**Title: Adaptive genetic variation at three loci in South African vervet monkeys (Chlorocebus pygerythrus) and the role of selection within Primates**

**Authors:** Willem G. Coetzer, Trudy R. Turner, Christopher A. Schmitt and J. Paul Grobler

**Supplementary data.** Haplotype DNA sequences for vervet *ACR*, *TLR4* and *TLR7* generated during the current study.

>ACR\_Hap\_1

GGGCGCATTCAGCCAACCAATGTGTGCGCGGGGTATCCTTTAGGCAAGATCGACACCTGCCAGGTAACCTTCCTTCTGGCTTCTGGGCCCCTGGGTCCCTCCGGGACTCTCCCGGCCCCTGAGAACATCCTCATTTTGGATCCCCAAGCTCCATTATCTCCACCCCTCTGCCTAGGGCCCTTCTCTAGTGACTGCTTCCCTGGTCCCTTTTCTAGCACCTACAGTCACAGTGGGGATGAGAGGTGGCAGCCACGGGCAGCCCCTGCCATGTGCCCCTATGGACACGTGCGCTTGCTCATCTCACTGCAAGGAAAGCCCTGACAATCCACACCCTCCTCACATCCCAAATGAAGCCCTTGACACCCCCTCAAACTTTACCACAACCACTTGTGTTTATGGCAGCAGGAAACCATGTGACTGTGGAAATTGTCCTCCCAGAGCCTTCTGACCCCTCTTGGCAGGGAAAGAGTGGTTCAGGCAGGTCGTGACCTCTGTGTCCTTCTGGGCAGGGGGACAGTGGCGGGCCTCTCATGTGCAAAGACAGCAAGAAAGGCGCCTACGTGGTCGTGGGAATCACAAGCTGGGGGGTAGGCTGTGCCCGTGCCAAGCGCCCCGGAATCTACACGGCCACCTGGCCCTATCTGAACTGGATTGCCTCCAAGATTGGTTCTAATGCTCTGCATATGATTCAACCGGCCACCCCTCCACCCCCCACCACTAGACCGCCCCCAATTCGACTGCCCTCCTCCCACCCTATCTCTGCTCACCTTCCTTGGTATTTCCAACCGCCCCCTCGACCACTTCCATCCCGACCACCTTCAGCTCAGCCTCGACCCCCACCTCCACCCTCACCTTTACCTCCACCCCCGCCCCCACCTCCACCCTCATCTACCACAAAACCTCCCCAAGGACTTTCTTTTGCCAAGCGCCTACAGCAGCTCATAGAGGCCTTGAAGGGGAAGACCTATTCCGACGGAAAGAACTATTATGATATGGAGACCACAGAGCTCCCAGAACTGACCTCTACCTCCTGA

>ACR\_Hap\_2

GGGCGCATTCAGCCAACCAATGTGTGCGCGGGGTATCCTTTAGGCAAGATCGACACCTGCCAGGTAACCTTCCTTCTGGCTTCTGGGCCCCTGGGTCCCTCCGGGACTCTCCCGGCCCCTGAGAACATCCTCATTTTGGATCCCCAAGCTCCATTATCTCCACCCCTCTGCCTAGGGCCCTTCTCTAGTGACTGCTTCCCTGGTCCCTTTTCTAGCACCTACAGTCACAGTGGGGATGAGAGGTGGCAGCCACGGGCAGCCCCTGCCATGTGCCCCTATGGACACGTGCGCTTGCTCATCTCACTGCAAGGAAAGCCCTGACAATCCACACCCTCCTCACATCCCAAATGAAGCCCTTGACACCCCCTCAAACTGTACCACAACCACTTGTGTTTATGGCAGCAGGAAACCATGTGACTGTGGAAATTGTCCTCCCAGAGCCTTCTGACCCCTCTTGGCAGGGAAAGAGTGGTTCAGGCAGGTCGTGACCTCTGTGTCCTTCTGGGCAGGGGGACAGTGGCGGGCCTCTCATGTGCAAAGACAGCAAGAAAGGCGCCTACGTGGTCGTGGGAATCACAAGCTGGGGGGTAGGCTGTGCCCGTGCCAAGCGCCCCGGAATCTACACGGCCACCTGGCCCTATCTGAACTGGATTGCCTCCAAGATTGGTTCTAATGCTCTGCATATGATTCAACCGGCCACCCCTCCACCCCCCACCACTAGACCGCCCCCAATTCGACTGCCCTCCTCCCACCCTATCTCTGCTCACCTTCCTTGGTATTTCCAACCGCCCCCTCGACCACTTCCATCCCGACCACCTTCAGCTCAGCCTCGACCCCCACCTCCACCCTCACCTTTACCTCCACCCCCGCCCCCACCTCCACCCTCATCTACCACAAAACCTCCCCAAGGACTTTCTTTTGCCAAGCGCCTACAGCAGCTCATAGAGGCCTTGAAGGGGAAGACCTATTCCGACGGAAAGAACTATTATGATATGGAGACCACAGAGCTCCCAGAACTGACCTCTACCTCCTGA

>TLR4\_Hap\_1

AACTTTATCCAACCAGGTGCATTTAAAGAAATTAGGCTTCATAAGCTGACTTTGAGAAATAATTTTGATGATTTAAATGTGATGAAAACTTGTATTCAAGGTCTGGCTGGTTTAGAAGTCCATCGTTTGGTTCTGGGAGAATTTAGAAATGAAAGAAACTTGGAAGAGTTTGACAAATCTGCTCTGGAGGGATTGTGCAATTTGACCATTGAAGAATTCCGATTAACATACTTAGACTACTACCTCAATAATATTATTGACTTATTTAATTGTTTGGCAAATGTTTCTTCATTTTCCCTGGTGAGTGTGAATATTAAAAGGGTAGAAGACTTTTCTTATAATTTCAGATGGCAACATTTAGAATTAGTTAAGTGTAAATTTGAACAGTTTCCCACATTGGAACTCAAATCTCTCAAAAGGCTTACTTTCACTGCCAACAAAGGTGGGAATGCTTTTTCAGAAGTTAATCTACCAAGCCTTGAGTTTCTAGATCTCAGTAGAAATGGCTTGAGTTTCAAAGGTTGCTGTTCTCAAAATGATTTTGGGACAACCAGCCTAAAGTATTTAGATCTGAGCTTCAATGAT

>TLR4\_Hap\_2

AACTTTATCCAACCAGGTGCATTTAAAGAAATTAGGCTTCATAAGCTGACTTTGAGAAATAATTTTGATGATTTAAATGTGATGAAAACTTGTATTCAAGGTCTGGCTGGTTTAGAAGTCCATCGTTTGGTTCTGGGAGAATTTAGAAATGAAAGAAACTTGGAAGAGTTTGACAAATCTGCTCTGGAGGGATTGTGCAATTTGACCATTGAAGAATTCCGATTAACATACTTAGACTACTACCTCAATAATATTATTGACTTATTTAATTGTTTGGCAAATGTTTCTTCATTTTCCCTGGTGAGTGTGAATATTAAAAGGGTAGAAGACTTTTCTTATAATTTCAGATGGCAACATTTAGAATTAGTTAAGTGTAAATTTGAACAGTTTCCCACATTGGAACTCAAATCTCTCAAAAGGCTTACTTTCACCGCCAACAAAGGTGGGAATGCTTTTTCAGAAGTTAATCTACCAAGCCTTGAGTTTCTAGATCTCAGTAGAAATGGCTTGAGTTTCAAAGGTTGCTGTTCTCAAAATGATTTTGGGACAACCAGCCTAAAGTATTTAGATCTGAGCTTCAATGAT

>TLR4\_Hap\_3

AACTTTATCCAACCAGGTGCATTTAAAGAAATTAGGCTTCATAAGCTGACTTTGAGAAATAATTTTGATGATTTAAATGTGATGAAAACTTGTATTCAAGGTCTGGCTGGTTTAGAAGTCCATCGTTTGGTTCTGGGAGAATTTAAAAATGAAAGAAACTTGGAAGAGTTTGACAAATCTGCTCTGGAGGGATTGTGCAATTTGACCATTGAAGAATTCCGATTAACATACTTAGACTACTACCTCAATAATATTATTGACTTATTTAATTGTTTGGCAAATGTTTCTTCATTTTCCCTGGTGAGTGTGAATATTAAAAGGGTAGAAGACTTTTCTTATAATTTCAGATGGCAACATTTAGAATTAGTTAAGTGTAAATTTGAACAGTTTCCCACATTGGAACTCAAATCTCTCAAAAGGCTTACTTTCACTGCCAACAAAGGTGGGAATGCTTTTTCAGAAGTTAATCTACCAAGCCTTGAGTTTCTAGATCTCAGTAGAAATGGCTTGAGTTTCAAAGGTTGCTGTTCTCAAAATGATTTTGGGACAACCAGCCTAAAGTATTTAGATCTGAGCTTCAATGAT

>Hap\_1

CCAGCGTCCTTTCACAGACTGGTCCATCTGGTAGAGATCGATTTCAGATGCAACTGTGTACCTATTCGATTGGGGTCAAAAAGCAACATGTGCCCCAGGAGGCTGCAGATTAAACCCAGAAGCTTTAGTGGACTCACTTATTTAAAATCCCTTTACCTGGATGGAAACCAGCTTCTAGAGATACCGCAGGGCCTTCCACCCAGCTTACAGCTTCTCAGCCTTGAGGCCAACAACATCTTTTCCATCAGAAAAGAGAATCTAACAGAACTGGCCAACATAGAAATACTCTATCTGGGCCAAAACTGTTATTATCGAAATCCTTGTTATGTTTCATATTCAATAGAAAAAGATGCCTTCCTAAACTTGACAAAGTTAAAAGTGCTCTCCCTGAAAGATAACAATGTCACAACCGTCCCTACTGTTTTGCCATCTACTTTAACAGAACTATATCTCTACAACAACATGATTGCAGAAATCCAAGAAGATGATTTTAATAACCTCAACCAATTACAAATTCTTGACCTAAGTGGAAATTGCCCTCGTTGTTATAATGCCCCATTTCCTTGTACGCCATGTAAAAATAATTCTCCCCTACAGATCCCTGTAAATGCTTTTGATGCGCTGACAGAATTAAAAGTTTTACGTCTACACAGTAACTCTCTTCAGCATGTGCCCCCAAGATGGTTTAAGAACATCAACAATCTCCAGGAACTAGATCTGTCCCAAAACTTCTTGGCCAAAGAAATTGGGGATGCCAAATTTCTGCATTTTCTCCCCAACCTCATCCAATTGGATCTGTCTTTCAATTTTGAACTTCAGGTCTATCGTGCATCTATGAATCTATCACAAGCATTTTCTTCACTGAAAAGCCTGAAAATTCTGCGGATCAGAGGATATGTCTTCAAAGAGCTGAAAAGCTTTAACCTCTCTCCATTACACAATCTTCAAAATCTTGAAGTTCTTGATCTTGGTACTAACTTTATAAAAATTGCTAACCTCAGCATGTTTAAACAATTTAAAAGATTGAAAGTCATAGATCTTTCAGTGAATAAAATATCACCTTCAGGAGATTCAAGTGAAGTTGGCTTCTGCTCAAATGCCAGAACTTCTGTAGAAAGTTATGAACCCCAGGTCCTGGAACAATTATATTATTTCAGATATGATAAGTATGCAAGGAGTTGCAGGTTCAAAAACAAAGAGGCTTCTTTCACGTCTGTTAATGAAAGCTGCTACAAGTATGGGCAGACCTTGGATCTAAGTAAAAATAGTATATTTTTTATCAAGTCCTCTGATTTT

>Hap\_2

CCAGCGTCCTTTCACAGACTGGTCCATCTGGTAGAGATCGATTTCAGATGCAACTGTGTACCTATTCGATTGGGGTCAAAAAGCAACATGTGCCCCAGGAGGCTGCAGATTAAACCCAGAAGCTTTAGTGGACTCACTTATTTAAAATCCCTTTACCTGGATGGAAACCAGCTTCTAGAGATACCGCAGGGCCTTCCACCCAGCTTACAGCTTCTCAGCCTTGAGGCCAACAACATCTTTTCCATCAGAAAAGAGAATCTAACAGAACTGGCCAACATAGAAATACTCTATCTGGGCCAAAACTGTTATTATCGAAATCCTTGTTATGTTTCATATTCAATAGAAAAAGATGCCTTCCTAAACTTGACAAAGTTAAAAGTGCTCTCCCTGAAAGATAACAATGTCACAACCGTCCCTACTGTTTTGCCATCTACTTTAACAGAACTATATCTCTACAACAACATGATTGCAGAAATCCAAGAAGATGATTTTAATAACCTCAACCAATTACAAATTCTTGACCTAAGTGGAAATTGCCCTCGTTGTTATAATGCCCCATTTCCTTGTACGCCATGTAAAAATAATTCTCCCCTACAGATCCCTGTAAATGCTTTTGATGCGCTGACAGAATTAAAAGTTTTACGTCTACACAGTAACTCTCTTCAGCATGTGCCCCCAAGATGGTTTAAGAACATCAACAATCTCCAGGAACTAGATCTGTCCCAAAACTTCTTGGCCAAAGAAATTGGGGATGCCAAATTTCTGCATTTTCTCCCCAACCTCATCCAATTGGATCTGTCTTTCAATTTTGAACTTCAGGTCTATCGTGCATCTATGAATCTATCACAAGCATTTTCTTCACTGAAAAGCCTGAAAATTCTGCGGATCAGAGGATATGTCTTCAAAGAGCTGAAAAGCTTTAACCTCTCTCCATTACACAATCTTCAAAATCTTGAAGTTCTTGATCTTGGTACTAACTTTATAAAAATTGCTAACCTCAGCATGTTTAAACAATTTAAAAGATTGAAAGTCATAGATCTTTCAGTGAATAAAATATCACCTTCAGGAGATTCAAGTGAAGTTGGCTTCTGCTCAAATGCCAGAACTTCTGTAGAAAGTTATGAACCCCAGGTCCTGGAACAATTATATTATTTCAGATATGATAAGTATGCAAGGAGTTGCAGGTTCAAAAACAAAGAGGCTTCTTTCACGTCTGTTAATGAAAGCTGCTACAAGTATGGGCAGACCTTGGATTTAAGTAAAAATAGTATATTTTTTATCAAGTCCTCTGATTTT

>Hap\_3

CCAGCGTCCTTTCACAGACTGGTCCATCTGGTAGAGATCGATTTCAGATGCAACTGTGTACCTATTCGATTGGGGTCAAAAAGCAACATGTGCCCCAGGAGGCTGCAGATTAAACCCAGAAGCTTTAGTGGACTCACTTATTTAAAATCCCTTTACCTGGATGGAAACCAGCTTCTAGAGATACCGCAGGGCCTTCCACCCAGCTTACAGCTCCTCAGCCTTGAGGCCAACAACATCTTTTCCATCAGAAAAGAGAATCTAACAGAACTGGCCAACATAGAAATACTCTATCTGGGCCAAAACTGTTATTATCGAAATCCTTGTTATGTTTCATATTCAATAGAAAAAGATGCCTTCCTAAACTTGACAAAGTTAAAAGTGCTCTCCCTGAAAGATAACAATGTCACAACCGTCCCTACTGTTTTGCCATCTACTTTAACAGAACTATATCTCTACAACAACATGATTGCAGAAATCCAAGAAGATGATTTTAATAACCTCAACCAATTACAAATTCTTGACCTAAGTGGAAATTGCCCTCGTTGTTATAATGCCCCATTTCCTTGTACGCCATGTAAAAATAATTCTCCCCTACAGATCCCTGTAAATGCTTTTGATGCGCTGACAGAATTAAAAGTTTTACGTCTACACAGTAACTCTCTTCAGCATGTGCCCCCAAGATGGTTTAAGAACATCAACAATCTCCAGGAACTAGATCTGTCCCAAAACTTCTTGGCCAAAGAAATTGGGGATGCCAAATTTCTGCATTTTCTCCCCAACCTCATCCAATTGGATCTGTCTTTCAATTTTGAACTTCAGGTCTATCGTGCATCTATGAATCTATCACAAGCATTTTCTTCACTGAAAAGCCTGAAAATTCTGCGGATCAGAGGATATGTCTTCAAAGAGCTGAAAAGCTTTAACCTCTCTCCATTACACAATCTTCAAAATCTTGAAGTTCTTGATCTTGGTACTAACTTTATAAAAATTGCTAACCTCAGCATGTTTAAACAATTTAAAAGATTGAAAGTCATAGATCTTTCAGTGAATAAAATATCACCTTCAGGAGATTCAAGTGAAGTTGGCTTCTGCTCAAATGCCAGAACTTCTGTAGAAAGTTATGAACCCCAGGTCCTGGAACAATTATATTATTTCAGATATGATAAGTATGCAAGGAGTTGCAGGTTCAAAAACAAAGAGGCTTTTTTCACGTCTGTTAATGAAAGCTGCTACAAGTATGGGCAGACCTTGGATCTAAGTAAAAATAGTATATTTTTTATCAAGTCCTCTGATTTT

>Hap\_4

CCAGCGTCCTTTCACAGACTGGTCCATCTGGTAGAGATCGATTTCAGATGCAACTGTGTACCTATTCGATTGGGGTCAAAAAGCAACATGTGCCCCAGGAGGCTGCAGATTAAACCCAGAAGCTTTAGTGGACTCACTTATTTAAAATCCCTTTACCTGGATGGAAACCAGCTTCTAGAGATACCGCAGGGCCTTCCACCCAGCTTACAGCTCCTCAGCCTTGAGGCCAACAACATCTTTTCCATCAGAAAAGAGAATCTAACAGAACTGGCCAACATAGAAATACTCTATCTGGGCCAAAACTGTTATTATCGAAATCCTTGTTATGTTTCATATTCAATAGAAAAAGATGCCTTCCTAAACTTGACAAAGTTAAAAGTGCTCTCCCTGAAAGATAACAATGTCACAACCGTCCCTACTGTTTTGCCATCTACTTTAACAGAACTATATCTCTACAACAACATGATTGCAGAAATCCAAGAAGATGATTTTAATAACCTCAACCAATTACAAATTCTTGACCTAAGTGGAAATTGCCCTCGTTGTTATAATGCCCCATTTCCTTGTACGCCATGTAAAAATAATTCTCCCCTACAGATCCCTGTAAATGCTTTTGATGCGCTGACAGAATTAAAAGTTTTACGTCTACACAGTAACTCTCTTCAGCATGTGCCCCCAAGATGGTTTAAGAACATCAACAATCTCCAGGAACTAGATCTGTCCCAAAACTTCTTGGCCAAAGAAATTGGGGATGCCAAATTTCTGCATTTTCTCCCCAACCTCATCCAATTGGATCTGTCTTTCAATTTTGAACTTCAGGTCTATCGTGCATCTATGAATCTATCACAAGCATTTTCTTCACTGAAAAGCCTGAAAATTCTGCGGATCAGAGGATATGTCTTCAAAGAGCTGAAAAGCTTTAACCTCTCTCCATTACACAATCTTCAAAATCTTGAAGTTCTTGATCTTGGTACTAACTTTATAAAAATTGCTAACCTCAGCATGTTTAAACAATTTAAAAGATTGAAAGTCATAGATCTTTCAGTGAATAAAATATCACCTTCAGGAGATTCAAGTGAAGTTGGCTTCTGCTCAAATGCCAGAACTTCTGTAGAAAGTTATGAACCCCAGGTCCTGGAACAATTATATTATTTCAGATATGATAAGTATGCAAGGAGTTGCAGGTTCAAAAACAAAGAGGCTTCTTTCACGTCTGTTAATGAAAGCTGCTACAAGTATGGGCAGACCTTGGATCTAAGTAAAAATAGTATATTTTTTATCAAGTCCTCTGATTTT