10

------------------TTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTAGGAACTGGAACTAGATT

ACTTATTCGAATTGAATTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTTGTAACAGCACACGCGTTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTCCCACTAATACTAGGTGCTGCTGATATAGCATTCCC

ACGACTAAACAATCTTAGATTTTGACTACTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCTTC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTTTATCCGCCTCTATCAAGAAA

TCTAGCACACGCTGGACCTTCAGTAGACATGGCCATTTTCTCACTTCACTTAGCAGGTGC

TTCTTCTATTTTAGGGGCAGTAAATTTCATTACAACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

AATACGATTAGAACGACTTCCACTATTCGTATGAGCAGTATTTCTTACAGTAATTCTCCT

TCTTCTATCACTTCCCGTTCTTGCTGGTGCAATTACAATACTATTAACAGATCGAAATCT

TAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGTGGTGGAGATCCGATCTTATATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>966\_Ophidonais\_serpentina\_N5

---------------------AGGAGTATGAGCAGGAATAGTTGGTACAGGAACAAGAAT

ACTGATTCGAATTGAACTAGCTCAACCAGGAGCTTTTCTAGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTAACAGCACATGCGTTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGCGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCATTAATATTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTCTGACTTCTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCATC

TGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTATATCCTCCATTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGACCTTCAGTTGACATGGCTATTTTTTCACTACATCTAGCAGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAGTTAACTTCATTACTACAGTAATAAACATACGATGAAATGG

AATACGACTTGAACGAGTACCATTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATTCTTCT

TCTTTTATCATTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATTTTATACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>967\_Nais\_elinguis\_N4

---TACATTATACTTATTTCTAGGAGTATGAGCGGGAATAGTTGGAACTGGAACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAACTTGCTCAACCAGGAGCCTTCCTCGGAAGAGACCAACTCTATAA

CACCCTAGTTACAGCTCATGCATTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATGCCAGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTTCTACCACTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGATTAAATAATCTAAGATTTTGATTACTACCACCATCATTAATTCTACTAATTTCATC

AGCCGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCATTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCTGGACCATCAGTTGACATGGCTATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCTATTTTAGGTGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGTTTACCTTTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACTGTAATTCTCCT

TCTACTATCGCTACCAGTATTAGCTGGCGCTATTACAATACTTCTTACAGACCGTAATTT

AAATACCTCATTCTTTGATCCAGCAGGAGGAGGAGATCCGATTCTTTATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>968\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACTCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGAACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCTGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTGGTAACGGCTCATGCATTTTTAATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCAGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTGGGTGCAATCAACTTCATTACCACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

GATGCGACTAGAACGTATTCCTTTATTTGTATGATCGGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGGGCTATCACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>969\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>970\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACTCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGAACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCCGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTGGTAACGGCTCATGCATTTTTAATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCAGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTGGGTGCAATCAACTTCATTACCACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

GATGCGACTAGAACGTATTCCTTTATTTGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGGGCTATCACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>971\_Tubifex\_tubifex\_T11

---AACTCTATATATCATTTTCGGGATTTGAGCTGGGATGGTCGGGACAGGAACTAGACT

CTTAATTCGTCTAGAACTGGCTCAACCTGGCTCATTCCTTGGAAGGGATCAGCTATACAA

CACCCTAGTTACAGCACATGCATTTCTGATAATTTTCTTCATGGTAATACCTATCTATAT

TGGGGGTTTCGGAAATTGGTTAGTACCCTTAATGCTGGGAGCTCCTGACATAGCATTCCC

CCGATTAAATAATTTAAGATTTTGGTTATTACCCCCTTCCTTAATCCTCCTTGTATCCTC

CGCGGCCGTAGAAAAGGGGGCTGGAACAGGGTGAACAGTATATCCGCCCCTAGCTAGAAA

TCTGGCTCATTCTGGGCCTTCTGTAGACTTAGCTATTTTCTCTCTACATTTAGCTGGGGT

GGCATCGATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

GATACGCCTTGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAATTCTAACCGTAATCTTACT

TTTACTAACATTACCAGTTTTAGCTGGTGCCATTACCATGCTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACATCCTTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGAGATCCTGTGCTCTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>972\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCCAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGA------------------------

---------------------------------------------

>973\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>974\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>975\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGAATCTGGGCCGGTATAGTTGGTACTGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCCCCTGATATAGCATTCCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCACCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

CGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCGGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGACCTTCCGTAGATCTGGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGGGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCGGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGGCGGTGACCCTGTATTATACCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>976\_Aulodrilus\_pluriseta\_T4

---AACTCTATACTTCATTTTCGGGATCTGAGCCGGTATAGTTGGTACCGGTACCAGACT

ATTAATTCGCTTAGAACTGGCACAACCTGGATCCTTCTTAGGAAGTGATCAACTATATAA

TACATTAGTAACAGCTCACGCATTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTTATACCTGTATTCAT

CGGGGGATTCGGAAATTGATTAATCCCATTAATACTAGGTGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCACCCTCACTAATTCTACTAGTTTCATC

CGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCAGGGACAGGTTGAACAGTATATCCACCACTTGCTGGCAA

TCTAGCCCATTCAGGACCCTCCGTAGATCTGGCAATCTTCTCTCTACACTTAGCAGGGGT

AGCATCAATTCTAGGTGCTATTAACTTCATTACCACTATAATCAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCTCTATTTGTCTGAGCCGTAATTCTTACCGTTGTACTCCT

TCTATTAACCTTACCAGTTCTGGCAGGGGCAATTACTATACTTCTAACTGACCGCAATCT

AAACACCTCCTTCTTCGATCCAGCTGGGGG------------------------------

---------------------------------------------

>977\_Potamothrix\_bavaricus\_T7

---ACTCCTTTATATAATGTATGGCCTATGAACAGGCATGGTAGGAACTGGAACTAGACT

ACTAATTCGAATGGAACTTGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGCAGAGATCAGCTCTATAA

CACTCTCGTAACCGCACACGCATTTCTTATAATCTTTTTCCTTGTTATACCTGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTCCTCGTCCCATTAATACTCGGCGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGGCTAAATAACTTAAGATTTTGACTAATACCCTCATCTGTAATTCTATGCGTGTCATC

AGCTGCTGTTGAAAAAGGAGCCGGTACTGGTTGAACAGTATACCCCCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCATTCAGGCCCATCTGTCGACTTAGCTATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGTAT

CTCCTCTATTCTAGGGGCGATTAACTTTATTACCACTATAATTAATATGCGTTGAAAAGG

GATGCGCCTAGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTACTATTATTACAGTAGTATTACT

CCTACTAACTCTTCCTGTCCTGGCCGGAGCTATTACTATACTTCTAACCGACCGTAATCT

AAATACCTCATTCTTCGACCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTCCTATACCAACACCTGTT

C--------------------------------------------

>978\_Potamothrix\_bavaricus\_T7

---ACTCCTTTATATAATGTATGGCCTATGAACAGGCATGGTAGGAACTGGAACTAGACT

ACTAATTCGAATGGAACTTGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGCAGAGATCAGCTCTATAA

CACTCTCGTAACCGCACACGCATTTCTTATAATCTTTTTCCTTGTTATACCTGTATATAT

TGGTGCCTTCGGAAACTTCCTCGTCCCATTAATACTCGGCGCCCCTGATATAGCATTTCC

ACGGCTAAATAACTTAAGATTTTGACTAATACCCTCATCTGTAATTCTATGCGTGTCATC

AGCTGCTGTTGAAAAAGGAGCCGGTACTGGTTGAACAGTATACCCCCCATTAGCAAGAAA

TCTTGCTCATTCAGGCCCATCTGTCGACTTAGCTATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGTAT

CTCCTCTATTCTAGGGGCGATTAACTTTATTACCACTATAATTAATATGCGTTGAAAAGG

AATGCGCCTAGAACGAATTCCATTATTTGTATGAGCTACTATTATTACAGTAGTATTACT

CCTACTAACTCTTCCTGTCCTGGCCGGAGCTATTACTATACTTCTAACCGACCGTAATCT

AAATACCTCATTCTTCGACCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTCCTATACCAACACCTGTT

C--------------------------------------------

>979\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATATTCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>980\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>981\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATATTCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>982\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>983\_Nais\_communis\_N9

---TACATTATATTTAATTCTAGGAGTATGAGCAGGAATAATCGGAACAGGGACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAATTAGCTCAACCCGGAGCCTTCTTAGGAAGAGACCAACTATACAA

CACATTAGTTACTGCACACGCGTTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTTATACCTGTATTCAT

TGGTGGATTCGGAAACTGACTTCTACCTCTAATACTTGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAATAATCTTAGGTTCTGATTACTCCCCCCATCATTAATTCTTTTAGTTTCATC

CGCGGCCGTTGAAAAAGGAGCCGGAACAGGTTGAACTGTTTACCCACCACTATCAAGAAA

CCTGGCCCATGCAGGACCATCTGTAGACATGGCTATTTTCTCACTACATTTAGCCGGGGC

ATCATCTATTTTAGGAGCAGTAAATTTTATTACAACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGACTACCACTATTTGTATGAGCTGTAATACTTACTGTAATCCTTCT

ACTACTATCACTACCAGTTCTAGCAGGAGCAATTACTATACTATTAACAGACCGTAATTT

AAATACATCATTCTTCGACCCCGCTGGAGGGGGAGACCCAATCTTATATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>984\_Nais\_stolci\_pardalis\_N12

---TACACTATATCTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTAGGAACTGGTACAAGATT

ATTAATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAACTATATAA

TACTCTCGTAACAGCCCACGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTTGGAAACTGACTTCTTCCATTAATACTAGGTGCTGCTGATATGGCATTCCC

ACGACTAAACAACCTTAGATTTTGACTACTACCACCATCACTAATTCTATTAGTTTCTTC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTATATCCACCACTATCAAGAAA

TCTAGCCCATGCTGGACCTTCAGTAGATATGGCTATTTTTTCACTTCATTTAGCAGGTGC

TTCTTCTATTTTAGGAGCTGTAAACTTTATTACGACTGTAATAAACATGCGTTGAAATGG

AATACGATTAGAACGACTACCACTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACAGTAATTCTTCT

ACTATTATCTCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATTACAATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

TAATACTTCATTCTTCGACCCTGCTGGTGGTGGAGACCCGATCCTTTACCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>985\_Ophidonais\_serpentina\_N5

---TACATTATATTTAATCTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTTGGTACAGGAACAAGAAT

ACTGATTCGAATTGAACTAGCTCAACCAGGAGCTTTTCTAGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTAACAGCACATGCGTTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGCGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCATTAATATTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTCTGACTTCTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCATC

TGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTATATCCTCCATTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGACCTTCAGTTGACATGGCTATTTTTTCACTACATCTAGCAGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAGTTAACTTCATTACTACAGTAATAAACATACGATGAAATGG

AATACGACTTGAACGAGTACCATTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATTCTTCT

TCTTTTATCATTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATTTTATACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>986\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACCCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGGACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTCGCCCAACCTGGGTCCTTTTTAGGAAGAGACCAATTATATAA

TACCCTGGTAACGGCTCACGCATTTTTAATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCAGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTGTCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCTCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGACCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTGGGTGCAATCAACTTCATTACTACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

TATGCGACTAGAACGTATTCCTTTATTCGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTGCTTACACTTCCAGTTTTAGCTGGGGCTATCACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>987\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>988\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>989\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>990\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T18

---CACCTTATATATAATCTTCGGCCTATGAGCCGGAATAGTGGGCACAGGAACAAGCCT

GCTAATTCGATTCGAATTAGCACAACCTGGTTCATTCCTCGGTAGAGATCAACTCTATAA

TACCTTAGTGACAGCCCACGGTTTCCTTATAATCTTCTTCATGGTAATACCAATTTTTAT

TGGTGGCTTCGGAAATTGACTAGTCCCCCTAATGCTAGGAGCTCCTGACATGGCCTTTCC

ACGACTAAATAACCTAAGATTTTGACTAATACCTCCATCACTCATTCTATTAGTTTCATC

AGCCGCAGTCGAAAAGGGAGCGGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCTCTAGCCAGAAA

CCTGGCGCACTCTGGGCCATCTGTGGATCTAGCAATCTTCTCTCTTCACTTAGCCGGGGC

TGCATCAATTCTAGGTGCCATTAACTTCATTACCACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTAGAGCGCATTCCTCTATTTGTATGATCAGTAATCATTACAGTTGTCCTCCT

TCTTCTTACATTACCGGTTTTAGCGGGGGCAATCACCATACTTTTAACAGACCGAAACTT

AAACACATCATTCTTCGATCCCTGCGGAGGGGGGGACCCGGTACTATATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>991\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAATTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGGAACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAGTTAGCTCAACCCGGGTCATTCTTAGGCAGAGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATGGTAATGCCAATCTTTAT

CGGTGGATTTGGAAATTGACTAATTCCCTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCACCATCGTTAATTCTATTAGTGTCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCTGGCACAGGTTGAACTGTATATCCGCCACTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCGGGGCCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTCGAACGAATTCCATTATTCGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTGACCCTTCCGGTACTTGCGGGGGCTATCACGATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCGGGGGGGGGAGACCCTGTACTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>992\_Nais\_communis\_N9

---TACATTATATTTAATTCTAGGAGTATGAGCAGGAATAATCGGAACAGGGACAAGAAT

ACTAATTCGAATCGAATTAGCTCAACCCGGAGCCTTCTTAGGAAGAGATCAATTATACAA

CACCTTAGTTACTGCACACGCGTTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTTATACCTGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTTCTACCTCTAATACTAGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAATAATCTTAGATTCTGATTACTTCCGCCATCATTAATTCTTTTAGTTTCATC

AGCGGCCGTTGAAAAAGGAGCCGGAACTGGTTGAACTGTTTACCCACCATTATCAAGAAA

TCTAGCCCATGCAGGACCATCAGTAGACATGGCTATTTTCTCATTACATTTAGCCGGGGC

ATCATCTATTTTAGGAGCAGTTAATTTTATTACAACAGTAATAAATATGCGATGAAATGG

TATACGATTAGAACGACTACCACTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATCCTTCT

ACTATTATCATTACCAGTTCTAGCAGGAGCAATTACTATGCTATTAACAGACCGTAATTT

AAATACATCATTCTTCGACCCAGCGGGAGGAGGAGACCCAATTCTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>993\_Ophidonais\_serpentina\_N5

---TACATTATATTTAATCTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTTGGTACAGGAACAAGAAT

ACTGATTCGAATTGAACTAGCTCAACCAGGAGCTTTTCTAGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTAACAGCACATGCGTTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGCGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCATTAATATTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTCTGACTTCTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCATC

TGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTATATCCTCCATTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGACCTTCAGTTGACATGGCTATTTTTTCACTACATCTAGCAGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAGTTAACTTCATTACTACAGTAATAAACATACGATGAAATGG

AATACGACTTGAACGAGTACCATTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATTCTTCT

TCTTTTATCATTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATTTTATACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>994\_Ophidonais\_serpentina\_N5

---TACATTATATTTAATCTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTTGGTACAGGAACAAGAAT

ACTGATTCGAATTGAACTAGCTCAACCAGGAGCTTTTCTAGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTAACAGCACATGCGTTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGCGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCATTAATATTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTCTGACTTCTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCATC

TGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTATATCCTCCATTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGACCTTCAGTTGACATGGCTATTTTTTCACTACATCTAGCAGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAGTTAACTTCATTACTACAGTAATAAACATACGATGAAATGG

AATACGACTTGAACGAGTACCATTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATTCTTCT

TCTTTTATCATTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATTTTATACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>995\_Tasserkidrilus\_kessleri\_T33

---AACACTATATATAATCTTTGGATTCTGAGCCGGAATAGTTGGTACTGGAACAAGACT

TTTAATTCGATTTGAATTAGCCCAACCTGGGTCCTTCCTCGGCAGAGATCAACTCTACAA

TACACTAGTTACAGCCCATGCATTCTTAATAATTTTCTTCCTTGTTATGCCAGTCTTCAT

TGGTGGATTTGGCAATTGATTAGTTCCCTTAATACTAGGAGCTCCTGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATTTAAGATTCTGACTACTACCCCCCTCCCTGATCCTACTAGTATCCTC

GGCCGCCGTAGAAAAGGGGGCAGGAACAGGATGAACAGTTTATCCACCATTAGCTGGCAA

TTTAGCCCATTCCGGCCCATCAGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCACCTGGCAGGAAT

CGCTTCTATTTTAGGGGCAATTAATTTTATTACTACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

TATACGTCTAGAACGTATCCCTCTATTTGTATGAGCAGTAATCCTGACAGTAATTCTTCT

TCTCCTAACTCTCCCTGTCCTAGCAGGTGCTATTACTATACTCCTAACTGACCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGTGATCCTGTGCTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>996\_Tasserkidrilus\_kessleri\_T33

---AACACTATATATAATCTTTGGATTCTGAGCCGGAATAGTTGGTACTGGAACAAGACT

TTTAATTCGATTTGAATTAGCCCAACCTGGGTCCTTCCTCGGCAGAGATCAACTCTACAA

TACACTAGTTACAGCCCATGCATTCTTAATAATTTTCTTCCTTGTTATGCCAGTCTTCAT

TGGTGGATTTGGCAATTGATTAGTTCCCTTAATACTAGGAGCTCCTGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATTTAAGATTCTGACTACTACCCCCCTCCCTGATCCTACTAGTATCCTC

GGCCGCCGTAGAAAAGGGGGCAGGAACAGGATGAACAGTTTATCCACCATTAGCTGGCAA

TTTAGCCCATTCCGGCCCATCAGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCACCTGGCAGGAAT

CGCTTCTATTTTAGGGGCAATTAATTTTATTACTACAATAATTAATATACGATGAAAAGG

TATACGTCTAGAACGTATCCCTCTATTTGTATGAGCAGTAATCCTGACAGTAATTCTTCT

TCTCCTAACTCTCCCTGTCCTAGCAGGTGCTATTACTATACTCCTAACTGACCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGACCCTGCTGGGGGTGGTGATCCTGTGCTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>997\_Tubifex\_tubifex\_T12

---AACTCTATACATAATTTTCGGAATCTGAGCTGGTATGGTTGGAACTGGAACTAGGCT

ATTAATTCGCCTTGAACTTGCCCAACCCGGGTCCTTTTTAGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTGGTAACGGCTCATGCATTTTTAATAATCTTCTTCATGGTGATACCAATCTATAT

TGGGGGCTTCGGCAACTGACTAGTACCATTAATACTGGGGGCTCCAGACATGGCCTTCCC

ACGATTAAACAACTTAAGATTCTGACTCCTACCCCCATCATTAATCCTTTTAGTATCCTC

TGCCGCCGTTGAAAAAGGCGCCGGAACTGGCTGAACTGTTTACCCCCCTCTAGCTAGAAA

TCTAGCTCACTCTGGGCCCTCAGTAGATTTAGCAATCTTTTCTCTACACTTAGCTGGTGT

TGCATCAATCCTGGGTGCAATCAACTTCATTACCACAATAATCAACATACGATGAAAAGG

GATGCGACTAGAACGTATTCCTTTATTTGTATGATCAGTAATTATCACTGTAATTCTACT

CCTACTCACACTTCCAGTTTTAGCTGGGGCTATCACAATACTTCTAACAGACCGGAATCT

AAATACATCATTTTTCGATCCTGCTGGAGGGGGTGACCCTGTACTATATCAACACCTATT

C--------------------------------------------

>998\_Lophochaeta\_ignota\_T6

---AACTCTCTATATAATCTTCGGCCTATGAGCGGGAATAGTCGGCACCGGTACTAGACT

ACTAATTCGACTAGAATTAGCTCAACCCGGATCATTCCTTGGTAGTGATCAACTATATAA

TACACTTGTTACTGCCCATGGATTCCTTATAATTTTCTTCATGGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGTAACTGACTAGTCCCATTAATACTTGGTGCCCCAGATATAGCCTTCCC

ACGAATAAATAATTTAAGATTTTGATTAATACCCCCCTCTTTAATCCTTCTCGTATCTTC

AGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGCTGAACAGTATATCCTCCATTAGCCGGGAA

TTTAGCTCACTCAGGACCATCCGTAGACCTAGCTATTTTCTCACTGCATTTAGCCGGAGC

TGCCTCAATTTTAGGTGCAATTAACTTTATTACGACTATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTAGAACGCATTCCTCTATTTGTTTGATCCGTAATTATCACAGTAGTCCTACT

TTTATTAACACTACCAGTTCTAGCAGGGGCCATTACAATATTACTTACAGACCGAAACTT

AAATACCTCATTCTTTGACCCTGCTGGAGGTGGAGACCCTGTTTTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>999\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

---------------------------------------------

>1010\_Uncinais\_uncinata\_N14

---TACACTATACTTAATTTTAGGAGTATGAGCGGGAATAGTAGGAACTGGAACTAGATT

ACTTATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTTGGCAACTGACTTCTCCCATTAATACTAGGTGCTGCCGATATAGCATTTCC

TCGATTAAATAATCTTAGATTTTGATTACTTCCACCATCATTAATTCTATTAGTTTCTTC

TGCTGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTATACCCACCACTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGCCCTTCTGTAGATATGGCTATTTTTTCACTACACTTAGCTGGTGC

TTCTTCTATTCTAGGAGCAGTTAATTTTATCACCACTGTAATAAATATACGTTGAAACGG

AATACGACTAGAACGACTTCCACTATTTGTTTGATCAGTATTCCTTACAGTAATTCTTCT

CTTATTATCTCTTCCTGTACTTGCTGGTGCAATTACAATACTATTAACAGATCGAAACCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCTGGTGGTGGAGACCCTATTCTATATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>1013\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAATTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGGAACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAGTTAGCTCAACCCGGGTCATTCTTAGGCAGAGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATGGTAATGCCAATCTTTAT

CGGTGGATTTGGAAATTGACTAATTCCCTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCACCATCGTTAATTCTATTAGTGTCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCTGGCACAGGTTGAACTGTATATCCGCCACTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCGGGGCCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATGCGATGAAAAGG

AATACGCCTCGAACGAATTCCATTATTCGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTGACCCTTCCGGTACTTGCGGGGGCTATCACGATACTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCGTTCTTCGACCCTGCGGGGGGGGGAGACCCTGTACTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1016\_Limnodrilus\_udekemianus\_T23

---CACCCTTTACTTTATCTTCGGCCTATGAGCCGGTATAGTTGGTACAGGTACCAGACT

ATTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGATCATTCCTAGGCAGAGACCAACTCTATAA

CACGCTAGTAACAGCACATGGATTTCTAATAATCTTCTTCCTTGTAATACCAGTATTTAT

TGGGGGATTCGGTAATTGATTAGTACCATTAATACTTGGGGCTCCTGACATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTAAGATTTTGATTAATACCTCCATCACTTATTCTACTTGTATCCTC

AGCAGCAGTGGAAAAAGGAGCTGGAACAGGATGAACTGTATACCCTCCATTAGCAGGAAA

TCTTGCCCATTCCGGACCTTCTGTAGATCTTGCTATTTTCTCTCTTCACCTGGCTGGAAT

TGCCTCAATTCTAGGAGCTATCAACTTTATCACCACTATAATTAATATACGATGAAAAGG

AATACGACTCGAACGAATTCCTTTATTTGTGTGATCTGTAATTATCACTGTAGTCTTACT

TCTACTAACTCTCCCTGTATTAGCAGGGGCAATTACAATGCTCCTAACAGATCGAAATCT

AAATACATCATTTTTTGATCCTGCCGGAGGAGGAGATCCTGTCCTATATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1017\_Limnodrilus\_hoffmeisteri\_T17

---CACCCTATACATAATCTTTGGCCTTTGAGCAGGAATAGTAGGCACAGGAACTAGACT

TTTAATTCGATTTGAGCTAGCACAACCCGGCTCATTTCTCGGTAGAGACCAATTATATAA

CACTCTAGTCACGGCTCACGGATTTTTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCTTTAT

TGGGGGATTTGGAAATTGATTAGTGCCTTTAATACTTGGAGCACCTGATATGGCATTCCC

ACGGCTTAATAACCTAAGATTCTGACTAATGCCCCCATCACTAATTCTACTAGTCTCATC

AGCTGCAGTTGAAAAAGGCGCAGGGACAGGGTGAACTGTATACCCCCCCTTAGCAAGAAA

TCTAGCTCATTCCGGGCCTTCTGTAGATCTGGCAATTTTTTCACTACACTTAGCAGGAGC

CGCATCAATCCTGGGAGCAATTAACTTCATCACAACAATAATCAATATACGATGAAAGGG

AATACGCTTAGAGCGTATTCCTTTATTTGTGTGATCCGTAATCATCACAGTTATTTTACT

TCTTCTTACCCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATCACCATACTTTTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCATTCTTTGATCCGGCAGGTGGAGGCGATCCAGTTTTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>1019\_Lumbriculus\_variegatus\_LL2

---CACTCTATATTTTATTCTTGGCGTCTGAGCCGGCATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ACTAATCCGAATTGAGCTCACACAACCAGGATCATTTCTAGGCAGAGATCAACTATACAA

TACCATAGTTACCGCACATGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATATTTAT

TGGCGGATTCGGAAATTGATTACTACCATTAATACTAGGTGCTCCAGACATAGCATTTCC

ACGACTAAATAATCTTAGTTTTTGACTACTACCCCCTTCCCTAATTTTATTAGTAAGATC

AGCTGCAGTAGAAAAAGGAGCAGGAACTGGATGAACTGTATACCCACCTCTAGCAAGTAA

TCTAGCACACGCTGGACCTTCTGTAGATCTAGCTATCTTCTCCCTTCATTTAGCCGGAGC

ATCCTCAATTCTAGGAGCCCTAAACTTTATTACAACTGTTATCAATATACGATGAAATGG

TATACGTCTAGAACGAATTCCTTTATTTGTATGAGCCGTAATAATTACAGTAATTTTACT

CCTATTATCCTTACCGGTATTAGCAGGAGCCATTACTATATTACTAACAGATCGAAACCT

AAACACCTCCTTCTTTGATCCAGCTGGGGGTGGAGACCCTGTCCTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>1020\_Henlea\_perpusilla\_E16

---AACACTATATTTCATTCTAGGCGTATGAGCCGGAATGATAGGAGCAGCCATAAGCCT

TCTAATTCGAATTGAACTAAGTCAACCAGGTTCATTCCTCGGAAGAGATCAACTCTACAA

CACTATTGTTACTGCACATGCATTTCTTATAATTTTTTTCCTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTCCCATTAATACTGGGAGCCCCAGATATAGCTTTTCC

CCGACTAAATAACATAAGATTTTGACTTCTTCCCCCATCACTTCTTCTTCTACTTTCCTC

TGCAGCTGTGGAAAAAGGAGCCGGAACCGGCTGAACTGTATACCCCCCCCTATCAAGAAA

TATCGCTCATGCGGGCCCATCTGTAGACCTAGCCATTTTCTCCCTCCACTTAGCCGGAGC

ATCCTCCATCTTAGGTGCAGTAAACTTTATCACTACTGTTATTAACATACGTTGACAAGG

CCTTCACCTAGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCTGTAACAATTACAGTAGTCCTTCT

CCTCTTATCTTTACCAGTGTTAGCCGGAGCAATTACTATACTACTAACTGACCGAAACCT

AAACACATCCTTTTTCGACCCAGCTGGAGGAGGTGACCCAATTCTATATCAACACCTATT

T--------------------------------------------

>1021\_Achaeta\_sp\_E7

---AACTCTATACTTTATCCTCGGAATATGAGCTGGCATAATAGGTGCAGCTATAAGACT

CCTCATTCGATTTGAACTAAGTCAACCCGGATCATTTTTAGGGAGAGACCAATTATATAA

TACCATTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGATTTGGAAATTGACTCATTCCATTAATACTTGGAGCTCCAGATATAGCTTTTCC

ACGATTAAATAATATAAGATTCTGATTACTTCCACCATCCCTCATATTACTTCTTTCTTC

TACAGCTGTAGAAAAAGGTATAGGAACAGGATGAACAGTATATCCTCCTTTAGCTAGAAA

CATTGCTCATGCAGGACCATCTGTAGATTTAGCCATTTTCTCTCTTCACTTAGCAGGAGC

TTCATCAATTCTAGGAGCAGTAAATTTCATTACTACTGTAATTAATATACGATGACAAGG

TATACGACTAGAACGAATTCCACTATTTGTATGAGCTATAATAATCACAGTAGCCCTCCT

ACTTTTAGCACTACCAGTCCTAGCTGGCGCAATTACTATGCTTCTTACTGATCGAAACCT

TAACACATCATTCTTTGATCCAGCTGGTGGAGGTGACCCTATTCTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>1022\_Nais\_elinguis\_N4

---TACATTATACTTAATTCTAGGAGTATGAGCGGGAATAGTTGGAACTGGAACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAACTTGCTCAACCAGGAGCCTTCCTCGGAAGAGACCAACTCTATAA

CACCCTAGTTACAGCTCATGCATTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTAATGCCAGTATTTAT

TGGTGGATTCGGAAATTGACTTCTACCACTAATACTTGGAGCCCCAGATATAGCATTTCC

ACGATTAAATAATCTAAGATTTTGATTACTACCACCATCATTAATTCTACTAATTTCATC

AGCCGCAGTTGAAAAAGGTGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCATTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCTGGACCATCAGTTGACATGGCTATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGTGC

ATCATCTATTTTAGGTGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGTTTACCTTTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACTGTAATTCTCCT

TCTACTATCGCTACCAGTATTAGCTGGCGCTATTACAATACTTCTTACAGACCGTAATTT

AAATACCTCATTCTTTGATCCAGCAGGAGGAGGAGATCCGATTCTTTATCAACACTTATT

T--------------------------------------------

>1026\_Nais\_stolci\_pardalis\_N12

---TACACTATATCTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTAGGAACTGGTACAAGATT

ATTAATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAACTATATAA

TACTCTCGTAACAGCCCACGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTTGGAAACTGACTTCTTCCATTAATACTAGGTGCTGCTGATATGGCATTCCC

ACGACTAAACAACCTTAGATTTTGACTACTACCACCATCACTAATTCTATTAGTTTCTTC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTATATCCACCACTATCAAGAAA

TCTAGCCCATGCTGGACCTTCAGTAGATATGGCTATTTTTTCACTTCATTTAGCAGGTGC

TTCTTCTATTTTAGGAGCTGTAAACTTTATTACGACTGTAATAAACATGCGTTGAAATGG

AATACGATTAGAACGACTACCACTATTTGTATGAGCTGTATTCCTTACAGTAATTCTTCT

ACTATTATCTCTTCCAGTTCTTGCCGGAGCTATTACAATGCTTCTAACAGACCGAAACCT

TAATACTTCATTCTTCGACCCTGCTGGTGGTGGAGACCCGATCCTTTACCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1027\_Ophidonais\_serpentina\_N5

---TACATTATATTTAATCTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTTGGTACAGGAACAAGAAT

ACTGATTCGAATTGAACTAGCTCAACCAGGAGCTTTTCTAGGAAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTAACAGCACATGCGTTTTTAATAATTTTCTTTTTAGTTATACCTGTATTTAT

TGGCGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCATTAATATTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTAAATAATCTTAGATTCTGACTTCTACCACCATCATTAATTCTATTAATTTCATC

TGCAGCCGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTATATCCTCCATTATCAAGAAA

TCTAGCTCACGCTGGACCTTCAGTTGACATGGCTATTTTTTCACTACATCTAGCAGGTGC

ATCTTCTATTTTAGGTGCAGTTAACTTCATTACTACAGTAATAAACATACGATGAAATGG

AATACGACTTGAACGAGTACCATTATTTGTATGAGCTGTAACACTTACTGTAATTCTTCT

TCTTTTATCATTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACCATACTATTAACAGATCGAAATCT

AAATACCTCATTCTTCGATCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATTTTATACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>1028\_Enchytraeus\_buchholzi\_E17

---CACATTATATTTTATTCTAGGAGTGTGGGCCGGAATAATAGGAGCAGCTATAAGCCT

ATTAATTCGAATTGAACTTAGACAACCTGGATCATTCTTAGGAAGAGATCAACTATACAA

CACTATTGTAACAGCACATGCATTTCTAATAATTTTCTTCTTAGTTATACCAGTATTTAT

TGGGGGCTTTGGTAACTGATTACTCCCATTAATATTGGGGGCCCCTGATATGGCCTTCCC

ACGACTAAACAATATAAGATTTTGATTACTTCCCCCAGCACTTATACTGCTTTTATCATC

GGCAGCAGTAGAAAAAGGGGCAGGTACAGGATGAACTGTGTACCCTCCTCTAGCCAGAAA

CATCGCACATGCAGGCCCATCAGTTGACCTAGCAATTTTTTCTCTTCATTTAGCAGGAGC

CTCATCAATTTTAGGAGCTGTAAATTTCATCACTACAGTTATTAATATGCGATGACAAGG

ACTTACACTAGAACGAATTCCCCTTTTCGTTTGAGCAGTTACAATTACAGTAGTGTTACT

ACTCCTATCTTTACCAGTACTAGCTGGAGCAATTACTATGCTACTAACCGATCGAAACCT

AAATACATCATTTTTCGACCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAATTCTCTACCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>1029\_Nais\_christinae\_N11

---TACACTTTATCTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTAGGAACCGGAACAAGATT

ACTTATTCGAATTGAATTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCTGTATTTAT

TGGGGGGTTCGGAAACTGACTTCTTCCACTAATACTAGGAGCTGCTGATATGGCATTTCC

TCGATTAAACAATCTTAGATTTTGATTACTACCACCTTCATTAATTCTATTAATTTCGTC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGTGCAGGAACTGGATGAACTGTATACCCTCCTCTATCTAGAAA

TCTAGCTCATGCTGGGCCTTCAGTAGATATGGCTATTTTCTCACTTCATTTAGCAGGTGC

TTCTTCTATTCTTGGAGCAGTAAATTTTATTACAACTGTAATAAACATACGTTGAAACGG

AATGCGATTAGAACGACTTCCATTATTTGTATGAGCAGTATTTCTTACAGTAATTCTCCT

TCTTCTATCTCTCCCAGTTCTTGCTGGGGCAATCACCATATTACTAACAGATCGAAATCT

AAACACTTCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGAGATCCAATTTTATATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>1030\_Nais\_communis\_N9

---TACATTATATTTAATTCTAGGAGTATGAGCAGGAATAATCGGAACAGGGACAAGAAT

ACTAATTCGAATTGAATTAGCTCAACCCGGAGCCTTCTTAGGAAGAGACCAACTATACAA

CACATTAGTTACTGCACACGCGTTTTTAATAATTTTCTTTCTTGTTATACCTGTATTCAT

TGGTGGATTCGGAAACTGACTTCTACCTCTAATACTTGGTGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAATAATCTTAGGTTCTGATTACTCCCCCCATCATTAATTCTTTTAGTTTCATC

CGCGGCCGTTGAAAAAGGAGCCGGAACAGGTTGAACTGTTTACCCACCACTATCAAGAAA

CCTGGCCCATGCAGGACCATCTGTAGACATGGCTATTTTCTCACTACATTTAGCCGGGGC

ATCATCTATTTTAGGAGCAGTAAATTTTATTACAACAGTAATAAATATACGATGAAACGG

TATACGATTAGAACGACTACCACTATTTGTATGAGCTGTAATACTTACTGTAATCCTTCT

ACTACTATCACTACCAGTTCTAGCAGGAGCAATTACTATACTATTAACAGACCGTAATTT

AAATACATCATTCTTCGACCCCGCTGGAGGGGGAGACCCAATCTTATATCAACATTTATT

C--------------------------------------------

>1031\_Lumbriculidae\_sp\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCTCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCATTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

---------------------------------------------

>1032\_Psammoryctides\_barbatus\_T8

---TACTTTATATTTAATTTTTGGCTTATGAGCTGGGATGGTAGGAACTGGGACTAGTTT

ATTAATTCGTATAGAACTCGCTCAACCAGGATCATTCCTTGGAAGAGACCAGTTATATAA

CACACTAGTAACAGCACATGCTTTTCTAATAATCTTCTTCCTAGTAATACCCGTATTTAT

TGGTGGGTTTGGTAATTGACTTCTACCTTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCTTTCCC

ACGCCTAAACAATTTAAGATTTTGATTATTACCTCCATCCCTTATTCTTCTAGTATCATC

CGCTGCTGTTGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACAGTATATCCACCACTAGCTGGTAA

CCTGGCACACTCTGGCCCTTCTGTAGACCTGGCTATTTTCTCTCTTCATTTAGCTGGTGC

CGCATCTATTTTAGGAGCTATTAATTTTATTACTACTATAATTAATATACGGTGAAAAGG

TATACGATTAGAGCGAATTCCTTTATTTGTGTGAGCTGTAATCATTACAGTAGTTCTTCT

TTTATTAACCCTTCCAGTATTAGCCGGTGCAATTACTATACTACTAACGGATCGAAATCT

AAATACATCATTCTTTGATCCTGCTGGTGGTGGGGATCCTGTTCTTTATCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1033\_Stylodrilus\_heringianus\_LL3

---AACCTTATATTTCATCTTAGGAGTTTGAGCTGGAATAGTAGGAGCAGGAATAAGACT

ATTAATTCGAGTTGAATTAACACAACCAGGATCATTTTTAGGAAGTGATCAATTATATAA

TACTATTGTTACGGCCCACGCCTTTATTATAATTTTCTTTATAGTTATACCTATATTTAT

TGGTGGCTTTGGTAACTGAATATTACCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGACTTAACAACCTAAGATTTTGGTTACTCCCGCCTTCTTTAACTTTATTAGTAGCATC

GGCTGCAGTTGAAAAGGGAGCCGGCACAGGATGAACAGTTTATCCACCTCTATCAAGAAA

TTTAGCTCATGCAGGTCCATCAGTAGACCTAGCAATCTTTTCACTACATCTAGCTGGGGC

ATCCTCCATTCTAGGAGCTATTAACTTTATTACTACGGTAATTAATATACGATGAAATGG

ACTCCGACTTGAACGAGTTCCATTATTTGTATGAGCAGTAACAATTACAGTTGTTCTATT

ACTATTATCGTTACCAGTACTAGCTGGGGCAATCACTATACTTCTTACAGATCGAAACTT

AAATACAACATTTTTCGATCCGGCTGGTGGTGGAGACCCAGTATTATATCAACATTTATT

T--------------------------------------------

>1037\_Pristina\_jenkinae\_P1

---AACTCTATATTTATCTTCGGGTGTATGAGCAGGAATAGTTGGAACCGGAACAAGACT

ACTCATTCGAGTTGAATTAGCTCAACCAGGCTCATTTCTCGGAAGGGACCAACTTTACAA

TACACTTGTTACTGCACATGCATTCCTAATAATTTTCTTTCTAGTAATGCCAGTATTTAT

TGGAGGATTCGGTAATTGACTTCTTCCATTAATACTAGGAGCACCAGACATGGCATTTCC

ACGACTAAACAACATAAGATTTTGACTACTTCCCCCTGCACTAATTATACTAGTAGCTTC

AGCAGCAGTTGAAAAGGGGGCAGGAACAGGGTGAACAGTATATCCCCCACTTGCAAGAAA

TATTGCTCATGCAGGACCATCTGTAGACATAGCAATTTTTTCTCTTCATCTAGCAGGTGC

ATCATCAATCCTAGGGGCAGTAAACTTTATCTCAACTGTCCTAAATATACGAACTAAAGG

AATACGACTAGAACGAATTCCTCTATTTGTATGAGCTGTATTCTTAACAGTAATCCTACT

ACTTCTGTCACTTCCAGTACTAGCAGGAGCAATTACCATACTTCTTACTGATCGTAACCT

AAATACTTCATTCTTTGACCCAGCTGGGGGTGGTGACCCAATCCTATATCAACATCTATA

T--------------------------------------------

>1038\_Nais\_alpina\_N8

---TACACTATATTTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTGGGAACTGGAACAAGATT

ACTTATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTTCTTGGAAGAGATCAACTATACAA

CACTCTTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTGGTAATACCAGTATTCAT

TGGGGGGTTTGGAAACTGACTTCTTCCATTAATACTAGGTGCTGCCGATATAGCATTTCC

ACGACTTAATAATCTTAGATTTTGATTGCTACCACCATCATTAATTTTATTAATTTCTTC

TGCAGCTGTAGAAAAAGGTGCTGGAACAGGATGAACTGTTTATCCGCCTCTATCAAGAAA

TCTAGCACATGCCGGACCTTCTGTAGATATGGCTATTTTTTCACTTCATTTAGCAGGTGC

TTCATCTATTTTAGGAGCAGTAAATTTTATTACTACAGTAATAAATATACGATGAAATGG

AATACGACTAGAACGGCTACCATTATTTGTTTGAGCAGTATTTCTTACAGTAATTCTTCT

TTTATTATCTCTTCCAGTACTTGCTGGAGCAATTACAATACTATTAACAGATCGAAATCT

TAATACTTCATTTTTTGATCCTGCTGGAGGTGGGGATCCAATCTTATATCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>1039\_Nais\_pseudobtusa\_N13

---TACACTATATTTAATTTTAGGAGTATGAGCAGGAATAGTAGGAACTGGAACTAGATT

ACTTATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTCCTTGGAAGAGATCAATTATATAA

TACTCTTGTAACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTCTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGATTCGGTAACTGACTGCTTCCACTAATACTAGGTGCTGCCGATATAGCATTCCC

ACGATTAAACAATCTTAGATTTTGACTTCTTCCACCATCATTAATTCTATTAGTTTCTTC

TGCCGCTGTAGAAAAAGGTGCGGGAACAGGATGAACTGTATATCCACCTCTATCAAGAAA

TCTAGCGCACGCTGGACCTTCTGTTGATATGGCTATTTTTTCACTTCATTTAGCTGGTGC

TTCTTCTATTTTAGGAGCAGTAAATTTTATCACTACTGTAATAAATATACGATGAAATGG

AATACGATTAGAACGACTTCCACTGTTTGTATGAGCTGTATTTCTTACAGTAATTCTTCT

TTTACTTTCTCTTCCAGTTCTTGCTGGTGCAATTACTATACTATTAACTGATCGAAATCT

TAATACTTCATTCTTCGATCCTGCTGGAGGTGGAGATCCAATTCTATATCAACATCTATT

C--------------------------------------------

>1041\_Chaetogaster\_diastrophus\_N15

---CACTCTATACTTAATTTTAGGAGTTTGAGCAGGAATAATTGGTACAGGAACTAGAAT

ACTAATTCGAATTGAACTATCACAACCAGGATCATTCCTTGGGAGAGATCAATTATATAA

CACTCTAGTTACAGCCCATGCATTCCTAATAATTTTCTTCTTAGTGATACCAGTATTCAT

TGGTGGATTCGGAAACTGACTTCTTCCTCTAATACTAGGTGCTCCAGATATGGCATTCCC

ACGACTTAATAATTTAAGATTTTGACTTTTACCTCCATCACTAATTTTACTTATTTCATC

AGCAGCGGTGGAAAAAGGAGCAGGAACAGGATGAACTGTATACCCTCCTCTATCTAGAAA

TCTTGCCCATGCAGGACCGTCCGTAGACATGGCTATTTTTTCTCTTCACTTAGCAGGTGC

TTCATCTATTTTAGGAGCAGTGAATTTTATTACAACTGTAATTAACATACGATGAAACGG

AATACGACTAGAACGACTTCCTCTATTTGTATGAGCAGTATTCTTAACAGTCATTCTTCT

TCTACTTTCTCTTCCAGTACTTGCCGGAGCTATTACTATACTATTAACAGATCGAAACCT

AAATACTTCTTTCTTTGATCCAGCTGGTGGTGGTGACCCTATTCTATACCAACATCTATT

T--------------------------------------------

>1043\_Cernosvitoviella\_minor\_E8

---AACACTTTACTTTATTTTAGGGGTATGAGCAGGAATACTAGGAGCTGCTATAAGACT

TCTAATTCGAATTGAACTAAGACAACCTGGCTCATTCCTAGGGAGAGATCAATTATATAA

TACTATCGTTACAGCACATGCATTCTTAATAATTTTTTTCTTAGTAATACCAGTATTTAT

TGGAGGGTTTGGGAACTGACTTTTACCATTAATATTAGGGGCCCCAGACATGGCCTTTCC

TCGATTAAACAACATAAGATTTTGACTCCTACCTCCATCATTAATACTATTAGTATCTTC

AGCAGCTGTAGAAAAAGGGGCCGGCACTGGATGAACAGTGTACCCCCCTCTTTCTAGAAA

CTTAGCACATGCTGGGCCATCAGTAGATTTAGCAATTTTTTCTCTTCATCTTGCAGGAGC

TTCTTCAATTCTTGGAGCTGTAAACTTTATTACTACAGTAGTGAATATACGTTGACAAGG

CCTTCGGCTAGAACGAATTCCCCTATTTGTATGAGCAGTAGTTATTACAGTAGTTCTACT

ACTTTTATCTCTACCAGTACTAGCAGGAGCAATTACTATACTATTAACAGACCGAAATTT

AAATACATCATTCTTTGATCCGGCAGGAGGAGGAGATCCTATTTTATACCAACACTTATT

C--------------------------------------------

>1047\_Limnodrilus\_claparedianus\_T22

---CACTCTCTACATAGTTTTCGGCCTTTGAGCCGGAATAGTTGGTACTGGGACAAGCCT

ACTAATTCGATTTGAACTAGCTCAACCCGGATCATTTTTAGGCAGGGACCAGTTATATAA

CACTTTAGTGACAGCCCACGGATTCTTAATAATTTTCTTTATAGTGATGCCCATCTTTAT

TGGTGGGTTCGGAAATTGATTAATTCCCTTAATACTTGGGGCACCAGATATAGCATTCCC

ACGATTAAATAATCTCAGCTTTTGACTAATGCCACCATCATTAATTCTATTAGTATCATC

TGCTGCTGTAGAAAAAGGTGCCGGCACAGGTTGAACTGTATATCCACCCCTGGCAAGAAA

TTTAGCACATTCAGGGCCATCTGTAGATTTAGCAATTTTCTCCCTTCATCTTGCTGGTGC

AGCTTCAATTCTAGGGGCAATTAACTTTATTACAACAATAATTAACATACGATGAAAAGG

AATGCGCCTCGAACGAATTCCATTATTTGTATGATCTGTAATTATTACTGTTATTCTACT

ACTTCTAACCCTTCCAGTACTTGCGGGAGCTATCACGATGCTATTAACAGACCGAAATCT

AAATACATCATTCTTCGACCCTGCGGGGGGAGGAGACCCTGTACTTTATCAGCACTTATT

C--------------------------------------------

>1048\_Helodrilus\_oculatus\_LC4

---AACCTTATATTTTATCCTTGGTGTTTGAGCCGGCATAGTAGGAGCTGGCATAAGCCT

TCTCATTCGAATTGAACTAAGACAACCGGGAGCCTTCCTGGGAAGAGATCAACTTTACAA

TACAATTGTTACAGCTCATGCATTCGTAATAATCTTCTTCCTTGTTATGCCCGTATTTAT

TGGAGGATTTGGAAATTGGCTTCTTCCATTAATACTGGGTGCCCCTGATATGGCGTTCCC

CCGACTAAATAACATAAGATTTTGACTACTTCCCCCCTCATTAATCCTCTTAGTTTCCTC

TGCAGCAGTAGAAAAAGGAGCAGGAACCGGCTGAACAATGTATCCACCTTTAGCCAGAAA

TCTTGCCCACGCAGGTCCCTCAGTAGATTTAGCCATTTTTTCCCTACACTTAGCAGGGGC

ATCTTCAATTCTCGGGGCCATCAATTTTATTACAACAGTTATCAACATACGATGAAGAGG

TCTACGTCTAGAACGTATTCCTTTATTCGTCTGAGCCGTTGTAATTACGGTAGTACTCCT

ACTCCTATCTCTTCCAGTGCTGGCAGGGGCAATTACTATGCTCCTCACAGACCGAAACCT

TAATACCTCTTTCTTTGACCCTGCTGGAGGGGGGGATCCTATCTTATACCAACATTTATT

T--------------------------------------------

**ITS2 sequences**

>348 \_Limnodrilus\_udekemianus\_T23

---------AAGAACGCAGCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCACATTGCGGGCCTCGGGCAATCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTTAACATATCAATCGTCGGTCGTCCTCAG---AATGCCGACG--CATTGGATC

GTCGTGGCGAGCGGGTGAATGGTACCTTGACCGGGGTTCGAGCGGTGATGTTTTGCGAGC

AGAGCGATTCAGCGTGCA----TTCGCAAACGTCACCGTCTCGAGCTGCCTGCCGCCGCG

TCGTCCGAAGAACAGACGGGACCGCCGCGT-GA--CCACGCCGGCCGCACGTTCTAAGTC

CGCCAGCCGGTGGA-------CGGGGACGGCGACT---------------------CGGA

AGTCGAAATAC-----GATGTCTGCCGTCGCCC-GTCG-TGGCG-----GT-ACGG-TCG

GCGTCGGTCGCGCAATGGACCCACGAAGCTC--------TGCGAACGCGTTAGTACGT-C

GGACTCTCGCGAGTCCGTTCGTGCGC----------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

-----------------------------------------------------------G

CGTTCATAGACTTCGACCTGAGATCAGACGAGATTACCCGCTGAATTTAAGCATA--

>929\_Limnodrilus\_udekemianus\_T23

-------------------------------ATTAATGTGAAATGCAG-ACACATTGAAC

ATCGA-ATCT-GAACGCACAT-GCGG-CCTCGGGCAATCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTTAACATATCAATCGTCGGTCGTCCTCAG---AATGCCGACG--CATTGGATC

GTCGTGGCGAGCGGGTGAATGGTACCTTGACCGGGGTTCGAGCGGTGATGTTTTGCGAGC

AGAGCGATTCAGCGTGCA----TTCGCAAACGTCACCGTCTCGAGCTGCCTGCCGCCGCG

TCGTCCGAAGAACAGACGGGACCGCCGCGT-GA--CCACGCCGGCCGCACGTTCTAAGTC

CGCCAGCCGGTGGA-------CGGGGACGGCGACT---------------------CGGA

AGTCGAAATAC-----GATGTCTGCCGTCGCCC-GTCG-TGGCG-----GT-ACGG-TCG

GCGTCGGTCGCGCAATGGACCCACGAAGCTC--------TGCGAACGCGTTAGTACGT-C

GGACTCTCGCGAGTCCGTTCGTGCGC----------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

-----------------------------------------------------------G

CGTTCATAGACTTCGACCTGAGATCAGACGAGATTACCCGCTGAATTTAAGCATAT-

>688\_Marionina\_sp\_E11

-------------------CCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCC-------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>689\_Marionina\_sp\_E11

-------------------CCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>690\_Marionina\_sp\_E11

------------------------------------------------------TTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGGGCCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>695\_Marionina\_sp\_E11

------------------GCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>697\_Marionina\_sp\_E11

------------------GCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGGGCCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCAAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCNGACGAGATTA-CCC-------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>699\_Marionina\_sp\_E11

------------------GCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGGGCCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGGTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>701\_Marionina\_sp\_E11

-------------ACGCNGCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----A---------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>702\_Marionina\_sp\_E11

-------------------CCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATTTAA---GC-----------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>707\_Marionina\_sp\_E11

------------AACGCAGCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>708\_Marionina\_sp\_E11

------------AACGCAGCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------

>712\_Marionina\_sp\_E11

----------AGAACGCAGCCAGCTGCGTGAATTAATGTGAATTGCAGGACACATTGAAC

ATCGATATCTTGAACGCATATTGCGG-CCTCGGGCATTCCCGAGGCCACGCCTGTCTCAG

GGTCGGTTACACGTCAATCGCGAAGCCGCTCTCCGGTATGGCTCGCGCAGTGGCGGTCGC

AGGGTTCGCCCT----------------TCGTCCGCTCAAGCA-----------------

------GAG---------------------------------ACGGGTTCAAC---TCGA

TCGTCGG--------------------------------CGAT-----------------

----------------------CGGGACGGTGACTCGACGACTTGTGCGCCGCACCGCAT

CTCCCGGTCGC-----GATCGAGGC-----------------------------------

---------------------GAACCGAACACATCTAACACTGACTTCGACCTGAGA---

TCAGACGAGATTA-CCCGCTGA----ATT-------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------

---------------------------------------------------------