

Forward primers

Reverse primers

1) ZBJ-ArtF1c_GGACAGA	0	3	4	6	4	5	5	5	5	5	6	3	4	6	6	5	4	5	6	4	6	5	3	6	6	4	5	5	4	5	3	4	5	5	4	5	7	4	6	4	5	4		
2) fwhF2_GCACTGG	3	0	6	4	5	5	3	6	4	4	6	5	3	6	5	6	3	4	5	4	4	5	3	5	6	4	5	6	4	5	3	5	6	5	4	5	5	5	6	6	4	5		
3) LepF1_CGTCGCA	4	6	0	5	3	4	5	5	5	4	6	5	5	3	4	4	4	5	6	3	6	5	6	5	3	4	5	5	5	6	5	3	5	5	4	5	3	5	4	6	4	4		
4) LCO1490_AAGTGGG	6	4	5	0	4	6	4	6	5	3	4	6	4	7	5	6	6	3	5	6	3	5	5	5	4	5	6	6	5	4	4	7	5	3	7	5	5	5	5	4	7	6		
5) ArF5_TGGTCGC	4	5	3	4	0	5	3	5	5	4	5	3	4	5	3	3	4	5	5	4	5	6	6	4	4	4	6	6	6	5	4	6	3	5	6	5	5	4	5	5	5	5		
6) BF1_CTCCGAC	5	5	4	6	5	0	6	4	5	5	5	5	6	3	3	3	3	6	6	4	6	5	6	4	5	4	5	4	5	6	5	4	7	3	4	5	4	5	4	6	5	6		
7) mLCOIntF_TGCTTGG	5	3	5	4	3	6	0	7	3	5	5	4	4	6	4	6	4	5	3	5	3	6	4	3	6	4	6	5	6	5	4	6	3	4	7	4	4	5	5	6	4	5		
8) mLCOIntF_ATTACAC	5	6	5	6	5	4	7	0	6	5	3	4	5	3	4	4	5	6	6	6	4	5	6	4	5	5	6	5	5	6	4	5	6	4	4	7	5	5	6	3	6	5		
9) mLCOIntF-XT_CGCTATG	5	4	5	5	5	5	3	6	0	5	6	5	5	6	5	5	5	6	3	6	5	5	4	4	5	5	4	5	4	6	5	3	4	4	5	4	6	5	5	5	3	4		
10) LCO1490_ACGGCGG	5	4	4	3	4	5	5	5	5	0	6	6	6	6	3	5	6	3	6	5	4	5	5	5	3	5	4	5	3	6	3	6	6	3	6	5	5	5	5	4	6	7		
11) MZplankF2_AATTAC	6	6	6	4	5	5	5	3	6	6	0	6	3	5	5	5	5	6	4	7	3	6	5	4	5	6	6	5	4	3	6	5	4	5	6	7	5	5	6	4	6	5		
12) MhemF_TGAAAGC	3	5	5	6	3	5	4	4	5	6	6	0	3	6	4	4	5	3	6	5	6	4	4	5	7	6	5	5	5	4	6	5	4	5	5	6	5	6	5	5	3			
13) MLepF1_GAATTGC	4	3	5	4	4	6	4	5	5	6	3	3	0	6	5	6	3	3	5	5	4	5	3	5	5	5	6	6	6	4	5	7	5	6	6	6	5	5	7	6	5	5		
14) BF3_CTTCGCC	6	6	3	7	5	3	6	3	6	6	5	6	6	0	4	3	4	6	6	5	5	4	7	4	4	4	7	6	6	7	5	4	7	5	4	6	3	6	5	6	5	6		
15) BF2_TCTGCGC	6	5	4	5	3	3	4	4	5	3	5	4	5	4	0	4	4	5	6	4	5	6	6	3	5	5	5	5	4	5	4	5	6	4	5	5	4	5	4	5	4	6	5	5
16) I11_B_F_CTGGACC	5	6	4	6	3	3	6	4	5	5	5	4	6	3	4	0	5	5	7	5	6	4	7	4	5	6	4	5	6	6	4	5	5	4	4	5	3	4	3	5	4	5		
17) ArF5_GTCCTGC	4	3	4	6	4	3	4	5	5	6	5	5	3	4	4	5	0	5	5	3	4	6	3	4	4	3	6	6	6	6	4	5	6	5	6	5	5	6	6	6	5	5		
18) RonMWASpdeg_GAAGGCG	5	4	5	3	5	6	5	6	6	3	6	3	3	6	5	5	5	0	7	4	6	3	4	5	5	5	5	5	4	4	7	7	4	5	5	4	5	5	4	5	6			
19) AncientLepF3_AGCTTTT	6	5	6	5	5	6	3	6	3	6	4	6	5	6	6	7	5	7	0	6	4	7	4	5	4	5	5	5	5	7	5	3	5	6	3	5	5	6	5	3	5			
20) LCO1490_GCCCGCA	4	4	3	6	4	4	5	6	6	5	7	5	5	5	4	5	3	4	6	0	7	6	5	5	5	4	4	5	4	6	5	4	5	5	6	5	6	5	6	5	6			
21) dgLCO1490_ATTTTGG	6	4	6	3	5	6	3	4	5	4	3	6	4	5	5	6	4	6	4	7	0	6	5	4	5	4	7	7	6	5	4	6	5	4	7	6	5	6	6	6	6			
1) ZBJ-ArtR2c_CAAACCG	5	5	5	5	6	5	6	5	5	5	6	4	5	4	6	4	6	3	7	6	6	0	5	4	5	6	6	6	5	5	4	6	7	5	4	7	5	4	6	4	4	6		
2) fwhR2n_GACATGT	3	3	6	5	6	6	4	6	4	5	5	4	3	7	6	7	3	4	4	5	5	5	0	6	4	4	5	4	4	5	4	5	6	6	4	5	5	5	6	4	3	5		
3) MLepF1-Rev_TCTTACG	6	5	5	5	4	4	3	4	4	5	4	5	5	4	3	4	4	5	5	5	4	4	6	0	4	5	5	5	6	5	4	4	5	5	4	6	4	5	6	6	5	4		
4) 230_R_ACGTCCCT	6	6	3	4	4	5	6	5	5	3	5	7	5	4	5	5	4	5	4	5	5	4	4	0	5	4	4	4	5	5	4	5	5	4	5	4	5	6	3	4	5			
5) ArR5_GTTCCGGT	4	4	4	5	4	4	4	5	5	5	6	6	5	4	5	6	3	5	5	4	4	6	4	5	5	0	4	4	6	5	3	5	6	4	5	3	3	6	4	6	5	6		
6) BR2_GCGGAAT	5	5	5	6	6	5	6	6	4	4	6	5	6	7	5	4	6	5	5	4	7	6	5	5	4	4	0	3	5	6	5	5	4	3	5	5	4	3	5	5	4	4		
7) jgHCO2198_TACGAAT	5	6	5	6	6	4	5	5	5	5	5	6	6	5	5	6	5	5	5	7	6	4	5	4	4	3	0	5	4	5	5	5	4	4	3	5	3	5	3	5	4			
8) Fol-degen-rev_ACAGCTA	4	4	5	5	6	5	6	5	4	3	4	5	6	6	4	6	6	5	5	4	6	5	4	6	5	5	0	3	6	4	5	4	4	5	5	3	4	4	5	5	4	5		
9) jgHCO2198_TAAGTTA	5	5	6	4	5	6	5	6	6	6	3	5	4	7	5	6	6	4	5	6	5	5	5	5	5	6	4	3	0	6	5	3	5	6	4	5	3	4	4	6	4			
10) I11_C_R_GTGACGG	3	3	5	4	4	5	4	4	5	3	6	4	5	5	4	4	4	4	7	5	4	4	4	4	5	3	5	5	6	6	0	6	6	3	6	4	5	4	5	4	6	5		
11) C_LepFolR_CCTCATA	4	5	3	7	6	4	6	5	3	6	5	6	7	4	5	5	5	7	5	4	6	6	5	4	4	5	5	4	5	6	0	5	6	3	6	5	5	4	5	4	3			
12) dgHCO2198_TGGTTTA	5	6	5	5	3	7	3	6	4	6	4	5	5	7	6	5	6	7	3	6	5	7	6	5	5	6	5	5	5	3	6	5	0	6	7	3	5	3	3	6	5	3		
13) C_LepFolR_ATGCGAG	5	5	5	3	5	3	4	4	4	3	5	4	6	5	4	4	5	4	5	5	4	5	6	5	5	4	5	4	4	5	3	6	6	0	6	4	5	5	4	4	6	5		
14) BR2_CCACACT	4	4	4	7	6	4	7	4	5	6	6	5	6	4	5	4	6	5	6	4	7	4	4	4	4	4	4	4	6	6	3	7	6	0	6	4	4	4	6	4	3	6		
15) BR2_TGCGGTT	5	5	5	5	5	5	4	7	4	5	7	5	6	6	5	5	5	5	3	5	6	7	5	6	5	3	3	3	5	4	4	6	3	4	6	0	4	5	3	6	4	4		
16) HCO2198_CTTGGCT	7	5	3	5	5	4	4	5	6	5	5	6	5	3	4	3	5	4	5	5	5	5	5	4	4	3	5	5	5	5	5	5	5	5	5	4	4	0	4	3	5	4	6	
17) Fol-degen-rev_TAGACTA	4	5	5	5	4	5	5	5	5	5	5	5	6	5	4	6	5	5	6	6	4	5	5	5	6	5	3	3	3	4	5	3	5	4	5	4	0	4	3	5	4	3		
18) C_LepFolR_CTGGGTA	6	6	4	5	5	4	5	6	5	5	6	6	7	5	4	3	6	5	6	5	6	6	6	6	6	6	4	5	4	4	5	4	3	4	6	3	3	4	0	6	5	4		
19) C_LepFolR_AAGACAT	4	6	6	4	5	6	6	3	5	4	4	5	6	6	6	5	6	4	5	6	6	4	4	6	3	6	4	3	4	4	4	5	6	4	4	6	5	3	6	0	5	5		
20) HCO2198_CGCATCT	5	4	4	7	5	5	4	6	3	6	6	5	5	5	4	5	5	3	5	6	4	3	5	4	5	4	5	4	6	6	4	5	6	3	4	4	5	5	5	0	5			
21) dgHCO2198_TGTAATA	4	5	4	6	5	6	5	5	4	7	5	3	5	6	5	5	6	5	6	6	6	6	5	4	5	6	4	4	5	4	5	3	3	5	6	4	6	3	4	5	5	0		

5' → 3'

Forward primers

Reverse primers

Figure S3: Plot showing the Levenshtein distance (counting substitutions, insertions and deletions) between all fusion primer combinations using a 7 bp in-line tag.