**1. *Euphorbia esula***

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348332.1\_1 [gene=rps12] [locus\_tag=B2L33\_pgp041] [db\_xref=GeneID:31082722] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_009348332.1] [location=complement(join(104232..104257,104794..105025,75634..75747))] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATTAGAAATGTTACCAAATCGCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAACGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348333.1\_2 [gene=rps19] [locus\_tag=B2L33\_pgp001] [db\_xref=GeneID:31082724] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_009348333.1] [location=18..296] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCTACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCGTATGGTGGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTAAAAATTGCAAACAAATTTTTTTTACCGAAAATTTTTATTTACCTATTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348334.1\_3 [gene=psbA] [locus\_tag=B2L33\_pgp085] [db\_xref=GeneID:31082725] [protein=PsbA] [protein\_id=YP\_009348334.1] [location=complement(1130..2191)] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCCTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCTACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCGTTGCTGCCCCTCCGGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTCTACTTTATGGCAACAACATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCGGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCATCTGTTGATGAGTGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGTTAATTGTCCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGTCGTGAGTGGGAACTTAGTTTCCGTCTAGGTATGCGCCCGTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTACTGCTGTTTTCTTGATCTATCCAATTGGTCAAGGAAGCTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCTGAGCACAACATCCTTATGCACCCATTTCACATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACCTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAACGAAGGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCCGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAATTCTCGTTCTTTACATTTCTTCTTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGCATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACTTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATTAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTATTGAAGCTCCATCTACAAATGGGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348335.1\_4 [gene=matK] [locus\_tag=B2L33\_pgp084] [db\_xref=GeneID:31082726] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_009348335.1] [location=complement(2775..4286)] [gbkey=CDS]

ATGCAAAGATATTTCGACCTAAATAGATCTCGAAAAAGCGATTTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATACATTTGCTCATGATCATAGTTTAAATAGATCTATTTTGTTGCAAAATGCAAGTTATGACAAAAAGTTGAGTTTATTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATCTATGAACAGAATCATTTGATTATTTCTGCTAATGATTACAACCAAAATCTGTTTTTTAGGTATAACAAGAATTTGTACTATCAAATGGTATCAGAGGGCTTCGCAGTTATTGTGGAAATTCCATTTTCCAGACGATTAGTATCTTCTTTAGAAAGGCCAGAGATAGTAAAATCTAATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTTTTAGAGGACAAGTTTCCACATTTAAATTATGTGTCAGATGTATTAATACCTTACCCCATCCATCTCGAAAAATTGGTTCAAACCCTTCGTTATTGGGTGAAAGATCCTTCTTCTTTACATTTTTTACGAGTCTTTCTTCATCAGTATTCGAATTTGAGCAGTCTTATTATTCCAAAGAAATCAATTTCTTTTTTTCGAAAAAGTAATCCAAGGTTTTTCTTGTTCCTATATAATTCTCATATAAATGAATATGAATCTATCTTATTTTTTCTCCGTAATCAGTCCTTTCATTTACGATCAACATTTTCTCGAGTTTTTCTTGAACGAATTTTTTTCTATGGAAAAATAGAACATTGTGCAGAAGTTTTTGCTAATGATTTTCAGAACATTCTAGTGTTGTTCAAGGATCCTTTCATGCATTATGTTAGATATCACGGAAAATCTATTCTCGCTTTAAAAGATAAACCCTTTCTGATGAAAAAATGGCAATATTACCTTATCAATTTATGTCAATGTCATTTTTATGTCTGGTTTCACCCAAAAAAGATCTATATAAATTCATTATCAAAAAATTCTCTCAACTTTTTTGGCTATCTTTCAAGTGTACAAAAGAATCCTTTGGTAGTACGGAGTCAAATGCTAGAAAATTCATATCTCATAGATAAAGAGAATACTATGAAGAACCTCGATACAATAATTCCAATTAATCCTTTAATTGTATTATTGTCAAAAATGCAATTTTGTAACGCAGTGGGACATCCTATTAGTAAACCGATTCGGGCTCATTTATCAGATTCTGATATTATCGACCAATTTGCGCGTATATGTCGAAATTTTTCTCATTTTTATAGCGGATCCTCAAAAAAAAAGAGTTTGTATCGTATAAAATATATACTTCGACTTTCGTGTGTTAAAACTTTGGCCCGTAAACACAAAAGTACTGTACGCGCTTTTTTGAAAAGATTAGGTTCGGAATTATTAGAAGAATTTTTTACGGAGGAAGAAGAGATTCTTTCTTTGATCTTCCCAAAAGTTTCTTCTATTTCGCGCAAGTTATATAGAAGACGAATTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTGGCACATCATGAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348336.1\_5 [gene=psbK] [locus\_tag=B2L33\_pgp083] [db\_xref=GeneID:31082727] [protein=PsbK] [protein\_id=YP\_009348336.1] [location=8569..8754] [gbkey=CDS]

ATGCTTAATAGTTTTAGTTTAATTTGTATCTGTCTTAATTCTGCCCTTTATTCAAGCAATTTTTTCTTCACAAAATTGCCTGAAGCCTATGCTTTTTTGAATCCAATCGTAGATGTTATGCCAGTAATCCCTCTACTCTTTCTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348337.1\_6 [gene=psbI] [locus\_tag=B2L33\_pgp082] [db\_xref=GeneID:31082774] [protein=PsbI] [protein\_id=YP\_009348337.1] [location=9135..9245] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTTAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTTATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATCTTTGGGTTTTTATCTAATGATCCTGGACGTAATCCTGGACGTGAAGAATAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348338.1\_7 [gene=ATPA] [locus\_tag=B2L33\_pgp081] [db\_xref=GeneID:31082729] [protein=AtpA] [protein\_id=YP\_009348338.1] [location=complement(12017..13540)] [gbkey=CDS]

ATGGTAACCATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATTCGCGAACGTATTGAGCAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACTGGTACCGTACTTCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTTATGGCCTTGATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACAGTAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTGGTATTAATGGGTGATGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGCTCCGTAAAGGCAACAGGAAGAATTGCTCAGATACCGGTGAGTGAAGCTTATTTGGGTCGTATTGTAAATGCCCTGGCTAAACCTATTGACGGTCGAGGGGAAATTTCCGCTTCTGAATCTCGGTTAATTGAATCTCCCGCTCCAGGTATTATTTCGAGACGTTCCGTATATGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCGATGATCCCTATAGGACGTGGGCAACGAGAATTAATTATTGGGGACAGACAAACCGGTAAAACAGCAGTAGCCACAGATACAATTCTGAATCAACAAGGACAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAGGTAGTGACTACATTACAGGAAAGAGGAGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACTGCGGATTCTCCGGCTACATTACAATACCTGGCTCCTTATACAGGAGCAGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGTGAACGACACACTCTAATCATTTACGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCTCTTCTATTACGAAGACCACCAGGTCGTGAAGCTTATCCAGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCTGCTAAATCAAGTTCTCGTTTAGGTGAAGGAAGCATGACTGCTTTACCAATAGTCGAGACTCAATCAGGAGACGTTTCAGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGACGGACAAATATTCTTATCCGCCGATCTATTCAATGCTGGAATCCGCCCTGCTATTAATGTGGGGATTTCCGTTTCTAGAGTAGGATCTGCAGCTCAAATTAAAGCTATGAAACAAGTGGCGGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCCCAATTCGCCGAATTAGAGGCCTTTGCACAATTCGCTTCTGATCTAGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAGCGATTACGTGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCTGCGCCTCTCACTGTGGAGGAACAGATAATGACTATTTATACCGGAACAAATGGTTATCTTGATTCATTAGAAATAGGACAAGTAAGGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACCTACTTAAAAACGAATAAACCCCAGTTCGAAGAAATCATATCTTCTACCAAAACATTCACCGAAGAAGCAGAAATCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAGCAGAAGGAACGTTTTCTAGTTCAGGAACAAGTATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348339.1\_8 [gene=ATPF] [locus\_tag=B2L33\_pgp080] [db\_xref=GeneID:31082776] [protein=AtpF] [protein\_id=YP\_009348339.1] [location=complement(join(13587..14056,14723..14867))] [gbkey=CDS]

ATGAAAAATGTAACCGATTCTTTCGTTTTCCTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGGTTTAATACCGATATTTTCGCAACAAATCCAATAAATCTAAGCGTAGTCCTTGGTGTATTGACTTTTTTTGGAAAGGGGGTGTTTTGGTTCGGGAAGGGATCATGGAAGTTTTGCAATGAATGGAAAGATAATCTACTTTCATTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAACGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAGAACTACGCGAGGGGGCCATTGAACAGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCGGATCTGTTTCGAACGAATGGATACTCTGAGATAGAACGAGAAAAATTGAATTTGATTAATTCAACTTATAAGACTTTGGAACAATTAGAAAATTACAAAAATGAAACCATTCAGTTTGAACAACAAAGAACGATTAATCAAGTCCGACAACGGGTTTTCCAACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACCAACGAATTACATTTACGTACCATCAACGCGAATCTTGGCATGTTTGGGGCGATAAAAGAAATAACTGATTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348340.1\_9 [gene=ATPH] [locus\_tag=B2L33\_pgp079] [db\_xref=GeneID:31082777] [protein=AtpH] [protein\_id=YP\_009348340.1] [location=complement(15283..15528)] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCTGTTATTGCTGCTGGGTTGGCTGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGGCAAGCTGTAGAAGGTATCGCAAGACAACCCGAGGCAGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACAATTTATGGATTAGTTGTAGCCTTAGCACTTTTATTTGCGAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348341.1\_10 [gene=ATPI] [locus\_tag=B2L33\_pgp078] [db\_xref=GeneID:31082778] [protein=AtpI] [protein\_id=YP\_009348341.1] [location=complement(16465..17208)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTTCTATCATGTTCCATCAACACCCTAAAAGGGTTATATGATATATCTGGTGTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATTGGAGGTTTCCAAGTCCACGCCCAAGTACTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTCAGCCATTGTAGCTGTTCGGAACCCCCAAACCATTCCAACTGGCGGTCAGAATTTCTTCGAATATGTCCTTGAATTCATTCGAGATGTGAGCCAAACTCAGATCGGAGAGGAATACGGCCCATGGGTCCCTTTTATTGGAACTATGTTTCTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCGGGTGCACTTTTACCTTGGAAGATCATAGAGTTACCTCATGGGGAGTTGGCTGCACCTACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCCTATTTTTATGCGGGCCTTAGCAAAAAAGGATTAGGTTATTTCAGTAAATACATTCAACCAACTCCAATTCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCACTTAGCTTTCGACTTTTCGGAAATATATTAGCGGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTCAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCTGCGGCTTATATTGGCGAATCCATGGAGGGGCATCATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348342.1\_11 [gene=rps2] [locus\_tag=B2L33\_pgp077] [db\_xref=GeneID:31082779] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_009348342.1] [location=complement(17455..18165)] [gbkey=CDS]

ATGAGAAAAAGATATTGGAACATTAATTTGGAAGAGATGATGAAAGCGGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAACCCGAGAATGGCCCCTTATATCTCTGCAAAACGTAAAGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAATTTTCGATGCAGCAAGTAAGAGAAAACAATTCTTAATTGTTGGTACCAAAAATAAAGCAGCGGATTCAGTAGCGCGGGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTCGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCAGGGACTTGAGAATAGAACAAAAGACAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGATGGGACTCGATTGAAGAGACAGTTAGCTCACTTACAAACATATCTGGGCGGTATTAAATATATGACAGGGTTACCCGATATTGTAATACTGGTTGATCAGCAAGAAGAATATACGGCTCTTCGGGAATGTATCACTTTGGGAATTCCAACCATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGACCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAGCGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGATTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAGGGTCGTTCTAGCTATATACGAAATTCCTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348343.1\_12 [gene=rpoC2] [locus\_tag=B2L33\_pgp076] [db\_xref=GeneID:31082780] [protein=RpoC2] [protein\_id=YP\_009348343.1] [location=complement(18436..22626)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTACTTATGGCCGAGCGGGCCAATCTGGTCTTTCACAATAAAGTGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCCCACATCCTAGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACTGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTCAAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGGTTTTGGAAAAACACTATCATTATGGAAATGTACACGCGGTAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGATATGGTATGCTACAAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAATCTTAATTTTAGGATGACGGAACCCTTTAATCCAGTCCATATAATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATGCATCTCAAGTACACCAATTAGTTGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGGCAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTACGCGAAGGACTGTCTTTAACAGAATATATCATTTCGTGTTATGGAGCCCGAAAAGGGGTTGTCGATACTGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACGCGTAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACATATTGTTGTACGTAGAAAAGATTGTGGCACTACCCGAGGGATCCCTGTGAGTCCTCGAAATGGCATGATGTCGGAAAGAGTTTTTATTCAAACATTAATTGGTCGTGTAATAGCAGACAATATATATATGGGTCTACGATGTATTGCCATTCGAAATCAAGATATTGGGATTGGACTTGCGAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATGTATTCGAACTCCCTTTACTTGTAAGAGTACGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGCCGGAGTTCTACTCACGGCGATCTAGTAGAATTGGGAGAAGCCGTAGGTATTATTGCGGGTCAATCCATTGGGGAGCCAGGTACTCAACTAACATTAAGAACGTTTCATACTGGCGGAGTATTCACAGGTGGTACTGCAGAACACGTACGATCCCCGTCTAATGGAAAAATAAAATTTAATGAGGATTTGGTTCATCCCATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCGTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTGAGAGTCAAGATATTCTACATAATGTGCCTATTCCACACAAAAGTTTCCTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTAATTGCTGAAATTCGGACGGGCACATACACTTTGAATTTTAAAGAAAAGGTTCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTACTCATGTATACCATGCGCCCGAATTTACATACAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGCCATTTATGGATATTATCAGGATGTTCGTACAGATCCGGTATAGTTCCTTTTTCACTACACAAGGATCAAGACCAAATGAACGTTCATTCTCTTTCTGCCAAAAGAAAAGATAGTTCTAGTCCTTCCCTAAACAATCATCTCCTAAATAATAATCAAGTTAAACACCAATTCTTTAGTTCAGATTTAGTGGGTAAAAAAGAAAGTAGGATTCCTGATTATTCAGTAGTTAATCGAATCATATGTACTGGTCATTGTAATCTCATATATCCTGCTATTCTCTACGAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATTATTCCATTCCAATCAATTCAAGAACGAGAGAAAGAACAAATGACCTACTACCCTATCTCGATTGAAATACCTAAAAATGGTATTTTCCGTAGAAATAGTGTTTTTTCTTATTTCGACGATCCCCAATACCGAAGAAAGAGTTCAGGAATTACTAAATACGGCGCTATAGGGGTCCATTCAATCGTCAAAAAAGAAGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAATGCAAGTGGATCGCTTTTTTTTCATTCCCGAGGAAGTGTATATTTTACCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGAACAATAGTATCGTTGGAGTAGATACACAAATCACTTTAAATACAAGAAGTCGAGGGGGCGGATTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAAAAAAAAAAATAGAACTTAAAATCTTTTCTGGAGGTATCCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAGATATCCCGACATAGTGGTATCTTGATACCACCAGGAACGGTAAAAACAAATTATAAGGAATCAAAAAAAGTCAAAAATTGGATCTATATTCAACGAATCACACCTACCAAAAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACCAGTAATCATATATGAGATAGCGAATGGTATCAATTTAGAAACACTTTTCCCCCAGGATCTATTGCAGGAAAAGGATAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTATGGAAATAGTAAACCAATTTGGGGAATTTCTGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGACAAAAAAGGTTCTTCTATCGAGGAGGCCCGCGCTTCTTTTGTTGAAGTAAGCACAAATGGTCTGATTCGTGATTTCCTAAGAATCAATCTATTGAAATCAAAAATTTCATATATCAGTAGTAGAACTACAAAAAGGAATGATCCATCAGGTTCAGGACCGATCTCTAATAATGGATCAGATCGCACCAATATTAATCCATTTTATCCCAGTTATTCCAAGACAAGGATTCAACAATCACTTAAACAAAATCACGGAACTTTTAGTACGTTGTTGAATAGAAATAAGGAATGTCAATCTTTCCTAATTTTGTCATCATCTAATTGTTTTCGAATGGATCCATTCAATGATGTAAAACATCACAATGGAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCCTATAATTTCAATTAGAAATTCGTTTGGCCCTTTAGGAACAGCCCTTCAAATTGCGAATTTTTTTTTATTAAAACATTTCAATTTAATAACTCATAATCAGATCTCGATAACTAAATATTTGAAACTTGACAATTTAAAACAGACTTTTCAAATAATTAAATATTATTTAATGGATGAAACCGGGCGAATTGTTAATCCTGATCCATGCAGTAAGAGTGTTTTGAATCCATTCACTTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATCATCGTAATTATTGTGAATCTTTCTTCACAATAATTAGACTGGGACAATTTATTTGTGAAAATTTATGTATGGCCAAAAGAGGACCACATCTAAAATCGGGTCAAGTTATAATTGTTCACATTGACTCTGTAGTAATAAGATCGGCTAAGCCTTATTTGGCCACTCCAGGAGCAACTGTTCATGGCCATTATGGAGAAATCCTTTACGAAGGAGATACGTTAGTTACATTTATATATGAAAAATCGAGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTGGAACAAGTGTTAGAAGTGCGTTCAATTGATTCAATATCGATAAACCTAGAAAAGAGAGTTGAGGGTTGGAACGAGTGTATAACAAGACTTCTTGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTGCTGAGTTAACTATAGTGCAAAGTCGTATCTCGTTGGTTAACAAAATCCAAAAAGTTTATCGATCTCAAGGAGTGCAGATACATAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGGCAAATAACATCAAAAGTATTGGTTTTAGAAGATGGAATGTCTAATGTTTTTTTACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTCCGAGCAGAACGAACGGGACGCGCTTTGGAAGAAGCCATCTGTTACCGACCCATATTATTGGGAATAACGAGAGCATCTCTGAATACTCAAAGTTTCATATCTGAGGCCAGTTTTCAAGAAACTGCTCGCGTTTTAGCAAAAGCTGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTAAAAGAAAACGTTGTTCTAGGCGGTATGATACCCGTTGGTACCGGATTCAAAAGATTCGTGCAAGGCTCAAAGAAACAGAAAAACATGCCTTTGAAAAGCAAAAATAAAAATTTTTTTGAGGAGGAATTTAGAGATAGAGATCTTTTATTCCACCACAGAGAGTTATTTGATTCTTGCATTTCAAGAAATTTCTATGATACATTAGAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348344.1\_13 [gene=rpoC1] [locus\_tag=B2L33\_pgp075] [db\_xref=GeneID:31082781] [protein=RpoC1] [protein\_id=YP\_009348344.1] [location=complement(join(22771..24387,25163..25594))] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGCTCAGTTTCGCCGCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAATCCTACCTAACGGAGAGATTGTTGGAGAGGTGACAAAACCCTACACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGATTATTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCTATAAAAAGTGGAATTTGTGCTTGTGGAAATTATCGAGTAATCAAAAATGAAAAAGAAGACCGAAAATTTTGTGAACAATGCGGGGTCGAATTTGTTGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTGGCATGCCCCGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCGAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCCTAGTATACTGCGATTTTTCTTTTGCTAGGCCCATAGCTAAGAAACCCACTTTTTTACGATTACGAGGTTCATTTCAACATGAAATCCAATCCTGGAAATACAGTATTCCACTTTTTTTTACTACCCAAGGCTTCGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATCCGAGAACAATTAGCTGATCTGGATTTGCGAATTATTATAGATTGTTCATCGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCCACAGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAGGTTGGAAGAAGAAAAGATTTTTTAGTTAGACGCGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATACAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCTGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCTATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTGATGAGTTCCGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACGCCAGGGGAATTAGTAATGTGTCAAGAGAAGTTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGACGGTCATAATAAAGTTTACAAGTCGTTTTCGGATGTAATTGAAGGAAAAGAAGGAAGATTTCGTGAGACTATGCTTGGCAAACGGGTTGATTATTCGGGTCGTTCTGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAGATAGCAATAGAGCTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGACAGCATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAACCAATTGTATGGGAAATACTTCAGGAAGTTATGCAGGGGCATCCGGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTCTGCATAGATTAGGCATCCAGGCATTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGTGCTATTTGTTTACATCCATTAGTTTGTAAGGGATTCAACGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCTTTATTGTTGGAAGCTCAAGCGGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTCCTGTCTCCAGCTATTGGAGATCCCATTTCCGTACCAACTCAAGATATACTTATTGGGCTCTATGTATTAACAAGCGGAAATCGTCGAGGTATTTGTGAAAATAGGTATAATCCATTTAATCTCCAAAAGTCTCAAAATCAAAGAATTGCCAACAATAACGAAAAATATACAAAAGAACCCTTTTTTTCTAATTCTTATGGTGCAATTGGTGCTTATCGGCAGAAACGAATCAATTTAGATAGTGCTTTGTGGCTCCGATGGCAACTAGATCAACGCACTATTGCTTCAAGAGAAGCTCCCATCGAAGTTCACTATGAATCTTTGGGTACCTATCATGAGATTTATGAACACTATCTAATAGTAAGAAATATAAAAAAAGAAATTCTTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTCTTTATCGCGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGCCAAGCCTCCTCAGATGGTATCGGTATCTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348345.1\_14 [gene=rpoB] [locus\_tag=B2L33\_pgp074] [db\_xref=GeneID:31082782] [protein=RpoB] [protein\_id=YP\_009348345.1] [location=complement(25621..28833)] [gbkey=CDS]

ATGCTCGAGGATGGAAATGATAGAATGTCTACAATACCTGGATTTAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGGAGGTTCATTGATCAGGGCTTAACAGAAGAGTTTTCTAAGTTTCCAAAAATTGAAGATACAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTAGTCGAACCATTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCACTTACATATTCTTCTGAATTATATGTATCCGCGGGATTAATTTGGAAAAACAGTAGGGATATGCAAGAACAAACAATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTAGGAACTTTTCTAATAAACGGAATATACAGAATTGTAATCAATCAAATATTGCAAAGTCCAGGTATTTTTTACCGCTCCGAGTTGGATCATAACGGAATTTCGGTCTATATCGGGACTATAATATCAGATTGGGGAGGGAGAATAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCCCGCGTGAGTAGGAAACAGAAAATATCTATTCTAGTTCTATCATCAGCTATGGGTTTGAATCTACGACAAATTTTAGAGAATGTGTGTTACCCTGAGATTTTCTTAGCTTTCCTGAATGATAAAGAAAAAAAAAAAATTGGATCAAAAGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCAGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGGATTGGTCGATTAAATATGAACCGGAGACTTAATCTTGATATACCTCATAACAATACATTTTTGTTACCAAGAGATATATTGGCAGCTGCGGATCGTTTGATTGAAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCCGTAGCGAATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTAGCCCTGATTCGTTTAGAAAATGTGGTTAGGGGGACTATATGTGGAGCAATTAGGCACAAATTGATACCGACCCCTCAAAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACTTATGAATCTTTTTTTGGATTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATCGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTAACAGGACGAACTGCTAGTTTTCGAATACGAGATATCTACCCCAGTCACTATGGGCGCATTTGCCCCATTGACACGTCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGATCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGATCATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGAAATTTCTGAGGGATCAAAAAAAGTACGGATGTTTTATTTATCACCAAATAGCGAGGAATACTATATGTTAGCTGCAGGAAATTCCTTGGCGCTGAATCGAGGTGTTCAGGAAGAACAGGTTGCGCCAGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACAGGTCCATCTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCGAATATGCAACGTCAAGCAGTTCCACTTTCTCGGTCCGAAAAATGCATTGTTGGAACTGGATTGGAACGCCAAGTGGCTCTAGATTCAGGGGTTCCTGCTATAGCCGAACACGAGGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAGATCATTTTATCGGGCAATGGCAATACTCTACGCATTCCATTAGTTATGTATGAACGTTCTAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAAACCCAGGTTCAGCAGGGTAAATGTATTAAAAAAGGACAAGTTTTAGCGGATGGTGCCGCTACCGTTGGTGGCGAACTCGCCTTGGGCAAAAACGTATTAGTAGCTTATATGCCATGGGAAGGTTACAATTTTGAAGATGCAGTACTCATTAGCGAACGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGTAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGCCAAGGACCTGAAAGGATCACTAACGAAATCTCGCATCTAGAAGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAATGGAATTGTGATGCTGGGATCTTGGGTAGAGGCAGGCGATATTTTAGTAGGTAAATTAACACCTCAAATAGCGAAAGAATCATCGTATGCTCCAGAAGATAGATTATTAAGAGCCATACTTGGTATTCAAGTATCTACTTCAAAGGAAACTTGTCTAAAATTACCTATAGGTGGTAGGGGTCGAGTTATTGATGTGAGATGGATCCAGAGAAAGGGGGGTTCCTGTTCTAATCCAGAAATGATTCGTGTATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTAGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCAAAAATTTTGCCTAGACAAGATATGCCTTATTTGCAAGATGGAAGACCTGTTGATATGGCCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAGCGGGAGGTCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCGAGAAAACTAGTGTTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAGTATCCAGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACAGGAGATCCTTTTGAGCAGCCTGTTATAATAGGGAAGCCCTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGCCGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGGGGACAACGGGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAGGGATTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAAATGCTTACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTGCTTGGTACTATGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAAGATGCTCCAGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTAGAATTGAATCATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATTAATAGGAAGGAAGCTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348346.1\_15 [gene=petN] [locus\_tag=B2L33\_pgp073] [db\_xref=GeneID:31082730] [protein=PetN] [protein\_id=YP\_009348346.1] [location=30534..30623] [gbkey=CDS]

ATGGATATAGTAAGTCTAGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCACTCGTAGTATGGGGGAGAAGTGGACTCTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348347.1\_16 [gene=psbM] [locus\_tag=B2L33\_pgp072] [db\_xref=GeneID:31082784] [protein=PsbM] [protein\_id=YP\_009348347.1] [location=complement(31757..31861)] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCATTTATTGCTACTGCATTGTTCATTCTAGTTCCTACTGCTTTTTTACTTATAATATACGTAAAAACAGTTAGTCAAGGTGATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348348.1\_17 [gene=psbD] [locus\_tag=B2L33\_pgp071] [db\_xref=GeneID:31082735] [protein=PsbD] [protein\_id=YP\_009348348.1] [location=36051..37112] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGTGCCTATTTCGCCTTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCATGGATTGGCCAGTTCTTATTTGGAAGGCTGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCACATTCTTTGTTATTACTATGGGGTCCTGAAGCCCAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGCGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTACACGGCGCTTTCGGGCTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCCGTGCAATTGAGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGGTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCACTAGGGCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCACCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGAGTTGCTGGCGTATTGGGCGCTGCCCTCTTATGCGCTATTCATGGCGCTACTGTGGAAAAGACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCCAATACATTCTGTGCTTTTAACCCAACTCAAGCTGAAGAAACTTATTCAATGGTCACCGCTAACCGCTTTTGGTCTCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACTGGTTTATGGATGAGCGCTCTTGGAGTAGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACTAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348349.1\_18 [gene=psbC] [locus\_tag=B2L33\_pgp070] [db\_xref=GeneID:31082786] [protein=PsbC] [protein\_id=YP\_009348349.1] [location=37060..38481] [gbkey=CDS]

ATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACCACGGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGGAATGCTCGACTTATCAATTTATCCGGTAAACTTCTGGGAGCTCATGTAGCTCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTGTACCGGAGAAACCAATGTATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTCTAGACACCTTTCCATACTTTGTATCGGGTGTACTTCACTTAATTTCCTCTGCAGTATTGGGCTTTGGCGGCATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGACTCTTGAAGAATCTTTTCCTTTTTTTGGTTATGTATGGAAAGATAGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTATAGGTTCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGTGTATACGATACCTGGGCTCCGGGGGGTGGGGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTTGGTTATTTACTAAAATCCCCCTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGGGGGCATGTATGGTTAGGTTCTATTTGTATACTTGGTGGAATCTGGCATATCTTAACCAAACCCTTTGCATGGGCTCGCCGTGCACTTGTATGGTCTGGAGAGGCTTACTTATCTTATAGTTTAGCCGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACCGCTTATCCTAGTGAGTTTTACGGGCCTACCGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTCTAGTTAGAGATCAACGTCTTGGGGCTAATGTGGGATCCGCTCAAGGACCTACTGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCTCCTACCGGAGAAGTTATTTTTGGAGGAGAAACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCTCTAAGAGGTCCGAATGGTTTGGACTTGGGTAGGTTGAAAAAAGACATACAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCGGAATATATGACCCACGCGCCTTTAGGTTCATTAAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAGATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTCGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGTTTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCACGCGGGGAGGGCTCGTGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCCGTTCTCTCCATGACTCCTCTTAATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348350.1\_19 [gene=psbZ] [locus\_tag=B2L33\_pgp069] [db\_xref=GeneID:31082736] [protein=PsbZ] [protein\_id=YP\_009348350.1] [location=39153..39341] [gbkey=CDS]

ATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGCTACTTCATCAATCTTACTGATTAGTGTACCCGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGGTGGTCGAGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCGTTATGGATTGGATTAGTCTTTCTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348351.1\_20 [gene=rps14] [locus\_tag=B2L33\_pgp068] [db\_xref=GeneID:31082738] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_009348351.1] [location=complement(40697..40999)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGAAAAAGTTTGATTCAACGGGAGAATAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATTCGGCGATCCTCAAAAAAAGAAATAAGCAAAGTTCTGTCCTTGAGTGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCCACCGCGAAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTCAACTGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTAGGCTATCTGGCCACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTACCGGGAGCAACAAGATCGAGTTGGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348352.1\_21 [gene=psaB] [locus\_tag=B2L33\_pgp067] [db\_xref=GeneID:31082789] [protein=PsaB] [protein\_id=YP\_009348352.1] [location=complement(41118..43322)] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTTGAAAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGTCTTTATCAGAACATTTTTGCTTCTCACTTCGGGCAATTAGCAATAACTTTTTTGTGGACTTCTGGAAATCTCTTTCATGTGGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCCATTGCTCATGCAATTTGGGATCCTCATTTTGGTCAACCAGCCGTAGAAGCTTTTACTCGAGGGGGTGCCCCTGGACCAGTGAATATCGCTTATTCGGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATCGGTTTACGTACTAATGAAGATCTTTATATTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTACTCGCGGGTTGGTTACACCTACAACCGAAATGGAAACCGAGCGTTTCATGGTTCAAAAATGCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGGCTATTTGGAGTAAGTTCTTTGGCTTGGACAGGACACTTAGTCCATGTTGCTATTCCTGGCGCCAGGGGGGAATACGTTCGATGGAATAATTTATTAGATGTATTACCACATCCCCAAGGATTAGGCCCACTTTTGACAGGTCAATGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCAGGTAGTCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGAGCAGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCGTTTATTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCACAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCTCCGGGGGGGCGATTGGGACGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGTCTTGCTCTAGCGTCTTTAGGGGTTATTACGTCCTTAGTAGCTCAACACATGTACTCATTACCTGCTTATGCGTTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCACGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAATGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGCCTCTTTCTGGGATTCCATACGTTAGGACTTTATGTTCATAATGATGTCATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTGATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGCAAAACTTCATATGGGTTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTCCAGCCTTTAATGCAGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGTTGGTTAAATGCTATTAATGCAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGGCCTGGCGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGTTTACATACAACCACATTGATACTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCGAAGTTAATGCCAGATAAAAAAGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGCGATGGTCCGGGGCGCGGTGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTTTGGATGTTAAATACTATTGGCTGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAGCACATCACATTATGGCAAGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAACCCTTTTGGTATGAATAGCTTATCGGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGTGGATATTGGCAGGAATTAATCGAAACTTTAGCATGGGCTCATGAACGTACACCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATCGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348353.1\_22 [gene=psaA] [locus\_tag=B2L33\_pgp066] [db\_xref=GeneID:31082790] [protein=PsaA] [protein\_id=YP\_009348353.1] [location=complement(43348..45600)] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTAAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCATCAAAACTTCTTTTGAGGAATGGGCCAGACCCGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAAGGACCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTACATGCTGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAATGATTTGGAGGAAATTTCTCGAAAAGTATTTAGTGCTCATTTTGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGGATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCAAATTATGAAGCATGGCTAAGCGATCCTACTCACATTGGACCTAGTGCCCAAGTGGTTTGGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAACGGTGATGTAGGCGGGGGTTTCCGAGGAATACAAATAACCTCTGGTTTTTTTCAGATTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACCGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCTCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCCATGTTGAATCACCATTTAGCGGGGCTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGACATCAAGTACATGTATCTTTACCAATTAACCAATTTCTAAACGCTGGAGTAGATCCTAAAGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGAGATCTTTTAGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACTCCTTTTTTCACCTTAAATTGGTCAAAATATTCGGAATTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTGACTGGAGGTCTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACTAACTGGGGTATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCCTTTACAGGTCAGGGTCATAAAGGCCTATATGAAATCCTAACAACTTCATGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTAGCTATGTTAGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCCCCTTATCCATACCTAGCTACTGACTATGGTACACAATTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTCCTCATAGTTGGTGCTGCTGCGCATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTTCTTAGGCATCGTGATGCAATCATATCACATCTCAATTGGGTATGTATATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGCGCTTTAGGGCGACCTCAAGATATGTTTTCAGATACTGCTATACAATTACAACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACTCATGCTTTAGCACCTAGTGCAACGGCTCCTGGTGCAACAGCAAGCACCAGTTTAACTTGGGGAGGTGTTGATTTAGTGGCAGTGGGTGGCAAGGTTGCTTTGTTACCGATTCCATTAGGAACCGCGGATTTTTTGGTCCATCACATTCATGCATTTACGATTCATGTGACGGTGTTGATACTTCTGAAAGGAGTTCTATTTGCTCGTAGCTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTTCCTTGTGATGGACCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCACGTCTTTTTAGGGCTATTTTGGATGTACAATTCAATTTCGATAGTCATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTCGCACAGAGTTCCATTACTATTAATGGTTGGCTCCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCTCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGACTTTTTTTCCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGCGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATTGTTTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACTCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348354.1\_23 [gene=ycf3] [locus\_tag=B2L33\_pgp065] [db\_xref=GeneID:31082791] [protein=Ycf3] [protein\_id=YP\_009348354.1] [location=complement(join(46660..46812,47488..47717,48465..48588))] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCCCGGATAACTGGAAATTTTATTGATAAGACCTTTTCAATTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACTTCGGGGGAAAAGGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGAATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGACTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTATATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAACGGAGAACACACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCTTTCTTACCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACCGAGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAGGCTTGGTTCGACCAAGCCGCGGAGTATTGGAAACAAGCCATAGCACTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTGAAGATCACAAGGCGTTTCGAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348355.1\_24 [gene=rps4] [locus\_tag=B2L33\_pgp064] [db\_xref=GeneID:31082739] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_009348355.1] [location=complement(49402..50007)] [gbkey=CDS]

ATGGCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACGCCGTCTGGGGGCTTTACCGGGATTAACTAGTAAAAAGCCTAGAGCCGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCGGGGAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAAAATTGCGTTTTCATTACGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTCGTATCGCCGCAAAAGCTAAAGGTTCAACAGGTCGGGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGGTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATGGCGTCAACTATTCCTCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCGAGGGATGAACAAAAATCTAGAGCTATGATTCAAAATTATCTCGCTTCATCTCCCCAGGAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCACCCATTTCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGTCGGCTTGAAAATAAATGAATTGCTAGTAGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348356.1\_25 [gene=ndhJ] [locus\_tag=B2L33\_pgp063] [db\_xref=GeneID:31082742] [protein=NdhJ] [protein\_id=YP\_009348356.1] [location=complement(52400..52876)] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCCTTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACATGGACTAGTTCATAGATCTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGAAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATTTGCGTTCACAATGTGCCTATGATGTAGCACCCGGCGGACTTTTAGCTAGCGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGGTATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAAGTATTTGTCCCAAGAAAGAATCCTAGAATTCCATCTGTTTTCTGGATTTGGAAAAGTGTGGATTTTCAAGAAAGGGAATCCTATGATATGCTGGGAATCGTTTATGAGAATCATCCACGTCTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGATAGGGTGGCCCTTACGTAAGGATTATATTGCTCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCTCATTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348357.1\_26 [gene=ndhK] [locus\_tag=B2L33\_pgp062] [db\_xref=GeneID:31082794] [protein=NdhK] [protein\_id=YP\_009348357.1] [location=complement(52994..53671)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCCATTGAGTTTCCCTTACTTGATCGAACAACTCAAATTTCCGTTATTTCAACTACATCAAATGATCTTTCAAATTGGTCAAGACTTTCCAGTTTATGGCCACTTCTCTATGGTACCAGTTGTTGCTTCATTGAATTTGCTTCATTAATAGGATCCCGATTCGACTTTGATCGTTATGGACTAGTACCAAGATCGAGTCCTAGACAAGCGGACTTAATTTTAACAGCCGGCACGGTAACCATGAAAATGGCTCCTTCTTTAGTAAGATTATATGAACAAATGCCTGAACCAAAATATGTTATTGCGATGGGGGCATGTACAATTACAGGAGGAATGTTCAGTACCGATTCTTATAGTACTGTTCGAGGAGTTGATAAGTTAATTCCTGTAGATGTCTATTTGCCAGGCTGTCCACCGAAACCGGAAGCGGTTATAGATGCTATAACAAAACTTCGTAAAAAAATATCTCGAGAAATTTCTGAGGATCGAATTAGATCTCAACCGGGGAATCGATGTTTTACTACCAATCACAAGTTTCATATTGAACGCAATACTCATACTGGAAATTATGATCAAGGATTCCTCTATCAACCGCCGTCTACTTCAAAGATCCCTCCTCAAACATTTTTCAAATATAAAAAGTCAGTATCGTCCATCGAATTAGTAAACTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348358.1\_27 [gene=ndh3] [locus\_tag=B2L33\_pgp061] [db\_xref=GeneID:31082795] [protein=Ndh3] [protein\_id=YP\_009348358.1] [location=complement(53729..54091)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGCTTTACGAATATGATATATTCTGGGCGTTTCTAATAATATCAAGTGTTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTATCCCCGATTAACACAGGTCCGGAGAAATTTTCTAGTTATGAATCGGGTATCGAACCAATAGGCGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTATTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACAGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTCGATATATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTGATTTTCGTGCTTATCTTAATTGTTGGTTCAGTTTATGCATGGAGAAAGGGAGCATTAGAGTGGTCTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348359.1\_28 [gene=ATPE] [locus\_tag=B2L33\_pgp060] [db\_xref=GeneID:31082745] [protein=AtpE] [protein\_id=YP\_009348359.1] [location=complement(56483..56884)] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCAAACCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGACAAATTGGCGTATTACCAAATCATGCACCAATTGCCACAGCTGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTAATGACCAATGGTTAACAATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTCGAATAGGCAATAATGAGATTACTGTTTTAGTAAATGATGCGGAGAAGGGTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACTCTTGAAATCGCAGAAGCTAACTTGAGGAAAGCGGAAGGAAGGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGAGTAGAGGCTATCAATGCAATTTCGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348360.1\_29 [gene=ATPB] [locus\_tag=B2L33\_pgp059] [db\_xref=GeneID:31082797] [protein=AtpB] [protein\_id=YP\_009348360.1] [location=complement(56881..58377)] [gbkey=CDS]

ATGAGAATCAATCCTACTACTTCTGGTCCGGGAGTTTCGACGCTTGAAAAAAAGAACCTGGGGCGTATCGTTCAAATCATTGGGCCAGTACTAGATGTAGCTTTTCCCCCGGGCAAGATGCCTAATATTTACAACGCTTTAGTAGTTAAGGGTCGAGATACTGTCGGTCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGGGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAACGAGAGGAATGGAAGTGATTGACACAAAAGCTCCTCTAAGTGTTCCAGTCGGTGGGACGACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTATTGATGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGTGCAACATCCCCTATTCATAGATCTGCACCTGCCTTTATACAGTTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAAACAGGAATTAAAGTAGTAGATCTTTTAGCCCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGACTATTCGGCGGGGCTGGAGTGGGTAAAACAGTCCTTATTATGGAATTAATCAACAACATTGCGAAAGCTCATGGGGGTGTATCTGTGTTTGGCGGAGTAGGTGAACGTACTCGTGAGGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATGAAAAAAATATTGCAGAATCAAAAGTAGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTGACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAATGAACAAGACGTACTTCTATTTATTGACAATATTTTCCGTTTCGTTCAAGCAGGATCCGAAGTATCGGCCTTATTGGGTAGAATGCCTTCCGCAGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGTTCTTTACAAGAAAGAATAACTTCTACCAAAGAAGGGTCTATAACTTCTATTCAAGCCGTTTATGTACCTGCCGACGATTTGACTGACCCTGCTCCTGCCACCACATTTGCACATTTAGACGCTACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCCGCTAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACGTCAACTATGCTCCAACCTCAGATTGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAGGACATTATAGCTATCCTGGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAAGATCGCTTAACTGTAGCAAGAGCGCGAAAAATTGAACGTTTCTTATCACAACCCTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCGCCGGGGAAATATGTCGGTCTAGCAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTGATCCTTTCCGGAGAATTAGATAGTCTCCCTGAACAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATCGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAACAATTTGAAGAAATGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348361.1\_30 [gene=rbcL] [locus\_tag=B2L33\_pgp058] [db\_xref=GeneID:31082798] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_009348361.1] [location=59162..60589] [gbkey=CDS]

ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCGGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGGCTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACCACATCGAGCCCGTTGCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTACCCCTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACCTCCATTGTAGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTGCGCGCTCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTCCTGCTTATACTAAAACTTTCCAAGGGCCGCCTCACGGCATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCTCTATTGGGTTGTACTATTAAACCAAAATTGGGGCTATCCGCTAAGAATTACGGTAGAGCGGTTTATGAATGTCTTCGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGACGATGAGAACGTGAACTCTCAACCATTTATGCGTTGGCGAGACCGCTTTTTATTTTGTGCCGAATCCATTTTTAAATCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGGCATTATTTGAATGCTACTGCGGGTACATGCGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTATTTGCCAGGGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGGGGATTCACGGCAAATACTAGCTTGGCTCATTATTGCCGAGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCACCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATACATTTTCGTGTATTAGCTAAGGCATTACGTATGTCTGGTGGAGATCATATTCACGCTGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGAGAAAGAGAGATCACTTTGGGCTTTGTTGATTTACTGCGTGATGATTTTGTTGAAAAAGATCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTTTACCTGGTGTTCTTCCTGTAGCTTCAGGGGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCCGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTTTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAGGGACGTGATCTTGCTCGTGAGGGTAATGAAATTATTCGTGAGGCTGCAAAATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAAGAGATTAAATTTGAATTCGAAGCAATGGATACTTTGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348362.1\_31 [gene=accD] [locus\_tag=B2L33\_pgp057] [db\_xref=GeneID:31082799] [protein=AccD] [protein\_id=YP\_009348362.1] [location=61309..62808] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAATGGTGGTTCAATTCAATCTTATCCAATGTGGAATTAGGATACAGGTGTAGGCTAAGTAAATCAATGGATAGTTTCAGTCCTTTTGAAAATACTAGTATAAGTGAAGACCCAATTCTAAATGATACAGATAAACACACCCATAGTTGGAGTAATAGTGACAACTCTAGTTCCAGTAATGTTGATCATTTAGTCGGTGTCAGGGACATTTGGAATTTCAGCGTTGATGAAACTTTTTTAGTTAAGGATAGTAATAGGGACAGTTATTCCATCTATTTTGATATTGAAAATAAAGTTTTTGAGATTGAGACTGATTATTCTTTTCTGGATGAACTAGAAAGTTCTTTTTATAGTTATTGGAATTCTAGTTATCTGAATAATGGGTCTAGGAGTGGCGACTCCCAATATGATCATTATATGTATGATACTAAATATCGTTGGAATAATTACATCAATAGTTGCATTGACCGTTATCTTCGCTCTCAAATTGGTATTGATAGTTCTATTTTAAGGGGTAGTAACCATTATAGCGAAAGTTATATTTATAGTTACGTTTGTGATGAAAGCGAAAATAGTAGTGAAAACAAGAGTGCCAGTCTAAGAATTAGCACGAATGGTAGTGATTTAACTCTAAGAGAAAGTTCTAATGATCTCGATATAACTCAAAAATACAAACATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAATTATAAGAAATTTTTTAAGTCAAAAATGAATCTTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAGTAGTTCAGATAGAATTGAACTTTTGATTGACCCAGGGACTTGGGATCCTATGGATGAAGACATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAGGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAGAAAGACAGGATTAACCGAGGCTGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAACGGTATTCCCGTAGCAGTTGGGGTTATGGATTTTCAATTTATGGGGGGTAGTATGGGATCCGTCGTAGGTGAGAAAATTACTCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATCAATTTATACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCACGAATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCTTTATATGATTATCAATCGAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACGTCTCCTACAACAGGTGGGGTGACAGCTAGTTTTGGGATGTTGGGAGATATTATTATTGCTGAACCTAACGCCTATATTGCATTTGCGGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAAACAGTACCTGAAGGTTCCCAATCGGCCGAATTTTTATTCCATAAGGGCTTATTCGATTCAATCGTACCACGTAATCTTTTAAAAGGCGTTTTGAATGAGTTACTTCAGCTCCACGATTTCTTTCCTTTGAATCCTAAATCAAGTAGTGCCTTAATTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348363.1\_32 [gene=psaI] [locus\_tag=B2L33\_pgp056] [db\_xref=GeneID:31082800] [protein=PsaI] [protein\_id=YP\_009348363.1] [location=64153..64266] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTTAACAACTTACCCTCTATTTTTGTGCCTTTAGTGGGATTAGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATCTCTTCATGTTCAAAAAAACAAGATTTTTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348364.1\_33 [gene=ycf4] [locus\_tag=B2L33\_pgp055] [db\_xref=GeneID:31082801] [protein=Ycf4] [protein\_id=YP\_009348364.1] [location=64575..65129] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACATATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGAAAAATAAGTAATTTCTGCTGGGCTTTTATCCTCTTTTTAGGTTCATTGGGTTTTTTATTGGTTGGAATTTCCAGTTATCTTGGAAAAAGTTTCATATCTTTATTTCCCTCTCAGCAAATACTTTTTTTTCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTTTATTTATTAGTTGTTATTTGTGGTGCACAATTTTGTGGAATGTGGGTGGGGGTTATGATCGATTCGATAGAGAAGAAGGAATAGTATGTTTTTTTCGCTGGGGATTTCCTGGAAAAAATCGTCGCATCTTACTCCGATTCCTTATGAAAGATATTCAGTCTATTAGAATAGAAGTTAAAGAGGGTATTTACGCTCGGCGTATCCCTTATATGGAAATCCGAGGCCGAGGGACTGTTCCTTTGACTCGTACTGATGAGAATTTGACTCCACAAGAAATTGAGCAAAAAGTTGCGGAATTGGCCTATTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTATTTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348365.1\_34 [gene=cemA] [locus\_tag=B2L33\_pgp054] [db\_xref=GeneID:31082802] [protein=CemA] [partial=5'] [protein\_id=YP\_009348365.1] [location=<65878..66570] [gbkey=CDS]

ACGAAAAATGAAAAAAAAAAATCTATTCCCCTTCTATATCTTACATCTATAGTTTTTTTTCCCTGGTGTATCTCTTTTTTATTTAAAAAAAGTTTTGAATCTTGGGTTATTAATTGGTGTAATACTAGTAAATCCGAAATTTTTTTAAATGATAGCCAAGAAAAAAGCTTTTTAGAAAAATTCATAGAATTAGAGGAGCTCGTTCGCTTGGACGAAATGATAAAAGAATATCCGGAAATACATCTACAAAAGTTTCCTATCGGAATCCAGAAACAAATGATACAATTGATCAAGATACACAATGAGGATTGTATCCATACGATTTTGCACTTCTCGACAAATATAATCTATTTCGTTATTCTAAGTGGTTATTCTATTCTAAGTAATGAAGAACTCTTTTTTCTTAATTCTTGGGTTCAAGAATTCCTATATAACTTAAGTGACACAATAAAAGCTTTTTCCATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCATTCACCCCATGGTTGGGAATTAATGATTGGTTCTGTTTATAAAGATTTTGGATTTGCTCATAACGATCAAATTATATCTGGCCTTGTTTCCACTTTTCCAGTCATTATCGATACAATTTTGAAATATTGGATTTTCCGTTATTTAAATCGTGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348366.1\_35 [gene=petA] [locus\_tag=B2L33\_pgp053] [db\_xref=GeneID:31082803] [protein=PetA] [protein\_id=YP\_009348366.1] [location=66927..67889] [gbkey=CDS]

ATGCAAACTCGAAAAACGTTTTCTTGGATAAAGGAAGAGATTACTTATTCCATTTCCATATCACTTATGATATGTATAATAACTTGGGCATCCATTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAGCAAGGTTATGAAAATCCACGCGAAGCAACTGGCCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAACCGGTAGATATTGAGGTTCCACAAGCGGTACTTCCTGATACTGTATTTGAAGCAGTTGTTCGAATTCCTTATGATATGCAACTGAAACAAGTTCTTGCTAATGGAAAAAAGGGGGCTTTGAATGTAGGAGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGGTTTGAATTAGCCCCTTCCAGTCGTATTTCGCCAGAGATTAAAGAAAAGATAGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACTAAAAAAAATATTCTTGTGATAGGTCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCGATTCTTTCTCCGGACCCCGCCACTAAGAAAGATGTTTACTTTTTAAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGAGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGTAACAATACGGTTTATAATGCTACAGCCGCAGGGATGATAAGCAAAATAATACGAAAAGAAAAAGGGGGGTACGAAATAACCATAACAGATGCGTCAGAGGGACGTCAAGTGAGTGATATTATACCTCCAGGACCGGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATCAAAGTTGATCAACCATTAACAAGTAATCCTAATGTAGGTGGATTTGGTCAGGGGGATGCGGAAATAGTACTTCAGGCCCCATTACGTGTCCAAGGCCTTTTGTTCTTCTTGGCATCCGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348367.1\_36 [gene=psbJ] [locus\_tag=B2L33\_pgp052] [db\_xref=GeneID:31082804] [protein=PsbJ] [protein\_id=YP\_009348367.1] [location=complement(68703..68825)] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGAAGAATTCCTCTTTGGATAATAGGTACTGTAACAGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGGTTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348368.1\_37 [gene=psbL] [locus\_tag=B2L33\_pgp051] [db\_xref=GeneID:31082805] [protein=PsbL] [protein\_id=YP\_009348368.1] [location=complement(68977..69093)] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAACCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGATTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348369.1\_38 [gene=psbF] [locus\_tag=B2L33\_pgp050] [db\_xref=GeneID:31082806] [protein=PsbF] [protein\_id=YP\_009348369.1] [location=complement(69120..69239)] [gbkey=CDS]

ATGACGATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGGCTGTTCACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTCTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348370.1\_39 [gene=psbE] [locus\_tag=B2L33\_pgp049] [db\_xref=GeneID:31082807] [protein=PsbE] [protein\_id=YP\_009348370.1] [location=complement(69253..69504)] [gbkey=CDS]

ATGTCCGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCACCAGTATTCGATATTGGGTTATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACCGGTTTAGCTTACGATGTCTTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAATATTTTACAGAGAGCCGACAGGGAATTCCATTAATAACAGGCCGCTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348371.1\_40 [gene=petL] [locus\_tag=B2L33\_pgp048] [db\_xref=GeneID:31082808] [protein=PetL] [protein\_id=YP\_009348371.1] [location=71317..71412] [gbkey=CDS]

ATGCCTACTATAACTAGTTTTTTCGGTTTTCTACTAGCGGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTATTTATTGGTCTGAGCAAGATAAGACTTATTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348372.1\_41 [gene=petG] [locus\_tag=B2L33\_pgp047] [db\_xref=GeneID:31082809] [protein=PetG] [protein\_id=YP\_009348372.1] [location=71599..71712] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTTTGCTCTTTGGAATTGTCTTAGGGCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTTGTAACTGCATATTTACAATATAGACGTGGCGATCAGTTAGACCTTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348373.1\_42 [gene=psaJ] [locus\_tag=B2L33\_pgp046] [db\_xref=GeneID:31082748] [protein=PsaJ] [protein\_id=YP\_009348373.1] [location=72602..72736] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATCTATCCGTGGCACCGGTAATAAGTACTCTATGGTTTGCGTCTTTAGCAGGCCTATTGATAGAGATCAATCGTTTTTTTCCAGATGGATTGACATTGCCTTTTTTTTCATTCTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348374.1\_43 [gene=rpl33] [locus\_tag=B2L33\_pgp045] [db\_xref=GeneID:31082811] [protein=ribosomal protein L33] [protein\_id=YP\_009348374.1] [location=73210..73410] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGGAAAGATGTTCGAGTAAGAATTATTTTAGAATGTACCGGTTGTGTTCGAAAGAGTGTTAATAAGAAATCAACAGGTATTTCGAGATATATTACTCAAAAGAATCGACACAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCCCTATTGTTACAAACATAGAATTCACGGGGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348375.1\_44 [gene=rps18] [locus\_tag=B2L33\_pgp044] [db\_xref=GeneID:31082812] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_009348375.1] [location=73863..74147] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCCAAACGACTTTTCCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTTGTTACCTTTTCTTAATAATGAAAAACAATTTGAAAAAAAGCGAGTTGGTCACTCTAACTACTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348376.1\_45 [gene=rpl20] [locus\_tag=B2L33\_pgp043] [db\_xref=GeneID:31082813] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_009348376.1] [location=complement(74463..74819)] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGGAGACGTAGAACAAAAATTCGTTTATTCGTATCAAGCTTTCGCGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAAGTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGGTTTCGGCCCATCGGGATAGAGATAGACAGAAAAGAAATTTTCGTCGTTTATGGGTCACTCGGATAAATGCAGTAATTCGCGGAAATAGCAGGGTATCAAATAGTTATAGTAATTTAGTAAATAATCTGTACAAGAGACAATTGCTTCTTAATCGTAAAATACTTGCACAAATAGCTATATTAAATAGGAATTGTCTTTATACGATTTCCAATGACATTAGAAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348377.1\_46 [gene=rps12] [locus\_tag=B2L33\_pgp042] [db\_xref=GeneID:31082814] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_009348377.1] [location=join(complement(75634..75747),146289..146520,147057..147082)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATTAGAAATGTTACCAAATCGCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAACGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348378.1\_47 [gene=clpP] [locus\_tag=B2L33\_pgp040] [db\_xref=GeneID:31082723] [protein=ClpP] [protein\_id=YP\_009348378.1] [location=complement(join(75957..76185,76839..77129,77951..78021))] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTCCCTTTTCGACATCCTGGAGAAGACGATTCACTTTGGATTGACTTATACAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGGTATTGATAGCGAGATCTCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAGAGCGAGACCAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCTGGCGGATGGGTAATACCCGGAGTAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCAGATGTACAAACAGTATGCATGGGATTAGCTGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTGGTCGGAGGAAAAATCACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCCAGGGTAATGATTCATCAACCTATTGCTGGTTTTTATGAAGCACAAATAGCAGAATTTGTCCTGGAAGCAGAAGAACTGCTGAAACTGCGTGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGAAAACCCTTATGGGTTGTATCTGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGCCCAAGCTCACGGAATTGTTGATCTTGTAGCAGTTGCATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348379.1\_48 [gene=psbB] [locus\_tag=B2L33\_pgp039] [db\_xref=GeneID:31082815] [protein=PsbB] [protein\_id=YP\_009348379.1] [location=78541..80067] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCGTTGGTTGCTGGTTGGGCTGGTTCGATGGCTCTATATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCGATGTGGAGACAAGGTATGTTCGTTATACCCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCGTGGGGTGGTTGGAATATCACAGGAGGAACTATAAGCAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGTGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCTGGGTTGTGTTTCTTAGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATCTTTTTTGATGAACGTACCGGAAAACCTTCTTTGGATTTGCCCAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGGTAGCTTGCTTTGGGTTTGGCGCTTTTCATGTAACCGGATTGTATGGTCCTGGAATATGGATCTCCGATCCTTATGGATTAACTGGAAAGGTACAACCAGTAAGTCCAGCATGGGGTGTCGAAGGTTTTGATCCCTTTGTTCCGGGAGGAATAGCTTCTCATCATATTGCAGCAGGGACATTGGGCATATTGGCGGGTCTATTTCATCTTAGTGTCCGTCCGCCCCAACGTTTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACTGTACTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCTGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAATTATTTGGTCCCACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAGCAAGAAATATATCGAAGAGTTAGTGCCGGGCTAGCCGAAAATCAAAATTTATCCGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAACTTTTTATGATTACATTGGCAATAATCCTGCAAAAGGTGGATTGTTCAGAGCAGGTTCCATGGACAACGGGGATGGAATAGCTGTTGGGTGGTTAGGACATCCTATCTTTAGAGATAAAGAAGGGCGTGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCAGTTGTTTTGGTAGACGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCAGAGTCGAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACTGTTGAGTTCTATGGTGGGGAACTAAACGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTCAAAAAATATGCTAGACGTGCTCAATTAGGCGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTGAAATCCGATGGTGTTTTTCGTAGCAGTCCACGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTCGCTCTGCTCTTTTTCTTCGGACACATTTGGCATGGTGCTCGAACTTTGTTCCGAGATGTTTTTGCTGGGATTGATCCAGATTTAGATGCTCAAGTGGAATTTGGAGCATTCCAAAAACTTGGAGATCCTACTACAAAAAGGCAAGTAGTTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348380.1\_49 [gene=psbT] [locus\_tag=B2L33\_pgp038] [db\_xref=GeneID:31082721] [protein=PsbT] [protein\_id=YP\_009348380.1] [location=80253..80360] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTATCAACTTTAGGAATAATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGAGAACCGCCTAAAGTTCCAACTAAAAAGGTAAAATGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348381.1\_50 [gene=psbN] [locus\_tag=B2L33\_pgp037] [db\_xref=GeneID:31082816] [protein=PsbN] [protein\_id=YP\_009348381.1] [location=complement(80413..80544)] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACCCTAGTCGCCATCTCTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCGCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348382.1\_51 [gene=psbH] [locus\_tag=B2L33\_pgp036] [db\_xref=GeneID:31082817] [protein=PsbH] [protein\_id=YP\_009348382.1] [location=80654..80875] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGCGTGGAGGGTAGTTCTCGATCTGGTCCAAGACGAACTGCTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTAGCTCCTGGCTGGGGAACCACTCCTTTAATGGGTATCGCAATGGCTCTATTTGCCATATTCCTATCTATTATTTTGGAGATTTATAATTCTTCTGTTTTACTAGATGGAATTTCAATGAATTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348383.1\_52 [gene=petB] [locus\_tag=B2L33\_pgp035] [db\_xref=GeneID:31082818] [protein=PetB] [protein\_id=YP\_009348383.1] [location=81726..82412] [gbkey=CDS]

ATACGGTTCTCGGAGGGGGAGTCCTTCTGGTTTACCTATCTCAATAAAGTCTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCGATTGCAGATGACATAACTAGTAAATATGTTCCTCCTCATGTTAACATATTTTATTGTTTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCAACCGTTACTGAGGCTTTTTCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAAGCTAATTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCATCGCTGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTGTATCTCACTGGTGGTTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGCGTGGTTCTTGCTGTATTGACGGCATCTTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTCAAAATTGTAACAGGCGTACCGGAAGCTATTCCTGTAATAGGATCGCCTTTGGTAGAGTTATTACGGGGAAGTGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCCCTTCTTACTGCTGTATTTATGTTAATGCACTTTCCAATGATACGTAAGCAAGGTATTTCAGGTCCTTTATAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348384.1\_53 [gene=petD] [locus\_tag=B2L33\_pgp034] [db\_xref=GeneID:31082819] [protein=PetD] [protein\_id=YP\_009348384.1] [location=83341..83886] [gbkey=CDS]

ATGTCCGGTTCCTTCGGAGGATGGATCTATAAGAATTCACCTATCCCAATAACAAAAAAACCTGACTTGAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGGCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTATGGGGAACCCGCATGGCCAAACGATCTTTTATATATTTTTCCAGTAGTAATTTTAGGTACTATTGCATGTAATGTAGGATTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCTGCAGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCTGAATGGTATTTCTTTCCTGTATTTCAAATACTCCGTACAGTACCCAATAAGTTATTGGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCTACAGGCTTATTAACAGTACCTTTTTTAGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGTCCAGTTGCGACAACTGTATTTTTGATTGGTACTGTAGTAGCCGTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTACCTATTGAGAAATCTCTAACTTTAGGTCTTTTTCAAGTTGATTTAATTGAAAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348385.1\_54 [gene=rpoA] [locus\_tag=B2L33\_pgp033] [db\_xref=GeneID:31082820] [protein=RpoA] [protein\_id=YP\_009348385.1] [location=complement(84025..85044)] [gbkey=CDS]

ATGGTTCGAGAGAAAGTAACAATATCTACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTGTTGAATCAAGAAAGGACAATAAGCGTCTTTATTACGGACGCTTTATTCTCTCTCCGCTTATGAAAGGCCAATCCGATACGATAGGCATTGCGATTCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATAGAAGGAACCTGTATCACACGTGCAAAATCTGAAAAAATATCACACGAATTTTCTACTATAACAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTCATGAATTTGAAAGAAATTATATTGAGAAGCAATTTGTATGGAACTTGTGACGCGTCTATTTGTGTCAAGGGTCCTGGATATGTAACTGCTCAAGACATCATTCTACCACCTTTTGTGGAAATCATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAACAGAACCAATTGATTTGTGTATTCGATTACAAATCGAGAGGAATCGTGGCTATCGTATAAAACCAACAAAAACCTTGCAAGATGGAAGTTTTCCTCTAGATGCTGTATTCATGCCGGTTCGAAATGCAAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGGAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAACGGAAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCATGAGGCTTCCCGTAATTTGATTGATTTATTTATTCCTTTTCTACATGCAGACGAACAAAACTTACCTTTAGAAAAAAATCAACACAACGTTACTTTACCCCTTTTGACTTTTCATGATAGATTGACTAAATTAAGAAAAAAAAAAAAAGAAATACCATTGAAATACATTTTTATTGACCAATCCGAATTGACTCCTAAGATCTATAATTGCCTCAAAAGGTCTAATATACATACATTATCGGACCTTTTGAATAAGAGTCAAGAAGATCTTATGCAAATTGAAGATTTTCACATAGACGATGTAAAACATATATTGGGTATTTTAGAAATAAAAAAACATTTCGTAATGGATTTACTAAAGAATAAAATCTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348386.1\_55 [gene=rps11] [locus\_tag=B2L33\_pgp032] [db\_xref=GeneID:31082821] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_009348386.1] [location=complement(85111..85527)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAAACCTTTACCACGAATTGGTTCACGCAGAACTGGACGCATTGGTTCACGTAAGAATGCACGTAAAATACCAAAAGGAGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTCAACAATACTATTGTGACCGTTACAGATGTACGGGGACGAGTAATTTCGTGGTCCTCGGCTGGAACTTGTGGATTCAAAGGCACAAGAAGAGGAACACCATTTGCTGCTCAAACCACAGCAGGAAATGCTATTCGAACAGTAGTGGATCAAGGCATGCAACGAGCAGAAGTCATGATAAAAGGTCCTGGTCTCGGACGCGATGCGGCATTAAGAGCTATTCGCAGAAGTGGTATACTATTAACTTTTGTCCGGGATGTAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCAGACCCCCGAAAAAAAGGCGCGTGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348387.1\_56 [gene=rpl36] [locus\_tag=B2L33\_pgp031] [db\_xref=GeneID:31082822] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_009348387.1] [location=complement(85643..85756)] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCTGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGCCGACTGATACGTAGACGGGGACGAATTATAGTAATTTGCTTCAACCCAAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348388.1\_57 [gene=rps8] [locus\_tag=B2L33\_pgp030] [db\_xref=GeneID:31082823] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_009348388.1] [location=complement(86251..86655)] [gbkey=CDS]

ATGGGTAGGGATCCGATTGCTGACATAATAACCTCTATACGAAATGCTGACATGAATCGAAAAGAAACCGTTCGAATAGCAGCTACTAACATCACCGAAAACATTATAAAATTACTCTTACGAGAGGGTTTTATTGAAAATGTCAGGAAACATCAGGAAGGCAACAAAAAATTTTTGGTTTTAACTTTACGCCATAGAAGGAAAAAAAAAGGACCATATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGGATAAGCCGGCCGGGTCTACGAATCTATTCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGCATTGTAATTCTTTCTACTTCTCGGGGTATACTGACAGACCGGGAAGCTCGACTCGAAAGAATCGGCGGAGAAATCTTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348389.1\_58 [gene=rpl14] [locus\_tag=B2L33\_pgp029] [db\_xref=GeneID:31082824] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_009348389.1] [location=complement(86923..87291)] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAGACCCATTTGAATGTAGCAGATAACAGTGGAGCCCGAGAATTGATGTGTATTCGAATCATAGGGACTAGTAATCGCCGATATGCTCATATCGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCAGCACCCAATTCACCTCTCGAAAGATCAGAAGTAATCAGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTTAAACGTAATAACGGTATAATAATACGATATGATGACAATGCTGCAGTTGTCATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACACGAATTTTTGGTGCAATTGCCCGGGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCACCTGAGGTCTTATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348390.1\_59 [gene=rpl16] [locus\_tag=B2L33\_pgp028] [db\_xref=GeneID:31082825] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_009348390.1] [location=complement(87418..87777)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGAATATCTTTTAGAGGCAATCGTATTTGTTTTGGAAGATATGCTCTTCAAGCACTTGAACCCGCTTGGATTACATCTAGACAAATAGAAGCGGGGCGACGAGCAATGACACGAAATGCACGCCGCGGTGGAAAAATATGGGTACGTATATTTCCCGACAAACCCGTTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGGTCTCCCGAATATTGGGTAGCTGTGGTTAAACCAGGTAGAATACTTTTTGAAATGGGTGGAGTGGCAGAAAATATAGCGAGAAAGTCTATTTCAATAGCAGCATCCAAAATGCCTATACGAACTCAATTCCTTATTTCAAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348391.1\_60 [gene=rps3] [locus\_tag=B2L33\_pgp027] [db\_xref=GeneID:31082826] [protein=ribosomal protein S3] [protein\_id=YP\_009348391.1] [location=complement(89286..89942)] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTTGGTTTCAGACTTGGTACAACCCAAAGTCATCATTCTCTTTGGTTTGCACAACCAAAAAATTACTCTGAGGGTCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAGAATTTTGTAAAAAAAAATACAAAAATATCTTCTGGCGTTGAGGGAATTGCACGTATAGAGATTCAAAAACGAATCGATGTGATTCAAGTCATAATATATATGGGATTCCCAAAATTATTAATAGAAAATAGACCTAAACGAATCGAAGAATTACAGATACATGTACAAAAAGAACTAAATTGTGTAAACCGAAAACTCAATATTGTTATCACAAGAATTTCAAATCCTTATAGCAACCCTAATATTCTTGCAGAATTTATAGCTGGACAATTAAAAAATCGAGTTTCTTTTCGTAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACCGAACAGGCGGATACAAAAGGAATTCAAGTACAAATTGCGGGACGCCTTGATGGAAAAGAAATTGCACGAGTCGAATGGATTAGAGAGGGTAGGGTTCCTCTACAAACCATTCGAGCTAAAATTGATTATTGTTCGTATACAGTTAGAACTATTTATGGGGTATTAGGCATAAAAATTTGGACATTTCTAGACAAGAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348392.1\_61 [gene=rpl22] [locus\_tag=B2L33\_pgp026] [db\_xref=GeneID:31082827] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_009348392.1] [location=complement(90067..90453)] [gbkey=CDS]

ATGATAAATAAAAAAATAGACCCGTACACAGAAGTATATAGTTTAGGACAACATATACGTATGTCCGCTCACAAAGCACGAAGAATAATCGATCAAATTCGTGGACGTTCTTACGAAGAAACACTTATGATACTAGAACTAATGCCTTATCGAGCATCTTATCCCATTTTAAAATTGATTTCTTCTGCAGCAGCAAATGCTAGTCACAATATGGCTTTCAACGAAACCGATTTAATGATTAGTAAAGCCGAGGTTAACGACGGTACTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGACGGGGTTATCTAATAAAAAAATCAACTTGTCATATAACTATTGTATTAAAAAATATATCCTTAGAAAAAGAATATGAGGATTCTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348393.1\_62 [gene=rps19] [locus\_tag=B2L33\_pgp025] [db\_xref=GeneID:31082828] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_009348393.1] [location=complement(90506..90784)] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCTACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCGTATGGTGGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTTTAAATTTCCGGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCCCGCCGTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348394.1\_63 [gene=rpl2] [locus\_tag=B2L33\_pgp024] [db\_xref=GeneID:31082829] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_009348394.1] [location=complement(join(90841..91308,91933..92328))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCATTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATAATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGCGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGTAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGGTCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTGGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348395.1\_64 [gene=ycf2] [locus\_tag=B2L33\_pgp023] [db\_xref=GeneID:31082749] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_009348395.1] [location=92957..99847] [gbkey=CDS]

ATGAAGGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTCGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTCTTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATTCTTTGGGTCTTACAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCCGGATCTGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCACGGCGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCAGGATTGGGATTTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACAGAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTGGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCAATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCAGGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGATCCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGGTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCATCCGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGGTACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCCGTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAACAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCGTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGAGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCCTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCAGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTAATTAATATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAACTAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATCATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTCTGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCCCAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTTCTATTTTTCGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAATGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTTTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCACTTATGGGGTTAAATCAATCCGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAATAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCGCTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAACGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCAAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCGTATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAATAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCTTATCGATTAGTATTACACAGAAAAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAATGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGCTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCGGATCTAGTTCATGGTCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTATTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGACGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGGGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGCTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348396.1\_65 [gene=ycf15] [locus\_tag=B2L33\_pgp022] [db\_xref=GeneID:31082831] [protein=Ycf15] [protein\_id=YP\_009348396.1] [location=99980..100117] [gbkey=CDS]

ATGTTACTGCTGAAACATGAAAGAATTGAAATCTTAGATCAAAACACTATGTATGGATGGTATGAACTGCCTAAACAAGAATTCTTGAACAGCGAGCAAGCAGAACGATTACTCACTACATCAAAAAATTTCCATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348397.1\_66 [gene=ndhB] [locus\_tag=B2L33\_pgp021] [db\_xref=GeneID:31082750] [protein=NdhB] [partial=5'] [protein\_id=YP\_009348397.1] [location=complement(join(101182..101937,102616..103392))] [gbkey=CDS]

ACGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGTAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGTATGATAACTTATATGTTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGGTGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348398.1\_67 [gene=rps7] [locus\_tag=B2L33\_pgp020] [db\_xref=GeneID:31082833] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_009348398.1] [location=complement(103706..104173)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAGAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348399.1\_68 [gene=ycf1] [locus\_tag=B2L33\_pgp019] [db\_xref=GeneID:31082759] [protein=Ycf1] [protein\_id=YP\_009348399.1] [location=115753..117171] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATACTCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTTTCCATGGGGCCCTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAATAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTAACAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTAATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAACACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGCGAGGAAGAAACAGATGTAGAAACAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGGTCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGAAAAAAAAAATAAAGATCTGTTATGGGTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGATTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATCATCAGTTTGAGAATGCTTTAAGAAGAGAAATGGGACAATATTTTTTTTCTACATGTCTAAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTATGTATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAACTGATACAAAGAAAGATGTCTCTGTTCATAACACACAAATTTTCCTCTGATGAATTGTATAATCATTGGAATTCCAAGAATGAAAAAAAAAAAAAAAATCGAAGTAATGAATTTTTAAATACTTTAAATACTATAAATACTAAATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348400.1\_69 [gene=ndhF] [locus\_tag=B2L33\_pgp018] [db\_xref=GeneID:31082835] [protein=NdhF] [protein\_id=YP\_009348400.1] [location=complement(117200..119434)] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATACCTTTCCTTACATTCCCAGTCCCTATGTTAATAGGAGCAGGACTTCTACTTTTTCCGGCGACAACAAAAAAACTTCGTCGTATGTGGGCTTTTCCAAGTGTTTTATTGTTAAGTATAGTTATGGTTTTTGCAATTGATCTGTCTATTCAGCAAATAAATAGCAGTTTTATTTATCAATATATATGGTCATGGACCATCAATAATGATTTTTCTTTAGAGTTCGGACACTTGATTGACCCACTTACTTCTATTTTGTTAATATTAATTACTACAGTTGGAATTATGGTTCTTTTTTATAGTGATAATTATATGTCTCATGATCAAGGTTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCAATACTTCAATGTTAGGATTAGTTACTAGTTCGAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAATTAGTTGGAATGTGTTCTTATCTTTTAATAGGTTTTTGGTTCACACGTCCTAGTGCATCGAATGCTTGTCAAAAAGCATTTGTAACTAATCGTGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTAGGAATTCTTGGTCTGTATTGGATAACGGGCAGCTTCGAATTTCGAGATTTGTTCAAAATATTCAATAACTTGATTTATAATAATCAAGTTAATCTTGTATTCGTTACTTTGTGTACCTTTTTATTATTTTCCGGTGCAATTGCTAAATCGGCACAATTTCCTCTTCATGTATGGTTGCCCGATGCCATGGAGGGGCCTACCCCTATTTCGGCTCTGATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCGGGAATTTTTCTTGTAGCTCGCCTTTTTCCCCTTTTCCTAGTCATACCTTACATAATGAATCTAATAGCTTTAATAGGCATAATAACAGTCTTTTTAGCAGCTACTTTAGCCCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCTTATTCTACAATGTCTCAATTGGGTTATACGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGAGGTGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAAGCATTGTTGTTTTTAGGGTCTGGATCTATTATTCATTCAATGGAAACTATTGTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGGTTTTTATGGGCGGTTTAACAAAACATATTCCAATTACAAAAACTGCTTTTTTATTAGGAACGCTTTCCCTTTGTGGTATTCCACCCTTCGCCTGTTTTTGGTCCAAAGATGAAATTCTTAATGATAGTTGGTTATATTCACCTAGTTTCGCAATAATAGCTTGGTTCACTGCGGGATTAACTGCATTTTATATGTTTCGGATTTATTTACTTATTTTTGAAGGATATTTCAATCTTAATTTTAAAAATTACAGTGGAAAAAAAAACGGTTCATTTTATTCAATATCTTTATGGGGTAAAGAAGGATCAAAAACGTTTAAAAAAAATTTTCGTTTATTACCTTTATTAAAAAAAACGAATAATGACAGGACTTCCTTTTTTCGGAAGAATACATATAAAATTGATGTTAATGTAAGAAATATGAGATGGGCCTTTATTACTGTTAATAATTTTAACACTAAAAGGATTTTTTCCTACCCGCGGGAATCCGACAATACTATGTTATTTCCTATGCTTGTCTTCGTACTATTTTCTGTCTTTATTGGAGCTATAGGAATTCCTTTCAATCAATTCAATCAAGAAGAAATCAAGTTGGATATATTGTCAAAACTACTAACTCCGTCTTTTAAACTTTTGCATGAAAATGAAGAAAATTATGTGGATTGGTATGGATTTGTAATAAATGCAACTTTTTCAGTTAGTATAACTTTTTTCGGAATATTTATCGCGTCCTCCTTCTATCAGCCTGTTTATTTATCTTTACAAAATTTGAATTTCTTTAATTCATCCGCTAAAAAAGGCTTGAAGAAAATTCTTTCGGACAAAATAAAAAATCAGATATATAATTGGTCCTATAATCGAGGTTACATAGATTCCTTTTATGCAATGTCTTTTATTAGGGGTATAAGAAAATTAGCTGAATTAATTTCTTTTTTTGATAAACGAATAATTGATGGAATTATAAATGGAGTCGGTGTTATCAGTTTCTTTGTAGGAGAAAGCATAAAATATGCAGGAAGCGGTCGCATTTCTTCTTATCTTTTATTGTATGTATTTTATGCAGTAATTTTTTTATTAATTTACTATACTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348401.1\_70 [gene=ccsA] [locus\_tag=B2L33\_pgp017] [db\_xref=GeneID:31082760] [protein=CcsA] [protein\_id=YP\_009348401.1] [location=120220..121188] [gbkey=CDS]

ATGATCGTTTCGAATTTCGAACATATATTAACTCATATATCTTTTTCAGTCGTGTCAATTGTAATTACAATTCATTTGATAACCTTATTAGTCGATGAATTCGTAGAACTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGTTAACGACTTTTTTCTGTATAACCGGATTATTAGTTACTCGTTGGTTTTTTGGGGGACATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCATGGGCATTTTGTGTTATTCATATAATTCCGTATTTTAAAAAATATAAAAATTATTTAAGCGCAATAACCGCGCCAAGTACTTTTTTGACTCAAGGGTTTGCCACTTCGGGTCTTTTAAAAGGCATGCATCAATCCGAAATCTTAGTACCCGCTCTTCAATCCCAGTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATTTTTGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTATCAGTAGCATTTCTAGTAATCAGATTTCAAAAAATTAGAATAATTTTTGATAAAAGCACTAATTTTTTAAATGATTCGTTTTACTTTAATGAGATACAATATATAACGGAAGGAAAGAATGTTTTAAGAAATAGTTCCTTTCTTTCCTCTAGGAATTATTATAGGTTTCAATTAATTCAACAATTAGATGACTGGAGTTATCGGATTATAAGTATAGGTTTTTTTTTTTTAACTATAGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCATGGGGATCATATTGGAATTGGGACCCAAAGGAAACTTGGGCATTTATTACATGGACCATATTCGCGGTTTTTTTTCATACTCGAACAAATAAAAATTTGGAGAGTTTAAATTCGGCAATTATAGCTTCTATCGGTTTTCTTATAATTTGGATATGCTATTTTGGAGTTAATTTATTAGGAATAGGACTACATAGTTATGGTTCATTTACATTACCAATTAACAATTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348402.1\_71 [gene=ndhD] [locus\_tag=B2L33\_pgp016] [db\_xref=GeneID:31082837] [protein=NdhD] [exception=RNA editing] [protein\_id=YP\_009348402.1] [location=complement(121376..122878)] [gbkey=CDS]

ACGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAATATTTGTAGTTTTACCGATAGCCGCGGGTTTATTAATTTTCTTTTTCCCTCATAGAGGAAATAAGCTAATTAGGTGGTATACTTTATATATATGTATAGCGGAGCTCCTTTTAATAACTTATGCATTCTCTTATTATTTCCAATTTGAGGACCCATTAATCCAATTAGCAGAACATTATAAATGGATCCCTTTTTTTGATTTGTACTGGAGATTGGGAATAGATGGTTTTTCTTTAGGACCCATTTTACTGACAGGATTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGGCCGATTACTCGGGATTCCCGATTATTCCATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGCGCTCAAATAGGATTATTTTCATCTCAAGATCTTTTACTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTCTATTTACTTCTATCCATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCAGGAGGTTCGGTTTTTTTATTACTGGGAGCTTTGGGTCTCGCTTTATATGGTTCCGATGAACCGACATTCAATTTTGAAACATCAGCGAATCAATCATATCCTGTGGCACTAGAAATATTTTTCTATATTGGATTTTTTATTGCTTTTGCTGTCAAATCACCGATTATACCTTTACATACATGGTTACCAGACACTCATGGGGAAGCACATTACAGTACTTGTATGCTTCTAGCTGGCATCCTATTAAAAATGGGGGCGTATGGATTGATTCGAATCAATATGGAATTATTGCCTCATGCTCATTCTATCTTTTCCCCTTGGTTGATAATAATAGGCGTAATGCAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCCGGTCAACGAAATTTAAAAAAAAGAATAGCCTATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTTGCTCTATAAGTGAGATGGGACTCAATGGAGCCATTTTACAAATTCTATCACATGGATTTATTGGTGCTGCACTTTTTTTCTTGGCAGGAACTGGTTATGATAGAATACGTCGTCTTTATCTTGACGAAATGGGTGGAATGGCTCCCCTAATGCCAAAACTATTCACGACCTTCAGTATTTTATCACTAGCTTCCCTTGCATTACCGGGCATGAGTGGTTTTTTTGCCGAATTGGTCGTCTTTTTTGGACTAATTAGCGGACAAAAATACCTTTTAACGGCAAAAATCTTCATTACTGTCGTAATGGCAGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGGTACGACAGATGTTCTATGGATACAAATTGTTTAATGCCCCAAACTCTTATTTTTTTGATTCGGGACCTCGGGAATTATTTGTTTCGATCTCTATCCTTCTGCCTGTAATAAGTATTGGTATTTATCCGGATTTCGTTTTCTCATTATCAATTGACAGAGTCGAAGCTATTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348403.1\_72 [gene=psaC] [locus\_tag=B2L33\_pgp015] [db\_xref=GeneID:31082838] [protein=PsaC] [protein\_id=YP\_009348403.1] [location=complement(123018..123263)] [gbkey=CDS]

ATGTCACATTCAGTAAAAATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGCCCCACGGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGGTGTAAATCGAAGCAAATTGCTTCTGCTCCAAGAACAGAGGATTGTGTCGGTTGTAAAAGATGTGAATCTGCTTGTCCAACGGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348404.1\_73 [gene=ndhE] [locus\_tag=B2L33\_pgp014] [db\_xref=GeneID:31082839] [protein=NdhE] [protein\_id=YP\_009348404.1] [location=complement(123516..123821)] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTTATTTTGAGTGCTTGTTTATTTTCTATCGGTATCTATGGATTGATCATGAGTCGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGTCTTGAACTTATACTGAATGCTGTTAATATAAATTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCAACTAAAAGGAAATATTTTTTCAATTTTTGTTATAGCTATCGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACTGGCTATTGTTTCGTCTATTTATCGTAACAGAAAATCCACCCGTATCAATCAATCGAATTTATTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348405.1\_74 [gene=ndhG] [locus\_tag=B2L33\_pgp013] [db\_xref=GeneID:31082840] [protein=NdhG] [protein\_id=YP\_009348405.1] [location=complement(124044..124574)] [gbkey=CDS]

ATGGATTTACCTGGACTAATACATGATTTTCTTTTAGTCTTTCTGGGGTTAGGTCTTATATTAGGAGGTTTAGGAGTAGTATTATTTACCAACCCCATTTTTTCTGCCTTTTCATTAGGATTCGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTTTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCTGCACAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCTATAAATGTTTTAATTATATTTGCCGTAATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAAATGGAGTTACTTCCTTAGTTTGTACAAGTATTTTTGTTTCACTAATTACTATTATTCCAGATACGTCATGGTACGGAATTATTTGGACTACAACATCAAATCAGATTATAGAACAAGATTTGATAACTAATGGTCAACAAATTGGAATTCATTTAGCAACAGATTTTTTTCTTCCATTTGAATTCATTTCAATAATTCTTTTAGTTGCTTTGATAGGTGCAATTGCTGTGGCTCGTCAGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348406.1\_75 [gene=ndhI] [locus\_tag=B2L33\_pgp012] [db\_xref=GeneID:31082841] [protein=NdhI] [protein\_id=YP\_009348406.1] [location=complement(125036..125533)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCCATGGTAACTGGATTCATGAATTATGGGCAACAAACCATACGAGCTGCAAGGTACATTGGTCAAAGTTTCATGATTACCTTATCCCATGCAAATCGTTTACCTGTAACTATTCAATATCCTTATGAAAAATTAATAACATCGGAGCGTTTCCGTGGTCGAATCCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGTGTATGTCCTATAGATCTGCCTGTTGTTGATTGGAAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTAAATTACAGTATTGATTTCGGAATCTGTATATTTTGCGGCAACTGCGTTGAGTATTGTCCAACAAATTGTTTATCAATGACAGAAGAATATGAACTTTCTACTTATGATCGTCATGAATTGAATTATAATCAAATTTCTTTGGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTTGAGGATTATACGATTCGAACAATTTTAAATTCAACTAAAATCAACTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348407.1\_76 [gene=ndhA] [locus\_tag=B2L33\_pgp011] [db\_xref=GeneID:31082842] [protein=NdhA] [protein\_id=YP\_009348407.1] [location=complement(join(125625..126163,127280..127832))] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAGTACAAGCTATCCATTCTTTTTCTAGGTTAGAATCCTTAAACGATGTCTATGGAATTATATGGGAGTTTATTCCTATTTTGATTCTTGTATTGGGAATCACGATAAGCATACTCGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCCGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCCGAATATGCGGGTCCTTTAGGAGTTCTTCAAGCTCTAGCGGATGGTACAAAACTACTTTTCAAAGAGAATCTTTTTCCATCTAGGGGGGATACTTATTTATTCAGTATTGGACCATCTATAGCAGTCATATCAACTCTATTAAGCTATTCAGTAATTCCTTTTGGCTATCACTTTGGTTTAACTGATCTAAATATTGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCTATTGGACTTCTTATGTCAGGGTATGGATCAAATAATAAATATTCCTTTTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCGATTAGTTATGAAATACCTTTAACTATTTGTGTGTTATCCATATCTCTACTATCTAATAGTTCAAGTACAGTTGATATAGTTGAAGCCCAATCAAAATCTGGTTTTTGGGGTTGGAATTTATGGCGTCAACCGATAGGATTTTTTATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAATGTGAAAGATTACCTTTTGATTTGCCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGTTATCAAACGGAATATTCGGGTATCAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGCGGTTGGAATATTTCTATTCCGTATATATTCGTTCATGAATTTTTTGAAATAAATAGCATAAGCGGAGTCGTTGGACCAACAATTGGTACCTTTATTACATTAGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATCACAACAAGATGGACTTTACCGAGACTAAGAATGGACCAACTTCTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATCTCTCTCGGTAATCTATTATTAACAACCTCTTTTCAACTCCTTTCACTATAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348408.1\_77 [gene=ndhH] [locus\_tag=B2L33\_pgp010] [db\_xref=GeneID:31082843] [protein=NdhH] [protein\_id=YP\_009348408.1] [location=complement(127834..129015)] [gbkey=CDS]

ATGAATATACCAGCTAAACGAAAAGACCTTATGATAGTCAATATGGGTCCCCAGCACCCATCAATGCACGGTGTTCTTCGACTCATTGTTACTCTAGATGGTGAAGATGTTATTGACTGTGAACCAATATTAGGTTATTTACACAGAGGAATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGGTGGGATTATTTAGCTACTATGTTCACAGAAGCAATAACAGTAAATGGTCCCGAATTGTTAGGAAATATTCAAGTGCCCAAAAGAGCTGGCTATATCAGAGTAATTATGTTGGAATTAAGTCGTATAGCTTCTCATTTGTTATGGCTTGGACCTTTTATGGCAGATATTGGTACACAGACGCCTTTCTTCTATATTTTTAGAGAGAGAGAGTTAATATATGATTTATTTGAAGCTGCCACTGGTATGAGAATGATGCATAATTATTTTCGTATCGGGGGGGTAGGGGCTGATCTACCTCATGGTTGGATAGATAAATGTTTAGATTTTTGCGATTATTTTTTAACAGGAGTTGATGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAAGGAGTCGGTATTGTTGGTGCAGAGGAAGCAATAAATTGGGGTTTATCGGGACCAATGCTACGGGCTTCCGGAATACAATGGGATCTTCGTAAAGTTGATCATTATGAGTCTTACGACGAATTTGATTGGGAAGTCCAGTGGCAAAAAGAAGGAGATTCATTAGCTCGTTATTTAGTCCGAATTGGTGAAATGATGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTTGAAGGAATTCCGGGTGGGCCCTATGAGAATTTAGAAACCCGACGTTTTGATAGAGAAAAGGATCCAGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCATTAGTAAAAAAACTTCACCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTCAGAGTGGAAGCCCCAAAAGGAGAATTAGGAATTTTTCTGATAGGGGATCAGAGCGGCTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGCCCGCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCTGAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCTGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348409.1\_78 [gene=rps15] [locus\_tag=B2L33\_pgp009] [db\_xref=GeneID:31082844] [protein=ribosomal protein S15] [protein\_id=YP\_009348409.1] [location=complement(129128..129400)] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATGCATTCATTTCAGTTATTTCACAAAAAGAAAAAGACGAAAACAAGGGGTCTGTTGAATTTCAAATAGTAACTTTCACTAATAAGATACGAAGACTTACTTTACATTTGGAATTGCATAGAAAAGACTACTTATCTCAAAGAGGTTTGCGGAAAATTTTAGGAAAACGCCAACGACTGTTGGCTTATTTAGAAAAGAAAAATAGCGTACGTTATAACGAATTAATTAGCCGGTTGGATATTCGGAAATTAAAAACTCGTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348410.1\_79 [gene=ycf1] [locus\_tag=B2L33\_pgp008] [db\_xref=GeneID:31082845] [protein=Ycf1] [protein\_id=YP\_009348410.1] [location=complement(129832..135561)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATACTCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTTTCCATGGGGCCCTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAATAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTAACAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTAATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAACACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGCGAGGAAGAAACAGATGTAGAAACAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGGTCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGAAAAAAAAAATAAAGATCTGTTATGGGTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGATTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATCATCAGTTTGAGAATGCTTTAAGAAGAGAAATGGGACAATATTTTTTTTCTACATGTCTAAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTATGTATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAACTGATACAAAGAAAGATGTCTCTGTTCATAACACACAAATTTTCCTCTGATGAATTGTATAATCATTGGAATTCCAAGAATGAAAAAAAAAAAAAAAATCGAAGTAATGAATTTTTAAATAGAGTCCAAGCTCTGGATAAAGGCTATATTGCTTCGAAAACATTGGAAAAAAAGACTCGATTGTGTAATGATAAAACTAAAGAACAGTACTTACCTAAAACATATGATCCCTTATTGAATGGATCCTACCGAGGAAAAATACAGTTTTTTTTTTCATCCTCAATCCGAAATAAAACTTTCCGAACAATTTTTAGAGAAAGATTTTGGATAAATAAAATTCATCTTATTCTTCTTATTACTAATTATCAAGAATTTGAAACAAAAAGGAATGTGTTTAATAGTAATCATGAATCGTTTTTAAGAGAAATTGCTTATTTATTAAACTTAATTAATGAATTTGGCGGAAAATCAAGATCAAGTTTCAATTTTAAGGAACTCCCTTTTTTCCCAGATAACACCGAAGAAAAAGTGTATTTAGAAAATCAAATAAAAATTTTACAATTTTTATTTGATACAGTTATAGCGAATCCAAAAAAGAAAACAAGTAAAAAATTTTCTACTGGACTAAAAGAAATAAGTAAACAAGTTCCTCGATGGTCATACAAATTAATTGACGATTTAGAACAACAAGAGGGCAAAGATGATGCAGAAAACCTGGCGGAAGATCATGAAATTCGTTCACGAAAAGCCAAACTTCTAATGATTTTTAGTGATAATATAATTATTTTTAATGATAATCAAAAAAATAGTGATACTTACAATAATAACAGGAATTCGGACCCAATATACATAGACCAAGTTACTTTCATCCGTTATTCCCAACAATCGGACTTTCGGCGAGACATAATAAAAGGATCCATGCGAGCACAAAGACGTAAAATAACTATTTTTGAACTATTTCAAGCAAATGTACATTCTCCTATTTTTTTGGACAGAATAAAAAAATCTTTTTTTTTTTCTTTTGATATTGATATTTATGAACTGATGAAAACATTGTTTATAAATTCTATATCTAAAAACACAGAATTAAAAATTTCGAATTCTACTTATATAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAAAAGAGGAGGCCAAAAGAAAAGATAACAAAAGAGAGGACAAAGCACGAATAAAAATAGCTGAAACTTGGGATAGGGTTTTTCTTGCTCAAGTACTAAGAGGTTGTGTTTTAATAACCCAATCAATTCTTCGAAAATATATTATATTACCCTCATTAATAATAACTAAGAACATCATTCGTATATTATTTTTTCAAACTCCCGAATGGTCCGACGATTTAAAAGATTGGGGTAGAGAAATGCATGTTAAATGCACCTATAATGGAGTTCAATTATCAGAAAAAGAATTTCCGAAAAATTGGTTAACGGGTGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTTTAAAACCTTGGCACAGATCGAAGGTAAAATTCCCTCATAAAAGTAAAAAAAAAAAGAAAATAGAACAAAAGGATTTTTGTTTTTTAACAGTTTGGGGAATGGAAGCGGAACTTCCTTTTGGTTCTCCCCGAAAACGGCTTTCACTTTTTAAACCCATCTTTAAAAAACTTGCAAAAAAAATTATAAAGATAAAAAAAAGTGGTTTTCGAGTTATAAGAATTTTCGAAGAAAGAAGAAAATTATTTCAAAATTTATCAAAAGAAAAAAAACACTCGGTCATCAAAAACATTTTTTTTCGACAAGAAATAATAACGAAACTTTCAAAATCAAAAAGAAATCTAAAATTTTTATCGGAATTTAGAGAAGTAGATGAATTAAATGAAAGTAAAAAAAAAAAAGAGTCGATACTCAATAATAAGAATCGGACGGTTTTGAAATTGTCCACCCCAATTCGACCTATACCTTCTACAAATTATTCACTGATGAAAAAAAAAAAGAAAGATCTTTCTACTAGAAAAAAGAGAATTCTAAATCAAATAGAAAAAATTACAAAAGAAAAGGAAAAAAAAATGCGAACCTCAGAAGTAAATATTAGTCTTAACAAAAAAAAAAAAAGTTCTAATGCTAAAAAAATTAAATCATCAAACAATATTTCACACATATTAAAAAAAAAAAATGTTCGATTAGTGCGTAAATTTTACTTTTTTATAAAATTTTTGATTGAAAATATATACTTAGATATCTTTTTAAGTATCATTAATATTCCAAGGCTCAATGCACAGCTTTTTCTTGAATCAATAAAAAATTTTATTACTAAACACATTTGCAATAATGAATCAAATCACAAAAAAATTGATAAACCAAATCAAAAAAATTTTTACTTTATTTCGATTATAAAAAAGTCAACAGATACAGAGATTGCTGTTATTAATAGGAATTCACAAATTTTTTGTGACATAGCTTTCTTATCACAAGCGTATGTATTTTACAAATTATCACAAACCAAAATTCTTAACTTCTATAAGTTAAGATCGATCTTTCAATACCATAATCTTTTTCTTAAGAACGAAATAAAAGATTATTTTCGAACCCAAGGATTATTTAATTTTGAATTAAAAGAAAACAAAATTCAAAAGTCTTTTTCTTTAATCAATCAATGGAAAAACTGGTTAAGAAGTCATTATCAATATAAATATGATTTATCTCAGCTTAGATGGTCTAGATTAATACCAGAAAAATGTCGAAATAGAATCTATCAACACCATATGGTTGAAAATAAAAAATTAAGCAAATGGGATTTACATGAACAAAACGAATTAATTCATTATGAAAAAAAAAATAATTTTGAGGCAGACGTTTTTGCGAATCAAAAGAATAATTTTAAAAAACACTCTAGATATAGTCTTTTATCCTATAAATCTATTAATTCTGAAAAAAAGAAGGACTTATTTATTTACGAATCACCAACTAATAAAGAAGAGATTCTTTATAATTCTAACACAAATAAACGAAAATTTTTTGACATCTTAGAAGGTATTCCTATCACTAATTATATAGTGGAAGATGATATTATCAATATAGATAAAAACCCACATAGAAAATATTTTGATTGGCGAATTATCAATTTTTGTCTTAGAAACAGGGTCGATATTGAGTCCTGGATCGATACCGGAAGCAAAAAAAAAAAAAAGACTAAGACTACAACTAAAAAATATCAAATAATTGATAAAAGTGATAAGAAAAATATTTCTTTTCTTCCAATTTGCCAAGATCAAGAAATCAATTCATCCAACCAAAAACCTTTTTTTTTTGATTGGATGGGAATGAATGAAGAAATAGAAAATAGTCTTCTTTCGAATTTTGAACTTTGGTTCTTTCGAAAATTTGTAATACTTTACAACACATATAAGAGAAAACCATGGACAATACCCATTCAATTTCTTCTTTTAAATTTTCATAGAACTAAAAATATTAGTAAAAATAAGAAAATCAACGGGAATAAAAAAGGCGACCTTCTTATATCTATACCATCACCATCGAATGAAAAAAAAATTATTGAATTCGAAAATCAAAATCATCAAGAAAACGAATCTGACGACCAAATGGATTTTCAAGCAGTTTTCACAAATGAAGAAAAAGATATTGAAGAAGATTCTATGGGATTAGATATGAAAAACCATAGAAATCAAAATCAAAACAAAAGTCATACGGAAGTAGAGCTTGATTTCTTCCTAAAAGAGTATTTATATTTTCAATTAAGATGGAATGGTTCTTTAAATCAAAAAATAATTGATAATATCAAAACATATTGTTTTCTGCTTAGACTAAGAAATCCACGCGAAATTATTATATCTTCTATTCAAAGGCAAGAAATAAATCTGAATATTCTGATGGTTCAGAAAGATATAACTCTTACAGAATTGATGAAAAAGAGAATATTGATTATCGAACCTGTCCGTCTGTCGGTAAAAACTGATGGACAATTTATTTTATATCAAATGGTAGATATTTTATTAGTTCATAAGAACAAAGAACAAATTAATAAAAAATATAGAAAACAATTCTATGTTGATAAAAATAAAAAGAATTTTACCGAATCTATTGACAGCTATCACAATATAATTGGAAATAGACAAAAAAATGATTATGATTTACTTGTTCCTGAAAATATTTTATCCCCTAAATGTCGTAGAGAATTAAGAATTCGAATTTCTTTCAATTTACAAAATAAAAACGATATTCATATAAATACAGAAATTTGCAATGGGAATAACATAAAAAAAGTCAGTCCCATTTTGGATAAAAGCAAACTTTTTTGGAGAGAAAAAAAGAAACTAATTAAATTGAAATTTTGTCTTTGGCCAAATTTTCGATTAGAGGATTTAGCTTGTATGAATCGCTATTGGTTCGATACTAATAATGGAAGTCGGTTCAGTATGTTAAGGATATATATATATCCGCGCTTGAAATTTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348411.1\_80 [gene=rps7] [locus\_tag=B2L33\_pgp007] [db\_xref=GeneID:31082769] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_009348411.1] [location=147141..147608] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAGAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348412.1\_81 [gene=ndhB] [locus\_tag=B2L33\_pgp006] [db\_xref=GeneID:31082847] [protein=NdhB] [partial=5'] [protein\_id=YP\_009348412.1] [location=join(<147922..148698,149377..150132)] [gbkey=CDS]

ACGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGTAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGTATGATAACTTATATGTTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGGTGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348413.1\_82 [gene=ycf15] [locus\_tag=B2L33\_pgp005] [db\_xref=GeneID:31082770] [protein=Ycf15] [protein\_id=YP\_009348413.1] [location=complement(151197..151334)] [gbkey=CDS]

ATGTTACTGCTGAAACATGAAAGAATTGAAATCTTAGATCAAAACACTATGTATGGATGGTATGAACTGCCTAAACAAGAATTCTTGAACAGCGAGCAAGCAGAACGATTACTCACTACATCAAAAAATTTCCATTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348414.1\_83 [gene=ycf2] [locus\_tag=B2L33\_pgp004] [db\_xref=GeneID:31082849] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_009348414.1] [location=complement(151467..158357)] [gbkey=CDS]

ATGAAGGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTCGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTCTTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATTCTTTGGGTCTTACAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCCGGATCTGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCACGGCGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCAGGATTGGGATTTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACAGAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTGGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCAATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCAGGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGATCCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGGTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCATCCGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGGTACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCCGTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAACAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCGTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGAGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCCTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCAGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTAATTAATATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAACTAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATCATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTCTGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCCCAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTTCTATTTTTCGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAATGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTTTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCACTTATGGGGTTAAATCAATCCGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAATAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCGCTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAACGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCAAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCGTATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAATAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCTTATCGATTAGTATTACACAGAAAAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAATGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGCTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCGGATCTAGTTCATGGTCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTATTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGACGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGGGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGCTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348415.1\_84 [gene=rpl23] [locus\_tag=B2L33\_pgp003] [db\_xref=GeneID:31082771] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_009348415.1] [location=158685..158966] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_033910.1\_cds\_YP\_009348416.1\_85 [gene=rpl2] [locus\_tag=B2L33\_pgp002] [db\_xref=GeneID:31082851] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_009348416.1] [location=join(158986..159381,160006..160473)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCATTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATAATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGCGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGTAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGGTCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTGGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

**2. *Hevea brasiliensis***

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327641.1\_1 [gene=rps12] [locus\_tag=HebrCp092] [db\_xref=GeneID:10352012] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_004327641.1] [location=complement(join(103189..103214,103751..103982,74171..74284))] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCCCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGTTTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327642.1\_2 [gene=psbA] [locus\_tag=HebrCp002] [db\_xref=GeneID:10351963] [protein=photosystem II protein D1] [protein\_id=YP\_004327642.1] [location=complement(791..1852)] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCCTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCTACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCATTGCTGCCCCTCCGGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTCTACTTTATGGAAACAATATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCGGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCATCCGTTGATGAATGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGTCGTGAGTGGGAACTTAGTTTCCGTCTGGGTATGCGCCCTTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTACTGCTGTTTTCTTGATTTATCCAATTGGTCAGGGAAGCTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCTGAGCACAACATCCTTATGCACCCATTTCACATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACCTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCTGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTTACATTTCTTCCTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACCTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATTAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTGTCGAAGTTCCATCTACAAATGGATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327643.1\_3 [gene=matK] [locus\_tag=HebrCp004] [db\_xref=GeneID:10351964] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_004327643.1] [location=complement(2397..3905)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGAAAGATATTTAGAATTAGATAGATCTCGAAAAAACGACTTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATACATTCGCTCATGATCATAGTTTAAATAGATCTATTTTGTTGGAAAATGTAGGTTATGACAATAAATCTAGTTTTTTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATGTATCAACAGAATCATTTGATTATTTCTGCTAATGATTCTAACCAAAATCCATTTTTTAGATACAACAAGAATTTGTATTATCAAATGATATCAGAGGGCTTTGCAGTTATTGTGGAAATTCCATTTTCCCTACGATTAGTATCTTCTTTAGAAAGGTCAGAGATAGTAAAATCTCATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTATTAGAGGACAAATTTCCACATTTAAATTATGTGTCAGATATATTAATACCTTACCCCATCCATCTAGAAAAATTGGTTCAAACCCTTCGCTATTGGGTGAAAGATCCCTCTTCTTTGCATTTATTACGACTCTTTCTTCATGAGTATTGGAATTTGAACAGTCTTATTATTCCAAAGAAATCTATTATTATTTTTATAAAAAGGAATCCAAGATTTTTCTTGTTCCTATATAATTCTCATGTATATGAATACGAATCCATCTTCTTTTTTCTCCGTAACCAATCCTTTCATTTACGATCAATATTTTTGCGAGTCCTTCTTGAACGAATTTTTTTCTATGGAAAAATAGAACATTTTGCGGAAGTCTTTGCTAATGATTTTCAGGCCACCCTGTGGTTGTTCAAGGATCCTTTCATGCATTATGTTAGATATCAAGGAAAATCAATTTTGGCTTCAAAAAATAGGCCTTTTCTGATGAAAAAATGGAAATATTACCTTGTCAACTTATGTCAATATCATTTTTATGTCTGGTTTCAACCAGAAAAGATCTATATAAATTCATTATCCAAGCATTCTCTCAACTTTTTGGGCTATCTTTCAAGTGTACAATTAAATCCTTCAGTGGTACGGAGTCAAATGTTAGAATATTCATTTATAATAGATAATACTATAAAGAAACTCGATACAATAGTTCCAATTATTCCTTTAATTGGATCATTGGCAAAAACGAAATTTTGTAACGCAGTAGGACATCCCATTAGTAAACCGATTCGGGCGGATTCGTCGGATTCTGATATTCTCGACCGATTTGTGCGTATATGCAGAAATCTTTCTCATTATTATAGCGGATCCTCAAAAAAAAAGAGTTTGTATCGAATAAAATATATACTTCGACTTTCTTGTGTTAAAACTTTGGCCCGTAAACACAAAAGTACTGTACGCGCTTTTTTGAAAAGATTAGGTTCGGAATTATTAGAAGAGTTTTTTACGGAGGAAGAACAGATTCTTTCTTTGATCTTTCCAAAAGTTTCTTCTAGTTCGCGCAGGTTATATAGAAGACGTGTTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTGGCCAATCATGAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327644.1\_4 [gene=rps16] [locus\_tag=HebrCp005] [db\_xref=GeneID:10351887] [protein=ribosomal protein S16] [protein\_id=YP\_004327644.1] [location=complement(join(5391..5617,6525..6564))] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAACTTCGTTTGAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGTCGTTTATCGAATCGTTGCAATTGATGTTCGATCCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGGAAAGTGGGGTTTTATGATCCGATAAAAAATCAAACCTATTTAAATGTTCCTGCTATTCTATATTTCCTTGAAAAAGGCGCTCAACCTACAGGAACTGTTCATGATATTTTAAGAAAGGCGGGGGTTTTTACGGAACTTCGCCTTAATCAAACGCAATTTACTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327645.1\_5 [gene=psbK] [locus\_tag=HebrCp007] [db\_xref=GeneID:10351965] [protein=photosystem II protein K] [protein\_id=YP\_004327645.1] [location=8131..8316] [gbkey=CDS]

ATGCTTAATATTTTTAGTTTAATTTTTATCTGTTTTAATTCTGCCATTTTTTCAAGCAATTTTTTCTTTACAAAATTGCCCGAAGCCTACGCCTTTTTGAATCCAATCGTAGATGTTATGCCAGTAATCCCTGTACTCTTTTTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327646.1\_6 [gene=psbI] [locus\_tag=HebrCp008] [db\_xref=GeneID:10351889] [protein=photosystem II protein I] [protein\_id=YP\_004327646.1] [location=8742..8852] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTCAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTGATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATCTTTGGATTTTTATCTAATGATCCAGGACGTAATCCTGGACGTGAAGAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327647.1\_7 [gene=psbM] [locus\_tag=HebrCp013] [db\_xref=GeneID:10351969] [protein=photosystem II protein M] [protein\_id=YP\_004327647.1] [location=11715..11819] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCATTTATTGCGACTGCACTGTTCATTCTAGTTCCTACTGCTTTTTTACTTATAATATACGTAAAAACAGTTAGTCAAGGTGATTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327648.1\_8 [gene=petN] [locus\_tag=HebrCp014] [db\_xref=GeneID:10351891] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VIII] [protein\_id=YP\_004327648.1] [location=complement(13181..13270)] [gbkey=CDS]

ATGGATATAGTAAGTCTCGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCACTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTCTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327649.1\_9 [gene=rpoB] [locus\_tag=HebrCp016] [db\_xref=GeneID:10351970] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_004327649.1] [location=15119..18331] [gbkey=CDS]

ATGCTCGGGGATGGAAATGGGGGAATGTCTACAATACCTGGATTTAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGTAGGTTCATTGATCAGGGCTTAACAGAAGAACTTTATAAGTTTCCAAAAATTGAAGATACAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTAGTAGAACCCTTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCAATTACATATTCTTCTGAATTATATGTATCCGCAGGATTAATTTGGAAAACCAGTAGGGATATGCAAGAACAAACAATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTGGGAACTTTTATAATAAATGGAATATACAGAATTGTGATCAATCAAATATTGCAGAGTCCCGGTATCTATTACCGGTCAGAATTGGATCATAATGGAATTTCGGTCTATACTGGCACCATAATATCAGATTGGGGGGGAAGAGTAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCTCGTGTGAGTAGGAAACAGAAAATATCTATTCTAGTTTTATCATCAGCTATGGGTTTGAATCTAAGAGAAATTTTAGAGAATGTGTGCTACCCTGAAATTTTCTTATCTTTCCTGAATGATAAGGAAAAAAAAAAAATTGGGTCAAAGGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCAATATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAAGATTGGTCGATTAAATATGAACCGGAGACTGAATCTTGATATACCCCATAACAATACATTTTTGTTACCACGAGATATATTGGCAGCTGCAGATCGTTTGATTGAAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCTGTAGCGGATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTGATTCGTTTAGAAAATGTAGTTAGAGGGACTATATGTGGAGCAATTAGGCATAAATTGATACCGACCCCTCAAAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACTTATGAATCTTTTTTTGGATTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATTGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTAACAGGACGAACTGCTAGTTTTCGGATACGAGATATCCACCCTAGTCATTATGGGCGCATTTGCCCAATTGACACGTCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGATCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGGTCATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGAAATCTCTGAGGGATCAAAAAAAGTACGGATGTTTTATTTATCGCCAAATAGAGAGGAATACTATATGGTAGCGGCAGGAAATTATTTGGCGCTGAATCGAGGTGTTCAGGAAAAACAGGTTGCTCCGGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACAGGTGCATCTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCTAATATGCAACGTCAAGCAGTTCCACTTTCTCGGTCCGAAAAATGCATTGTTGGAACTGGATTGGAACGCCAAGTGGCTCTAGATTCAGGGGTTCCTGCTATAGCCGAACACGAGGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAGATCATTTTATCGGGCAATGGGGATACTCTACGCATTCCATTAGTTATGTATCAACGTTCCAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAAACCCAGCTTCGGCGGGGTAAATGCATTAAAAAGGGACAAGTTTTAGCAGATGGTGCCGCTACAGTTGGTGGCGAACTTGCCTTGGGCAAAAACGTATTAGTCGCTTATATGCCATGGGAAGGTTACAATTTTGAGGATGCGGTACTCATTAGCGAACGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGGAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGCCAAGGACCTGAAAGGATCACTAACGAAATACCGCATCTAGAGGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAACGGAATTGTGATGCTAGGATCTTGGGTAGAAACGGGCGATATTTTAGTAGGTAAATTAACGCCTCAAATGGCGAAAGAATCATCGTATGCTCCAGAAGATAGATTATTAAGAGCCATACTTGGTATTCAGGTATCTACTTCAAAAGAAACTTGTCTAAAACTACCTATAGGTGGTAGGGGTCGAGTTATTGATGTGAGATGGATTCAGAAAAAAGGGGGTTCCAGTTATAATCCGGAAACGATTCGTGTATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTAGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCAAAAATTTTGCCTAGACAAGATATGCCTTATTTGCAAGATGGAAGACCTGTTGATATGGTCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAACGGGAGATCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCGAGAAAACTAGTGTTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAGTATCCGGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACGGGGGATCCTTTTGAACAGCCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGTGGACAACGGGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAGGGATTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAAATGCTTACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTGCTTGGTACTACGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAAGATGCTCCAGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTGGAACTGAATCATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATTAATAGGAAGGAAGCTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327650.1\_10 [gene=rpoC1] [locus\_tag=HebrCp017] [db\_xref=GeneID:10352021] [protein=RNA polymerase beta' subunit] [protein\_id=YP\_004327650.1] [location=join(18358..18789,19575..21185)] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATCAGTTTCGCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAATCCTACCTAACGGAGAGATTGTTGGAGAGGTGACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGATTATTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCTATAAAAAGTGGAATTTGTGCTTGTGGAAATTATCGAGTAATCAGGAATGAAAAAGAAGACCAAAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAATTTATGGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTAGCATGCCCAGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCAAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCCTAGTATACTGCGATTTTTCTTTTGCTAGGCCCATAGCTAAAAAACCTACTTTTTTACGATTACGAGGTTCATTCGAATATGAAATCCAATCCTGGAAATACAGTATTCCACTTTTTTTTACTACCCAAGGCTTCGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATCCGAGAACAATTAGCCGATCTGGATTTGCGAATTATTATAGATTATTCATTGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCTACCGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTAGACGTGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATCGAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCAGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTAATGAGTTCAGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACCCCAGGGGAATTAGTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGACGGTCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCGGATGTAATTGAAGGCAAAGAAGGAAGATTTCGTGAGACTATGCTTGGCAAACGGGTTGATTATTCGGGGCGTTCTGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAAATAGCAATAGAGCTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGACAACATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAGCCAATTGTATGGGAAATACTTCACGAAGTTATGCAGGGGCATCCAGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTCTGCATAGATTAGGCATACAGGCATTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGCGCTATTTGTTTACATCCATTAGTTTGTAAGGGATTCAATGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCTTTATCGTTGGAGGCTCAAGCAGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTCTTGTCTCCAGCTATTGGGGATCCCATTTCCGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGGCTCTATGTATTAACAAGCGGGAATTGTCGAGGTATTTGTGCAAATAGGTATAATCCATGTAATCGCAGAAATTATCAAAATAAAAGAATTGACGGTAATAACGATAAATATACGAAAGAACCCTTTTTTTCTAATTCCTATGATGCACTTGGCGCTTATCGGCAGAAAAGAATCCATTTAGATAGTCCTTTGTGGCTCCGGTGGCAGCTAGATCAACGCGCTATTACTTCAAGAGAAGCTCCCATCGAAGTTCACTATGAATCTTTGGGTACCTATCATGAGATTTATGAACACTATCTAATAGTAAAAAATATAAAAAAAGAAATTCTTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTCTTTATCGAGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGCCAAGCCTGCTCAGATAGTATCTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327651.1\_11 [gene=rpoC2] [locus\_tag=HebrCp018] [db\_xref=GeneID:10351893] [protein=RNA polymerase beta'' subunit] [protein\_id=YP\_004327651.1] [location=21354..25541] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTACTTATGGCCGAACGGGCCAATCTGGTCTTTCACAATAAAGTGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCACACATCCTGGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACTGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTCCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACACTATCATTATGGAAATGTACACGCGATAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGATATGGTATGCTACAAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAACCTGAATTTTAGGATGACAGAACCCTTTAATCCAGTCCATATAATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATACATCTCAAGTACACCAATTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTACGCGAGGGACTGTCTTTAACAGAATATATCATTTCTTGCTATGGAGCCCGAAAAGGGGTTGTCGATACTGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACGCGTAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACACATTGTTGTACGTAGAACAGATTGTGGGACCACCCGAGGGATCTCTGTGAGTCCTCGAAATGGGATGATGTCGGAAAGAATTTTGATTCAAACATTAATTGGTCGTGTATTAGCAGACAATATATATATGGGTCTACGATGCATTGCCATTCGAAATCAAGATATTGGGATTGGGCTTGCCAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATCTATTCGAACTCCCTTTACTTGTAGGAGTACGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGTCGGAGTCCTACTCATGGCGATCTAGTAGAATTGGGGGAAGCCGTAGGTATTATTGCGGGTCAATCCATTGGAGAGCCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACGTTTCATACCGGCGGAGTATTCACAGGGGGTACTGCAGAACATGTACGAGCCCCCTCTAATGGAAAAATAAAATTTAATGAGGATTTGGTTCATCCCATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCTTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTGAGAGTCAAGATATTATACATAACGTGACTATTCCACCAAAAAGTTTCCTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTGATTGCTGAAATTCGGGCGAGAACATACACTTTGAATTTTAAAGAGAAGGTCCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTACTGATGTGTACCATGCACCCGAATTTACATATAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGCCATTTATGGATATTATCAGGAAGTTCGTGCGGATCCAGTATAGTTTCTTTTTCACTACACAAGGATCAAGATCAAATGAATGTTCATTCTCTTTCTGTCAAAAGAAGATATATTTCTAGTCCTTCCGTAAATAATGATCAAGTGAAACACAAATTCTTTAGTTCAGATTTTTCGGGTAAAAAAGAAAGTGAGATTCCTGATTATTCAGAACTTAATCGAATCATATGTACCGGTCATTGTAATCTCATATATCCTACTATTCTCTACGAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATCATCCCATTCCAATCAATTCAAGAACGAGAGAAAGAACTAATGACCCACTCCGCTATCTCGATTGAAATACCTATAAATGGTATTTTCCGTAGAAATAGTGTTTTTGTTTATTTCGACGATCCCCAATACCGAAGAAAGAGTTCAGGAATTACTAAATATGGGGCTATAGGGGTGCATTCAATCGTCAAAAAAGAAGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAACGAAAGTGGATTGCTTTTTTTTCATTCCCGAGGAAGTGTATATTTTACCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGAACAATAGTATCATTGGAGTAGATACACAAATCGCTTTAAATACAAGAAGTCGGGTGGGCGGATTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAGAAAAAAAAATGGAACTTAAAATCTTTTCTGGAGATATCCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAAATATCCCGACACAGTGGTATCTTAATGCCACCAGGAACGGTAAAAACAAATTCTAAGGAATCAAAAAAAGTGAAAAATTGGATCTATATCCAACGAATCACACCTACCAAGAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACCAGTAATCATATATGAGATAGCGAACGGTATAAATTTAGAAACACTTTTCCCCCAGGATCTATTGCAGGAAAAGGATAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTATGGGACTGGTAAACCCATTCGGGGAATTTCTGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGACAAAAAAAGTTCTTCTATCGAAGAGGCCCGCGCTTTTTTTGTTGAAATAAGCACAAATGGTCTGATTCGTGATTTCCTAAGAATCAACCTAGTGAAATCCCATATTTCATATATCGGTAGAAAAAGGAATGATCCATCAGGTTCAGAACTGATCTCTAATAATGGGTCAGATCGCACCAATATTAATCCATTTTATCCCATTTATTCCAAGACAAGGATTCAACAATCACTTAAACAAAATCAAGGAACTATTAGTACGTTGTTGAATAGAAATAAGGAATGTAAATCTTTGATAATTTTGTCATCATCTAATTGTTTTCGAATGGATCCATTCAACGATGTAAAACATCACAATGGAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCCTATAATTCCAATTAGAAATTCGTTGGGCCCTTTAGGAACAGCCCTTCAAATTTCGAATTTTTATTTATTTTACCATTTTAATTTAATATTAATAACTCATAATCAGATCTCGGTAACTAAATATTCGAAACTTGACAATTTAAAACAGACTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGATGAAAACGGGAGAATTGTTAATCCCGATCCATGCAGTAACAGCGTTTTGAATCCATTCAATTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATTGTGAAGAAAGATTCACAATAATTAGCCTGGGACAGTTTATTTGTGAAAATTTATGTATGGCCAAAAAGGGACCACATCTAAAATCGGGTCAAGTTATAATTGTTCACATTGACTCTGTAGTAATAAGATCCGCTAAGCCTTATTTGGCCACTCCAGGAGCAACCGTTCATGGCCATTATGGAGAAATCCTTTACGAAGGAAATACATTAGTTACATTTATATATGAAAAATCGAGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTGGAACAAGTGTTAGAAGTGCGTTCAATTGATTCAATATCAATAAACCTAGAAAAGAGAGTGGAGGGTTGGAACGAGTGTATAACAAGAATTCTGGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTACTGAGCTAACTATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTAGTTAATAAGATCAAAAAGGTTTATCGATCCCAAGGGGTGCAGATCCATAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGTCAAATAACATCAAAAGTATTGGTTTCAGAAGACGGAATGTCTAATGTTTTTTCACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTGCGAGCGGAACGAACGGGACGCGCTTTGGAAGAAGCCATCTGTTACGGGGCCATATTATTGGGAATAACGCGAGCATCTCTGAATACTCAAAGTTTCATATCCGAGGCTAGTTTTCAAGAAACTACTCGCGTTTTAGCAAAAGCTGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTGAAAGAAAACGTTGTTCTAGGCGGTATGATACCCGTTGGTACCGGATTCAAAGGATTAGTGCAAGGCTCAAGGCAACATAAGAACATTCCTTTGAAAACCAAAAAGAAGCATTTATTCGAGGGGGAATTTAGAGATAGAGATATTTTATTCCACTACAGAGAGTTATTTGATTCTTGCATTTCAAAAAATTTCTATGATACATCAGAACAACCATTTATAGGATTTAATGATTCCTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327652.1\_12 [gene=rps2] [locus\_tag=HebrCp019] [db\_xref=GeneID:10351894] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_004327652.1] [location=25813..26523] [gbkey=CDS]

ATGATAAGAAGATATTGGAACATTAATTTGGAAGAGATGATGAAAGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAATCCGAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAGCGTAAAGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAGTTTTTGATGCAGCAAGTAGGAGAAAACAATTCTTAATTGTTGGTACCAAAAATAAAGCAGCGGATTCAGTAGCGCGGGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTCGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCAGGGACTTGAGAATGGAACAAAAGACAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGATGCGGCTCGATTGAAGAGACAGTTAACTCACTTGCAAACATATCTGGGCGGGATTAAATATATGACGGGGTTACCCGATATTGTAATAATCGTTGATCAGCAAGAAGAATATACGGCTCTTCGGGAATGTATGACTTTGGGAATTCCAACAATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGACCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAACGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGATTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAGGGTCATTCTAGCTATATACGAAATCCCTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327653.1\_13 [gene=atpI] [locus\_tag=HebrCp020] [db\_xref=GeneID:10351895] [protein=ATP synthase CF0 A subunit] [protein\_id=YP\_004327653.1] [location=26753..27502] [gbkey=CDS]

ATGAATGTTCTATCATGTTCCATCAACACACTAACACTAAAGGGGTTATATGATATATCCGGTGTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATAGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAAGTGCTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTCAGCCATTGTAGCTGTTCGGAATCCACAAACCATTCCAACAGGAGGTCAGAATTTCTTCGAATACGTCCTTGAATTCATTCGAGATGTGAGCAAAACTCAGATTGGAGAGGAATATGGCCCGTGGGTCCCCTTTATTGGAACTATGTTTCTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCGGGGGCGCTTTTACCTTGGAAGATCATACAGTTACCTCACGGGGAGTTAGCCGCACCGACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCCTATTTTTATGCGGGCCTTAGCAAAAAAGGATTAGGTTATTTCAGTAAATACATTCAACCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCACTTAGCTTTCGACTTTTCGGCAATATATTAGCGGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTCAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCTGCGGCTTATATAGGCGAATCCATGGAGGGGCATCATTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327654.1\_14 [gene=atpH] [locus\_tag=HebrCp021] [db\_xref=GeneID:10351896] [protein=ATP synthase CF0 C subunit] [protein\_id=YP\_004327654.1] [location=28704..28949] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCCGTTATTGCTGCTGGGTTGGCCGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGCCAAGCTGTAGAAGGTATCGCAAGACAACCCGAGGCGGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACGATTTATGGACTAGTTGTAGCATTAGCACTGTTATTTGCGAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327655.1\_15 [gene=atpF] [locus\_tag=HebrCp022] [db\_xref=GeneID:10351897] [protein=ATP synthase CF0 B subunit] [protein\_id=YP\_004327655.1] [location=29548..30102] [gbkey=CDS]

ATGAAAAATGTAACCGATTCTTTCGTTTCCTTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGGTTTAATACCGATATTTTAGCAACAAATCTAATAAATCTAAGTGTAGTCCTTGGTGTATTGATTTTTTTTGGAAAGGGAGTGTTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAAAGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAAAACTACGCGAGGGGGCTATTGAACAGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCAGATCAGTTTCGAACGAATGGATATTCTGAGATAGAACGAGAAAAATGGAATTTGATTAATTCAACTTATAAGACTTTGGAACAATTAGAAAATTACAAAAATGAAACCATTCATTTTGAACAACAACGAACGATTAATCAAGTCCGACAACGGGTTTTCCAACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACCAACGAGTTGCATTTACGTACCATCAATGCTAATCTTGGCATGTTTGGGGCGATAAAAGAAATAACTGATTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327656.1\_16 [gene=atpA] [locus\_tag=HebrCp023] [db\_xref=GeneID:10351898] [protein=ATP synthase CF1 alpha subunit] [protein\_id=YP\_004327656.1] [location=30166..31689] [gbkey=CDS]

ATGGTAACCATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATCCGCGAACGTATTGAGCAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACCGGTACCGTACTTCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTTATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGCGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACAATAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTTGTATTAATGGGTGACGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGCTCCGTAAAAGCAACAGGAAGAATTGCTCAGATACCTGTGAGTGAGGCTTATTTGGGTCGTGTTATAAATGCCCTAGCTAAACCTATTGACGGTCGAGGTGAAATTTCAGCTTCTGAATCTCGGCTAATTGAATCCCCCGCTCCAGGTATTATTTCGAGACGTTCTGTATATGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCGATGATCCCTATAGGACGTGGTCAACGAGAATTAATTATTGGGGATAGACAGACCGGTAAAACAGCAGTAGCCACAGATACAATTCTCAATCAACAAGGACAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAGGTAGTGACTACTTTACAGGAAAGAGGGGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACGGCGGATTCTCCGGCTACATTACAATACCTCGCCCCTTATACAGGAGCGGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGTGAACGACACACTTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCTCTTCTATTACGAAGACCACCTGGTCGTGAAGCTTATCCAGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCTGCTAAATTAAGTTCTCGTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTCGAGACCCAATCAGGAGACGTTTCGGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGATGGACAAATATTCTTATCCGCCGATCTATTCAATGCTGGAATCAGGCCTGCTATTAATGTGGGTATTTCTGTTTCCAGAGTAGGATCCGCAGCTCAAATAAAAGCTATGAAACAGGTAGCTGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCGCAATTCGCAGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCTGATCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGACTACGCGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCAGCTCCTCTCACGGTAGAGGAACAAATAATGACTATTTATACCGGAACGAATGGTTATCTTGATTCATTAGAAATCGGACAAGTAAGGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACCTACTTAAAAACGAATAAACCTCAGTTCCAAGAAATCATATCTTCTACCAAAACATTCACCGAAGAAGCAGAAACCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAACAGAAGGAACGTTTTGTAATTCAGGAACAAGTATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327657.1\_17 [gene=psbD] [locus\_tag=HebrCp027] [db\_xref=GeneID:10351973] [protein=photosystem II protein D2] [protein\_id=YP\_004327657.1] [location=36144..37205] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGTGCCTATTTCGCCGTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCATGGATTGGCGAGTTCCTATTTGGAAGGCTGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCACATTCTTTGTTATTATTATGGGGTCCTGAAGCACAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGTGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTCCACGGTGCTTTTGGACTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCTGTGCAATTGCGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGCTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCATTAGGCCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCGCCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGAGTTGCCGGCGTATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACTGTAGAAAATACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCAAATACATTCCGTGCCTTTAACCCAACTCAAGCTGAAGAAACTTATTCAATGGTCACCGCTAACCGCTTTTGGTCTCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACCGGTTTATGGATGAGCGCTCTTGGAGTGGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACTAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327658.1\_18 [gene=psbC] [locus\_tag=HebrCp028] [db\_xref=GeneID:10351900] [protein=photosystem II 44 kDa protein] [protein\_id=YP\_004327658.1] [location=37189..38574] [gbkey=CDS]

GTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACCACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGGAATGCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAAACTACTGGGAGCTCATGTAGCTCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCTGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTCGTACCGGAGAAGCCAATGTACGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCATACTTTGTATCCGGGGTACTTCACTTAATTTCCTCTGCAGTATTGGGCTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGATTCTTGAAGAATCTTTTCCATTTTTTGGTTATGTATGGAAAGATAGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGCGTATATGATACCTGGGCTCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTTGGTTATTTACTAAAATCTCCCTTTGGAGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGAGGACATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAATCTGGCATATCTTAACCAAACCTTTTGCATGGGCTCGCCGTGCACTTGTGTGGTCTGGAGAGGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACCGCGTATCCTAGTGAGTTTTACGGGCCTACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTCTAGTGAGAGATCAACGTCTTGGGGCTAACGTGGGATCCGCTCAAGGACCTACCGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCGCCTACCGGAGAAGTTATTTTTGGAGGAGAAACTATGCGTTTTTGGGATTTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCTCTAAGAGGTCCAAATGGTTTGGACTTGAGTAGGTTGAAAAAAGACATACAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCGCCTTTAGGTTCGTTAAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAGATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGGTTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCATGCGGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTTTCCATGACTCCTCTTAACTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327659.1\_19 [gene=psbZ] [locus\_tag=HebrCp030] [db\_xref=GeneID:10351974] [protein=photosystem II protein Z] [protein\_id=YP\_004327659.1] [location=39252..39440] [gbkey=CDS]

ATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGCTACTTCATCAATCTTACTGATTAGTGTACCTGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGTTGGTCGAGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTCTTTCTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327660.1\_20 [gene=rps14] [locus\_tag=HebrCp033] [db\_xref=GeneID:10351976] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_004327660.1] [location=complement(40421..40723)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGGAAAAGTTTGATTCAGCGGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATGCGTCGATCCTCAAAAAAAGAAATAAGCAAAGTTCCGTCGTTAAGTGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCCACCGCGGAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTCGACTGGAAAACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTATCCGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTGCCGGGGGCAACAAGATCAAGTTGGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327661.1\_21 [gene=psaB] [locus\_tag=HebrCp034] [db\_xref=GeneID:10351903] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A2] [protein\_id=YP\_004327661.1] [location=complement(40842..43046)] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAGAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCACTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCAATTTGGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGGAAGCTTTTACTCGAGGGGGTGCTCCTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATCGGTTTACGTACTAATGAAGATCTTTATATTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTACTAGGGGGTTGGTTACACCTACAACCAAAATGGAAACCGAGCGTTTCGTGGTTCAAAAATGCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGCTCTTTGGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCTATTCCCGGCTCCCGGGGGGAATACGTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTACCACATCCCCAAGGGTTAGGCCCGCTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCAGGTAGTCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGAGCGGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAGTTATTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCACAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCTCCGGGGGGGCGATTGGGGCGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGCCTTGCTCTAGCTTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTAGTGGCTCAACACATGTACTCATTACCTGCTTATGCGTTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAATGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGTCTCTTTCTGGGATTCCATACTTTGGGACTTTATGTTCATAATGATGTCATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTAATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGTAAAACTTCATATGGGTTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTCCGGCCTTCAATGCGGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGCTGGTTAAATGCTATTAATGAAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGGCCTGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGTTTACATACAACCACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGCGGTTCGAAGTTAATGCCAGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGTGATGGTCCGGGACGCGGCGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAACCCTTTTGGTATGAATAGCTTATCGGTCTGGGCGTGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGTGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACTTTAGCATGGGCTCATGAGCGTACACCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCTCACTTTTCCGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327662.1\_22 [gene=psaA] [locus\_tag=HebrCp035] [db\_xref=GeneID:10351904] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1] [protein\_id=YP\_004327662.1] [location=complement(43072..45324)] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTAAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCATCAAAACTTCTTTCGAGGAATGGGCCAGACCCGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAAGGACCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTACATGCTGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAGTGATTTGGAGGAGATTTCTCGGAAAGTATTTAGTGCTCATTTCGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGCATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAAGCGATCCTACTCACATTGGACCTAGCGCTCAAGTGGTTTGGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAATGGCGATGTGGGCGGGGGTTTCCGAGGAATACAAATAACTTCCGGTTTTTTTCAGATTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACCGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCTCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCTATGTTGAATCACCATTTAGCGGGGCTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGACATCAAGTACATGTATCTTTACCAATTAACCAATTTCTAAACGCTGGAGTGGATCCTAAAGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTTACCTTGAATTGGTCAAAATATTCGGACTTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTGACTGGGGGTCTATGGCTGACCGATACTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACTAACTGGGCCATTGGTCATGGTATAAAAGAGATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTTACAGGTCAGGGCCATAAAGGCCTATATGAGATCCTAACAACGTCATGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTAGCTATGTTAGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCCCCTTATCCATATCTAGCTACTGATTATGGTACACAACTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTTCTCATAGTTGGTGCTGCTGCGCATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTCCTTAGGCATCGTGATGCAATCATATCACATCTCAACTGGGTATGTATATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGCGCTTTAGGGCGCCCTCAAGATATGTTTTCAGATATTGCTATACAATTACAACCTGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATGCTTTAGCACCTGGTGCAACGGCTCCTGGTGCAACAGCAAGCACCAGTTTAACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTTGGTGGCAAGGTTGCTTTATTACCGATTCCATTAGGAACCGCGGATTTTTTGGTACATCACATTCATGCATTCACGATTCATGTGACGGTATTGATACTTCTGAAAGGAGTTCTATTTGCCCGCAGCTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGTGATGGACCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGGCTATTTTGGATGTACAATTCCATTTCGGTAGTAATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTTGCACAGAGTTCCATTACTATTAATGGATGGCTCCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTTTTTTTCCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGCGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327663.1\_23 [gene=ycf3] [locus\_tag=HebrCp036] [db\_xref=GeneID:10351905] [protein=photosystem I assembly protein ycf3] [protein\_id=YP\_004327663.1] [location=complement(join(46079..46231,46900..47127,47854..47979))] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCTCGGATAACTGGAAATTTTATTGATAAGACTTTTTCAGTTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACTTCGGGAGAAAAAGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGTATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGGCTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAATGGAGAACACACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGTCACTAGAACGAAACCCCTTCTTACCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACCGAGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAGGCTTGGTTCGATCAAGCCGCGGAGTATTGGAAACAAGCTATAGCGCTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTGAAAATCACAAGGCGTTTCGAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327664.1\_24 [gene=rps4] [locus\_tag=HebrCp038] [db\_xref=GeneID:10351977] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_004327664.1] [location=complement(48698..49303)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACGTCGTCTGGGGGCTTTGCCGGGACTAACTAGTAAAAGGCCTAAAGTCGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAAAATTGCGTTTTCATTATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATATGTTCGTATCGCCGCAAAAGCCAAAGGGTCAACAGGTCAGGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATGGCGTCAACTATTCCTCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCGAGAGCTGAACAAAAATCTAGAGCTATGATTAAAAATTATCTTGATTCATCCCCCCAGGAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCACCCATTCCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGTTGGCTTGAAAATAAATGAATTACTAGTGGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327665.1\_25 [gene=ndhJ] [locus\_tag=HebrCp042] [db\_xref=GeneID:10351980] [protein=NADH dehydrogenase subunit J] [protein\_id=YP\_004327665.1] [location=complement(52069..52545)] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCGTTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACATGGGCTAGTTCATAGATTTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGAAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTGCGTTCGCAATGTGCCTATGATGTAGCACCGGGCGGGCTGTTAGCTAGTGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGATATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAAGTATTTGCCCCAAGGAAGAATCCTAGAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCAAGAAAGGGAATCTTATGATATGCTGGGAATCTTTTATGATAATCATCCACGCTTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGATAGGGTGGCCCTTACGTAAGGATTATATTGTTCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCTCATTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327666.1\_26 [gene=ndhK] [locus\_tag=HebrCp043] [db\_xref=GeneID:10351908] [protein=NADH dehydrogenase subunit K] [protein\_id=YP\_004327666.1] [location=complement(52664..53341)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCCATTGAGTTTCCTTTACTTGATCGAACAACTCAAATTTCAGTTATTTCAACTACATCAAATGATCTTTCAAATTGGTCAAGACTCTCCAGTTTATGGCCACTTCTCTATGGTACCAGTTGTTGCTTCATTGAATTTGCTTCATTAATAGGCTCACGATTCGACTTTGATCGTTATGGGCTAGTACCAAGATCTAGTCCTAGACAAGCGGACCTGATTTTAACAGCCGGCACCGTAACCATGAAAATGGCTCCTTCTTTAGTGAGATTATATGAACAAATGCCTGAACCAAAATATGTTATTGCTATGGGGGCATGTACAATTACAGGGGGGATGTTCAGTACCGATTCTTATAGTACTGTTCGGGGAGTTGATAAGCTAATTCCTGTAGATGTCTATTTGCCAGGCTGTCCACCTAAACCGGAGGCGGTTATAGATGCTATAACAAAACTTCGTAAAAAAATATCTCGAGAAATTTATGAAGATCGAATTAGGTCTCAACCGGGGAAACGGTGTTTTACTACTAATCACAAGTTTAATATTGAACGCACTACTCATACTGGAAATTATGATCAAGAATTACTCTATCAATCGCCGTCTACTTCAAAGATCCCTCCGGAAACATTTTTCAAATATAAAAGGTCAGTATCGTCCAACGAATTAGTAAATTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327667.1\_27 [gene=ndhC] [locus\_tag=HebrCp044] [db\_xref=GeneID:10351909] [protein=NADH dehydrogenase subunit 3] [protein\_id=YP\_004327667.1] [location=complement(53393..53755)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGATTTACGAATATGATATATTCTGGGCATTTCTAATAATATCAAGTGTTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTATCCCCGATTAGCAAAGGGCCGGAGAAACTTTCTAGTTATGAATCGGGTATAGAACCAATGGGTGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTATTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACAGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTCGATATATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTCATTTTCGTGCTTATCCTAATTGTTGGTTCAGTTTATGCATGGAGAAAAGGAGCATTAGAATGGTCTTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327668.1\_28 [gene=atpE] [locus\_tag=HebrCp047] [db\_xref=GeneID:10351982] [protein=ATP synthase CF1 epsilon subunit] [protein\_id=YP\_004327668.1] [location=complement(55642..56043)] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCGAATCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGACAAATTGGCGTATTACCAAACCATGCACCTATTGCCACAGCTGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTAATGACCAATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGATTACTGTTTTAGTAAATGATGCAGAGAAGGGTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACTCTTGAAATAGCAGAAGCTAACTTGAGGAAAGCGGAAGGCAGGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGAGTAGAGGCTATCAATGGGATTTCGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327669.1\_29 [gene=atpB] [locus\_tag=HebrCp048] [db\_xref=GeneID:10351911] [protein=ATP synthase CF1 beta subunit] [protein\_id=YP\_004327669.1] [location=complement(56040..57536)] [gbkey=CDS]

ATGAGAATAAATCCTACTACTTCTGGTCCGGGAGTTTCCGCGCTTGAAAAAAAGAACCTGGGGCGTATCGCTCAAATTATTGGGCCAGTGCTAGATGTAGCTTTTCCCCCGGGCAAGATGCCTAATATTTACAACGCTCTGGTAGTTAAGGGTCGAGATACTGCCGGTCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGCGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAACGAGAGGAATGGAAGTGATTGACACAGGAGCCCCTCTAAGTGTTCCAGTCGGTGGGGCAACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTGTTGACGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGCGCAACATCCCCTATTCATAGATCTGCGCCTGCCTTTATACAGTTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAAACAGGAATAAAAGTAGTAGATCTTTTAGCCCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGACTATTCGGGGGAGCTGGAGTGGGTAAAACAGTACTTATTATGGAATTAATCAATAACATTGCGAAAGCTCATGGGGGTGTATCCGTATTTGGCGGAGTAGGCGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTGACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTTCGAGATGTTAATGAACAAGACGTACTTCTATTTATCGACAATATCTTCCGTTTCGTCCAAGCCGGATCCGAAGTATCCGCCTTATTGGGTAGAATGCCTTCCGCTGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGCTCTTTACAAGAAAGAATTACTTCTACCAAAGAAGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCAGTTTATGTACCTGCGGACGATTTGACTGACCCTGCTCCTGCCACGACATTTGCACATTTAGATGCTACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCTAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACGTCAACTATGCTCCAACCTCAGATCGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACTGTAGCAAGAGCACGAAAAATTGAACGTTTCTTATCACAACCCTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCTCGGGGGAAATATGTCGGTCTAGCAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTGATCCTTTCGGGAGAATTAGATAGTCTCCCTGAGCAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATTGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAACAACTTGAAGAAATGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327670.1\_30 [gene=rbcL] [locus\_tag=HebrCp049] [db\_xref=GeneID:10351912] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_004327670.1] [location=58292..59719] [gbkey=CDS]

ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAGTATCAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCGGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACGGCATCGAGCCTGTTCCTGGGGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTACCCATTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTACGCGCCCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTCCTGCTTATTCTAAAACTTTCCAAGGGCCGCCTCATGGCATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCCCTATTGGGTTGTACTATTAAACCAAAATTGGGTCTATCCGCTAAGAATTACGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTTCGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGACGATGAGAATGTGAACTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCTTATTTTGTGCCGAAGCAATTTATAAAGCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGACATTATTTGAATGCTACTGCAGGTACATGCGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTATTTGCCAGAGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGGGGATTCACTGCAAATACTAGCTTGGCTCATTATTGCCGAGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCACCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCATTTTCGTGTACTAGCTAAGGCCTTACGTCTATCTGGTGGAGATCATATTCACGCCGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGGGAAAGAGACATTACTTTGGGCTTTGTTGATTTACTGCGTGATGATTTTATTGAAAAAGATCGAAGCCGTGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTCTACCAGGTGTTATACCTGTAGCTTCAGGGGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCCGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAGGGACGTGATCTTGCTCGTGAGGGTAATGATATTATCCGTGAGGCTAGCAAATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAAATTAAATTTGAATTTGAAGCAGTGGATACTTTGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327671.1\_31 [gene=accD] [locus\_tag=HebrCp050] [db\_xref=GeneID:10351913] [protein=acetyl-CoA carboxylase beta subunit] [protein\_id=YP\_004327671.1] [location=60462..61970] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAATGGCGGTTCAATTCGATCTTATCCAATGTGGAATTAGGATACAGGTGTAGGCTAAGTAAATCAATGGATAGTTTCAGTTCTCTTGAAAATACCAGTATAAGTGAAGACCCAATTCTAAATGATACAGATAAAAACACCTATAGTTGGAGTAATAGTGACAGCTCTAGTTACAGTAATGTTGATCATTTAGTCGGTGTCAGGGACATTCAGAATTTCAGCGCCGATGAAACTTTTTTAGTTAGGGATAGTAATAGGGACAGTTATTCCATATATTTTGATATTGAAAATAAAGTTTTTGAGATTGACAATGATCATTCTTTTCTGAGTGAACTAAAAAGTTCTTTTTATAGTTATTGGAATTCTAGTTATCTGAATAATGGGTTTAGGAGTGGCGACTCCCACTATGATCATTATATGTATGATACTAAATATAGTTGGAATAATTACATCAATAGTTGCATTGACAGTTATCTTCGCTCTCAAATCTGTATTGATAGTTATATTTTAAGTGGTAGTAACAATTACAGCGAAAGTTACATTTATAGTTACATTTGTGGTGAAAGTGGAAATAGTAGTGAAAGCGATAGTTCCAGTCTAAGAACTAGCACGAGTGGTAGCGATTTAATTATAAGAGAAAATTCTAATGATCTCGATATAACTCAAAAATACAAGCATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAATTATAAGAAATTTTTTAAGTCAAGAATGAATATTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAGTAGTTCAGATAGAATTGAACTTTTGATTGACCTAGGCACTTGGGATCCTATGGATGAAGACATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAGGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAGAAAGACAGGATTAACTGAGGCTGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAACGGCATTCCCGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATGGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGTGAGAAAATCACTCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATAAATTTTTACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCATTATATGATTATCAATCAAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACATCTCCTACGACTGGTGGGGTGACAGCTAGTTTTGGTATGTTGGGGGATATCATTATTGCTGAACCTAATGCCTATATTGCGTTTGCAGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAGACAGTACCTGAAGGTTCGCAATCGGCCGAATTTTTATTCCATAAGGGCTTATTTGATCTAATCGTACCGCGTAATCTTTTAAAAGGCGTTCTGAATGAGTTACTTCAGCTCCACGATTTCTTTCCTTTGAATCATAAATCAAGTAGAAACCTTAAGTTAAAAAGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327672.1\_32 [gene=psaI] [locus\_tag=HebrCp051] [db\_xref=GeneID:10351914] [protein=photosystem I subunit VIII] [protein\_id=YP\_004327672.1] [location=62719..62832] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTCAACAACTCCCCCTCCATTCTTGTGCCTTTAGTGGGCTTAGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATTTCTTTATATTCAAAAAAACAAGATTTTTTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327673.1\_33 [gene=ycf4] [locus\_tag=HebrCp052] [db\_xref=GeneID:10351915] [protein=photosystem I assembly protein Ycf4] [protein\_id=YP\_004327673.1] [location=63287..63841] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACGTATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGAAAAACAAGTAATTTCTGCTGGGCCTTTATACTTTTTTTAGGTTCATTGGGATTTTTATTGGTTGGAATTTCCAGCTATCTTGGCAGAAATTTGATATCTTTATTTCCGTCTCAGCAAATAATTTTTTTCCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTCTATTTATTAGTTCTTATTTGTGGTGCACAATTTTGTGGAATGTAGGTAGTGGTTATGATCGATTCGATAGAAAAGAAGGAATAGTGTGTATTTTTCGCTGGGGATTTCCGGGAAAAAATCGTCGCATCTTACTACGATTCCTTATGAAAGATATTCAGTCTATTAGAATAGAAGTTAAAGAGGGTATTTATGCTCGGCGTGTCCTTTATATGGAAATCAGAGGCCGGGGGGCTATTCCTTTGACTCGTACTGATGAGAATTTGACTCCACGAGAAATTGAGCAAAAAGTAGCGGAATTGGCCTATTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTATTTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327674.1\_34 [gene=cemA] [locus\_tag=HebrCp053] [db\_xref=GeneID:10351916] [protein=envelope membrane protein] [exception=RNA editing] [protein\_id=YP\_004327674.1] [location=64757..65452] [gbkey=CDS]

ACGAAAAAATGGAAAAAAAAAACATTTATTCCCCTTCTATATCTTACATCTATAGTTTTTTTGCCCTGGTGGATCTCTTTTTTATTTAATAAAAGTTTTGAATCTTGGGTTATTAATTGGTGTAATATTAGTAAATCCGAAACTTTTTTAAATGATATCCAAGAAAAAAGTATTCTAGAAAAATTCATAGAATTAGAGGAACTCGTTCGCTTAGACGAAATGATAAAGGAATACCCGGAAACACATCTACAAAAGTTTCGTATCGGAATCCACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAGGATCGTATCCATACGATTTTTCACTTCTCGACAAATATAATCTCTTTCGTTATTCTAAGGGGTTATTCTATTCTAAGTAATGAAAAACTTATTATTCTTAATTCTTGGGTTCAAGAATTCCTATATAATTTAAGCGACACAATAAAAGCTTTTTCCATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCATTCACCTCACGGTTGGGAACTAATGATCGGCTCCGTCTACAAAGATTTTGGATTTGCTCATAACGATCAAATTATATCTGGCCTTGTTTCCACTTTTCCAGTCATTCTCGATACCATTTTTAAATATTGGATTTTCCGTTATTTAAATCGTGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327675.1\_35 [gene=petA] [locus\_tag=HebrCp054] [db\_xref=GeneID:10351917] [protein=cytochrome f] [protein\_id=YP\_004327675.1] [location=65684..66646] [gbkey=CDS]

ATGCAAACCAGAAAGACCTTTTCTTGGATAAAGGAAGAGATTACTCGTTCCATTTCCGTATCGCTCATGATATATATAATAACTTGGGCATCCATTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAGCAGGGTTATGAAAATCCACGGGAAGCAACTGGTCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAACCCGTGGATATTGAGGTTCCACAAGCGGTACTTCCAGATACTGTATTTGAAGCAGTTGTTCGAATTCCTTATAATATGCAACTGAAACAAGTTCTTGCTAATGGTAAAAAGGGGGCTTTGAATGTGGGGGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGGTTTGAATTAGCCCCTCCCGATCGTATTTCGCCAGAGATGAAAGAAAAGATGGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACTAAAAAAAATATTCTTGTGATAGGTCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCTATTCTTTCTCCGGACCCCGCCGCTAAGAAAGATGTTCACTTTTTAAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGCAACAATACGGTTTATAATGCTATAGCAGCAGGTATAGTAAGCAAAATCATACGAAAAGAAAAAGGGGGGTACGAAATAACCATAACGAATGCGTCAGAGGGACGTCAAGTGATTGATATTATACCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATCAAACTTGATCAACCATTAACGAGTAATCCTAATGTGGGTGGATTTGGTCAGGGGGATGCAGAAATAGTACTTCAAGACCCATTACGTGTCCAAGGCCTTTTGTTCTTCTTGGCATCCGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTCTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327676.1\_36 [gene=psbJ] [locus\_tag=HebrCp055] [db\_xref=GeneID:10351918] [protein=photosystem II protein J] [protein\_id=YP\_004327676.1] [location=complement(67767..67889)] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGAAGAATTCCTCTTTGGATAGTAGGTACTGTAACTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGATTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327677.1\_37 [gene=psbL] [locus\_tag=HebrCp056] [db\_xref=GeneID:10351919] [protein=photosystem II protein L] [protein\_id=YP\_004327677.1] [location=complement(68036..68152)] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAATCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327678.1\_38 [gene=psbF] [locus\_tag=HebrCp057] [db\_xref=GeneID:10351920] [protein=photosystem II protein VI] [protein\_id=YP\_004327678.1] [location=complement(68179..68298)] [gbkey=CDS]

ATGACCATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGGCTGTTCACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTCTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327679.1\_39 [gene=psbE] [locus\_tag=HebrCp058] [db\_xref=GeneID:10351921] [protein=photosystem II protein V] [protein\_id=YP\_004327679.1] [location=complement(68307..68558)] [gbkey=CDS]

ATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATTACCAGTATTCGATATTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATGTATTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAATATTTTACCGAAAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327680.1\_40 [gene=petL] [locus\_tag=HebrCp059] [db\_xref=GeneID:10351922] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VI] [protein\_id=YP\_004327680.1] [location=69922..70017] [gbkey=CDS]

ATGCCTACTATAACTAGTTATTTCGGTTTTCTACTAGCGGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTATTTATTGGTCTGAGCAAGATACGACTTATTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327681.1\_41 [gene=petG] [locus\_tag=HebrCp060] [db\_xref=GeneID:10351923] [protein=cytochrome b6/f complex subunit V] [protein\_id=YP\_004327681.1] [location=70197..70310] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTTTTCTATTTGGAATCGTCTTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTTGTAACTGCATATTTACAATACAGACGTGGTGATCAGTTGGACCTTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327682.1\_42 [gene=psaJ] [locus\_tag=HebrCp063] [db\_xref=GeneID:10351984] [protein=photosystem I subunit IX] [protein\_id=YP\_004327682.1] [location=71203..71337] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATTTATCTGTAGCACCAGTAATAAGTACTCTATGGTTTGGGTCTTTAGCAGGTCTATTGATAGAGATCAATCGTTTTTTCCCAGATGCGTTGACATTCCCTTTTTTTTCATTCTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327683.1\_43 [gene=rpl33] [locus\_tag=HebrCp064] [db\_xref=GeneID:10351925] [protein=ribosomal protein L33] [protein\_id=YP\_004327683.1] [location=71802..72002] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGTAAGGATATCCGAATAAGAGTTATTTTAGAATGTACCACTTGTGCTCGAAACAGTGTTAATAAGAAATCAACAGGTATTTCCAGATATATTACTCAAAAGAATCGACACAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCGCTATTGTTACAAACATACAATTCACGGGGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327684.1\_44 [gene=rps18] [locus\_tag=HebrCp065] [db\_xref=GeneID:10351926] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_004327684.1] [location=72384..72668] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCCAAACGACTTTTTCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCAAATTGATTATAGAAATATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTCGTTACCTTTTCTTAATAATGAAAAACAATTTGAAAAAAAGCGAGTTGGTCACTATAACTATTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327685.1\_45 [gene=rpl20] [locus\_tag=HebrCp066] [db\_xref=GeneID:10351927] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_004327685.1] [location=complement(73009..73362)] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGGAGGCGTAGAACAAAAATTCGTTTATTCGCATCAAGCTTTCGCGGGGCCCATTCAAGACTTACTCGAACTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGGTTTCGGCCCATCGGGATAGAGATAGGCAAAAAAGAAATTTTCGTCGTTTGTGGGTCACTCGGATAAATGCAGTAATTCGCGAGAGTATGGTATCCTATAGTTATAGTAGATTAATAAACAATCTGTACAAGAGACAGTTACTTCTTAATCGTAAAATACTTGCACAAATAGCTATATTAAATAGGAATTGTCTTTATATGATTTCCAATGACATTCTAAAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327686.1\_46 [gene=rps12] [locus\_tag=HebrCp127] [db\_xref=GeneID:10351928] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_004327686.1] [location=join(complement(74171..74284),146419..146650,147187..147212)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCCCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGTTTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327687.1\_47 [gene=clpP] [locus\_tag=HebrCp067] [db\_xref=GeneID:10351949] [protein=ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit] [protein\_id=YP\_004327687.1] [location=complement(join(74495..74722,75364..75654,76490..76558))] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTCCCTTTTCGAAATCCTGGGGAAGACGATTCAATTTGGATTGACGTAAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGATGTTGATAGCGAGATCTCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAAAGCGAGACAAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCCGGCGGATGGGTAATACCCGGAATAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCCGATGTACAAACAGTATGCATGGGATTAGCTGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTGGTCGGAGGAAAAATTACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCTAGGGTAATGATTCATCAACCTATTGCTGGTTTTTATGAGGCACAAATAGGAGAATTTGTCCTGGAAGCGGAAGAACTACTGAAACTGCGCGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGCAAACCCTTATGGGTTGTATCCGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAACCGAAGCCCAAGCTCATGGAATTGTTGATCTTGTAGCAGTTGCATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327688.1\_48 [gene=psbB] [locus\_tag=HebrCp068] [db\_xref=GeneID:10351929] [protein=photosystem II 47 kDa protein] [protein\_id=YP\_004327688.1] [location=77025..78551] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCTTTGGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCGATGGCTCTATATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCAATGTGGAGACAAGGTATGTTCGTTATACCCTTTATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGTGGTTGGAGTATCACAGGAGGAACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGCGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCTGGCTTGTGCTTCTTGGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTCGAAATATTTTGCGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTTGCCCAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCCGGGGTGGCTTGCTTTGGGTTTGGCGCTTTTCATGTAACCGGATTGTATGGTCCTGGAATATGGGTGTCCGACCCTTATGGACTAACTGGAAAGGTACAACCTGTAAGTCCAGCATGGGGTGTGGAAGGTTTTGATCCTTTTGTTCCGGGAGGAATAGCCTCTCATCATATTGCAGCGGGGACATTGGGCATATTAGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTCCGTCCGCCCCAACGTTTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACTGTCCTTTCCAGTAGTATCGCGGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCTGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAATTATTTGGTCCCACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAGCAAGAAATATATCGAAGAGTTAGTGCTGGGCTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCCGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAGCTTTTTATGATTACATCGGCAATAATCCGGCAAAGGGTGGGTTGTTCAGAGCAGGCTCAATGGACAACGGGGATGGAATAGCTGTTGGGTGGTTAGGACATCCTATCTTTAGAGATAAAGAAGGGCGTGAACTTTTTGTACGTCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCAGAGTCGAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACTGTTGAGTTCTATGGTGGCGAACTAAACGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGCGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTGAAATCCGATGGTGTTTTTCGTAGCAGCCCAAGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTCGCTCTGCTCTTTTTCTTCGGACACATTTGGCATGGTGCTCGAACTTTGTTCAGAGATGTTTTTGCTGGTATTGATCCAGATTTAGATGCTCAAGTGGAATTTGGAGCATTCCAAAAACTTGGAGATCCAACTACAAGAAGACAAGTAGTCTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327689.1\_49 [gene=psbT] [locus\_tag=HebrCp069] [db\_xref=GeneID:10351930] [protein=photosystem II protein T] [protein\_id=YP\_004327689.1] [location=78711..78818] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTCTCAACTTTAGGAATAATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGAGAACCGCCTAAAGTTCCAACTAAAAAGGTAAAATGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327690.1\_50 [gene=psbN] [locus\_tag=HebrCp070] [db\_xref=GeneID:10351931] [protein=photosystem II protein N] [protein\_id=YP\_004327690.1] [location=complement(78879..79010)] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACCCTAGTCGCCATCTCTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCTCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327691.1\_51 [gene=psbH] [locus\_tag=HebrCp071] [db\_xref=GeneID:10351932] [protein=photosystem II phosphoprotein] [protein\_id=YP\_004327691.1] [location=79121..79342] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGCGTGGAGGGTAGTTCTAGATCTGGTCCAAGACGAACTATTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTAGCTCCTGGATGGGGAACTACTCCTTTGATGGGTGTCGCAATGGCTCTATTTGCGATATTCCTATCTATTATTTTGGAGATTTATAATTCTTCCGTTTTACTAGATGGAATTTCAATGAACTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327692.1\_52 [gene=petB] [locus\_tag=HebrCp072] [db\_xref=GeneID:10351933] [protein=cytochrome b6] [protein\_id=YP\_004327692.1] [location=join(79467..79472,80252..80893)] [gbkey=CDS]

ATGAGTAAAGTCTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCAATTGCAGATGATATAACTAGTAAATATGTTCCTCCCCATGTCAACATATTTTATTGTTTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGGCTTTTGCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAGGCTAACTTTGGTTGGTTAATCCGCTCAGTGCATCGATGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTATATCTCACTGGTGGCTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACGGGCGTGGTTCTTGCTGTATTGACCGCATCTTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCGGTCAAAATTGTAACAGGCGTGCCGGAAGCTATTCCTGTAATAGGATCGCCTTTGGTGGAGTTATTACGCGGAAGTGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTTTCAATGATACGTAAGCAGGGTATTTCAGGTCCTTTATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327693.1\_53 [gene=petD] [locus\_tag=HebrCp073] [db\_xref=GeneID:10351934] [protein=cytochrome b6/f complex subunit IV] [protein\_id=YP\_004327693.1] [location=join(81106..81113,81964..82459)] [gbkey=CDS]

ATGGGAGTAACAAAAAAACCTGACTTGAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGGCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTACGGAGAACCTGCATGGCCCAATGATCTTTTATATATTTTTCCAGTAGTAATTCTAGGTACTATTGCATGTAATGTAGGATTAGCAGTTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCTGCGGATCCATTTGCAACGCCTTTGGAAATATTGCCTGAATGGTATTTCTTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTACCCAATAAGTTATTAGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCTGCAGGATTATTAACAGTACCTTTTTTGGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGTCCAGTTGCGACAACCGTCTTTTTGATTGGTACTGCGGTAGCCCTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTACCTATTGATAAATCCCTAACTTTAGGTCTTTTTCAAATTGATTCAATTGTAAAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327694.1\_54 [gene=rpoA] [locus\_tag=HebrCp074] [db\_xref=GeneID:10351935] [protein=RNA polymerase alpha subunit] [protein\_id=YP\_004327694.1] [location=complement(82641..83666)] [gbkey=CDS]

ATGGTTCGAGAGAAAGTAACAATATCCACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTGTTGAATCAAGAACCGATAATAAACGTCTTTATTATGGACGCTTTATTCTGTCTCCTCTTATGAAAGGCCAAGCCGACACAATAGGCATTGCGATGCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATAGAAGGAACATGTATCACACGTGCAAAATCTGAGAAAATACCACACGAATTTTCTACTATAGCAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTAATGAATTTGAAAGAAATTGTATTAAGAAGCAATTTGTATGGAACTTGTAACGCATCTATTTGTGTCGAGGGTCCTGGATATGTAACTGCTCAAGACATCATCTTACCGCCTTTTGTGGAAATCATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAACGGAAGCAATTGATTTGTGTATTGGATTACAAATCGAGAGGAATCGCGGCTATCGTATAAACCCAACAAATAACTTTCAAGTTCAAGACGGAAGTTATTCTATAGATGCTGTATTCATGCCTGTTCGAAATGCGAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGGAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAATGGAAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCACGAAGCCTCCCGGAATTTGATTGATTTTTTTATTCCTTTTCTACATGCAGAAGAAGAAAACTTACATTTAGAAAAAAATCAACACAAAGTTACTTTACCCCTTTTTACTTTTCATGATAGATTGACTAAATTAAGAAAAAATAAAAAAGAAATAGCATTGAAATACATTTTTATTGACCAATCAGAATTGACTCCTAAGATCTATAATTGCCTCAAAAGGTCCAATATACATACATTATCGGATCTTTTGAAAAAGAGTCAAGAAGATCTTATGAAAATTGAACATTTTCGCATAGACGATGTAAAACATATATTGGGTATTCTAGAAATAGAAAAACATTTCGCAATTGATTTACCAAAGAATAAAATATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327695.1\_55 [gene=rps11] [locus\_tag=HebrCp075] [db\_xref=GeneID:10351936] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_004327695.1] [location=complement(83725..84141)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAAACCTTTACCAAAAATTGGTTCACGAAGAAACGGACGTATTGGTTCGCGTAAGAATTCACGTAAAATACCAAAAGGAGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTTAACAATACTATTGTGACCGTTACAGATGTACGGGGTCGAGTGATTTCTTGGTCCTCCGCTGGCACTTGTGGATTCAGGGGCACAAGAAGAGGAACGCCATTTGCTGCTCAAACCGCAGCAGGAAATGCTATTCGGACAGTAGTGGATCAAGGTATGCAACGAGCAGAAGTCATGATAAAGGGTCCTGGTCTCGGACGAGATGCGGCATTAAGAGCTATTCGCAGAAGTAGTATACTATTAAGTTTCGTCCGGGATGTAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCAGACCCCCTAAAAAAAGGCGCGTGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327696.1\_56 [gene=rpl36] [locus\_tag=HebrCp076] [db\_xref=GeneID:10351937] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_004327696.1] [location=complement(84258..84371)] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCTGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGTCGACTGATACGTAGACGAGGGCGAATTATAGTAATTTGCTTAAACCCGAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327697.1\_57 [gene=rps8] [locus\_tag=HebrCp078] [db\_xref=GeneID:10351985] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_004327697.1] [location=complement(84888..85292)] [gbkey=CDS]

ATGGGTAGGGATCCTATTGCTGACATAATAACCTCTATAAGAAATGCTGACATGAATAGAAAAGGAATCGTTCGAATAGCATCTACTAACATCACCGAAAACATTATTAAAATACTTTTAAGAGAAGGTTTTATTGAAAATGTCAGGAAACATAAGGAGGGCAACAAAAAATTTTTGGTTTTAACCCTACGACACAGAAGGAAGAGGAAAGAACCCTATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGGATCAGCCGACCTGGTCTACGAATCTATTCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGCATTGTAATTCTTTCTACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGAAGCTCGACTCGAAAGAATCGGCGGAGAAATCTTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327698.1\_58 [gene=rpl14] [locus\_tag=HebrCp079] [db\_xref=GeneID:10351939] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_004327698.1] [location=complement(85530..85898)] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAGACCCATTTGAATGTAGCGGATAACAGCGGAGCTCGAGAATTGATGTGTATTCGAATCATAGGGACTAGTAATCGCCGATATGCTCATATTGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCAGCACCAAATTCACCTCTAGAAAGATCAGAAGTAATCAGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTCAAACGTGATAATGGTATGATAATACGATATGATGACAACGCTGCAGTTGTCATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAGGGAACTCGAATTTTTGGTGCAATCGCCCGGGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCACCTGAAGTGTTATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327699.1\_59 [gene=rpl16] [locus\_tag=HebrCp080] [db\_xref=GeneID:10351940] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_004327699.1] [location=complement(join(86026..86424,87609..87617))] [gbkey=CDS]

ATGCTTAGTCCCAAAAGAACCCGATTCCGTAAACAACATAGAGGAAGAATGAAAGGAATAGCTTTTCGAGGTAATCGTATTTGTTTCGGCAGATATGCTCTTCAGGCACTTGAACCCGCTTGGATTACATCTAGACAAATAGAAGCGGGGCGACGAGCAATGACACGAAATGCACGCCGCGGTGGAAAAATATGGGTACGCATATTTCCCGACAAACCGGTTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGATCTCCCGAATATTGGGTAGCTGTCGTTAAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGGGCGGAGTAGCAGAAAATATAGCGAGAAAAGCTATTTCAATAGCAGCATCAAAAATGCCTATACGAACTCAATTCATTATTTCGGGATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327700.1\_60 [gene=rps3] [locus\_tag=HebrCp081] [db\_xref=GeneID:10351941] [protein=ribosomal protein S3] [protein\_id=YP\_004327700.1] [location=complement(87811..88467)] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTTGGTTTCAGACTTGGTACAACCCAAAGTCATCATTCTCTTTGGTTTGCACAACCAAAAAATTACTCTGAGGGTCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAGAATTATGTAAAAAAAAATGCGAAAATATCTTCTGGTATTGAAGGAATTGCACGTATAGAGATTCAAAAACGAATTGATGTGATTCAGGTCATAATATATATGGGATTCCAAAAATTATTAATAGAAAGTAGACCTAAACGAATCGAAGAATTGCAGATGAATGTACAAAAAGAACTTAATTGTGTGAATCGAAAACTCAATATTACTATTACAAGAATTACAAACCCCTATGGGCACCCTACTATTCTTGCAGAATTTATAGCCGGACAATTAAAGAATAGAGTTTCATTTCGCAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACTGAACAGACAGATACAAAAGGAATTCAAGTGCAAATTGCGGGACGTCTTGACGGAAAAGAAATTGCACGCGTCGAATGGATTAGAGAGGGTAGAGTTCCTCTACAAACCATTGGAGCTAAAATTGATTATTGTTCGTATACAGTTAGAACTATTTATGGGGTATTGGGCATAAAAATTTGGATATTTCCAGACAAGAAATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327701.1\_61 [gene=rpl22] [locus\_tag=HebrCp082] [db\_xref=GeneID:10351942] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_004327701.1] [location=complement(88549..88950)] [gbkey=CDS]

ATGATAAATAAAAGAAAGAGAAAGAGAGACCCATATACAGAAGTATATGCTTTAGGCCAACATATATGTATGTCCCCTCACAAAGCACGAAGAATAATTGATCAGATTCGTGGACGTTCTTACGAAGAAACACTTATGATACTCGAGCTCATGCCTTATCGAGCATGTTATCCCCTTTTTAAATTGATTTATTCTGCAGCAGCAAATGCTAGTCACAATATGGGTTTCAACGAAGTCAATTTAATCATTAGTAAAGCCGAAGTCAATGAAGGCACTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGACGGGGTTATCTGATAAAAAGATCAACTTGTCATATAACTATTATATTAAAAAATATATCCTTATATGAAGAATATGAAGAATATAACATATGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327702.1\_62 [gene=rps19] [locus\_tag=HebrCp083] [db\_xref=GeneID:10351943] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_004327702.1] [location=complement(89028..89306)] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACAATAAAGCAGAAAAACAAATAATAAAAACGTGGTCCCGGACATCTACCATTATACCCACAATGATTGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGAACATTTACCTATTTATATAACAGACCGTATGGTGGGTCATAAATTGGGAGAATTTTCACCTACTCTAAATTTCCAGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCATCGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327703.1\_63 [gene=rpl2] [locus\_tag=HebrCp084] [db\_xref=GeneID:10351944] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_004327703.1] [location=complement(join(89373..89807,90481..90879))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGCGAAATCCAATACACGAAATACACGAAAGAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGACATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCGTTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCAGCCACATTAAAATTACCTTCGGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAATTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327704.1\_64 [gene=rpl23] [locus\_tag=HebrCp085] [db\_xref=GeneID:10351988] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_004327704.1] [location=complement(90898..91179)] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGTGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327705.1\_65 [gene=ycf2] [locus\_tag=HebrCp087] [db\_xref=GeneID:10351986] [protein=hypothetical chloroplast RF2] [protein\_id=YP\_004327705.1] [location=91507..98418] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTTGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGTAACATATCGAGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTTATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGGTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCTAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATAACAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAATGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACGGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTTTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTTAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAACACACCCTGTTTAGTAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGTGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAATAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATATGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327706.1\_66 [gene=ndhB] [locus\_tag=HebrCp090] [db\_xref=GeneID:10351990] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_004327706.1] [location=complement(join(100137..100892,101575..102351))] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTGTTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327707.1\_67 [gene=rps7] [locus\_tag=HebrCp091] [db\_xref=GeneID:10351991] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_004327707.1] [location=complement(102663..103130)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCAGCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327708.1\_68 [gene=ndhF] [locus\_tag=HebrCp104] [db\_xref=GeneID:10352004] [protein=NADH dehydrogenase subunit 5] [protein\_id=YP\_004327708.1] [location=complement(116048..118279)] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATATCTTTCGTTACATTGCCAGTCCCTATGTTAATAGGAGTGGGACTCCTGCTTTTTCCGGCAGCAACAAAAAAACTGCGTCGTATGTGGGCTTTTCCAAGCGTTTTCTTGTTAAGTATAGTCATGATTTTTTCAATCGATTTGTCTATTCAGCAAATAAATAGTAGTTTTATTTATCAATATATATGGTCGTGGACTATTAATAATGATTTTTCTTTAGAATTCGGACACTTGATTGACCCACTTACTTCTATTTTGTCAGTATTAATTACTACAGTTGGTATTTTGGTTCTTTTTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGTTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCACTACTTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTCTAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAGTGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTTTTGGTTCACACGACCTATTGCATCGAATGCTTGTCAAAAAGCGTTTGTAACTAATCGTGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTAGGGATTTTAGGTCTTTATTGGATAACGGGCAGTTTCGAATTTCGGGATTTGTTCAAAATCTTCAATAACTTGATTTATAATAATCAAGTTAATTTTTTATTTGTTACTTTGTGTGCATTTCTATTATTTTCTGGCGCAATTGCTAAATCGGCGCAATTTCCTCTTCATGTATGGTTACCAGATGCCATGGAAGGGCCTACTCCTATTTCAGCTCTGATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCGGGAATTTTTCTTGTAGCTCGCCTTTTTCCTCTTTTCGTAATTATACCTTTCATAATGAATCTAATAGCTTTGATAGGTATAATAACAGTATTTTTAGGAGTTACTTTAGCTCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGTTATACGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGGGCTGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAAGCATTGTTGTTTTTAGGATCTGGATCCATTATTCATTCAATGGAAGCTATTCTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGGTTCTTATGGGTGGTTTAACAAAACATATTCCAATTACAAAAACGGCTTTTTTATTAGGAACACTTTCTCTTTGTGGTATTCCACCCTTCGCCTGTTTTTGGTCCAAAGATGAAATTCTTAATGATAGTTGGTTGTATTCACCTATTTTCGCAATAATAGCCTGTTTCACAGCAGGATTAACTGCATTTTATATGTTTCGGGTTTATTTACTTACTTTTGACGGACATTTTAATGCTCATTTTAAAAATTACAGTGGTAAAAAAAACAGTTCATTTTATTCAATCTCTTTATGGGGTAAAGAAGGATCAAAAATGCTTAACAAAAATTTTCGTTTATTAGCTTTATTAACAATGAATAATAAGGAAAGGGACTCTTTTTTTGGTAAGAACACATATCAAATTGATGGTAATGTAAGAAATATGACGTGGCCCTTTATTACTGTTAAAAATTTTAACACTAAAAGGATTTTTTCCTATCCCCATGAATCGGATAATACTATGTTATTTCCTATGCTTATCTTAGTACTATTTACTTTGTTTATTGGAGCCATAGGAATTCCTTTCAATCAATTCAATCAAGAAGGAATACAGTTGGATATAGATATATTGTCAAAACTTTTAACCCCGTCTTTAAACCTTTTGCATCAAAATCCAGAAAATTCTGTGGATTGGTATGAATTTGTAACAAATGCAATTTTTTCAGTCAGTATAGCTTTTTTCGGAATATTTATAGCGTCCTTTTTATATAAGCCTGTTTATTCATCGTTACTAAATTTTAATTTCTTTAATTCGTTTGCTAAAAAAGGCCCTAAGAGAATTTTTTGGGACAAAATAATAAATGTGATATATAATTGGTCCTCTAATCGAGGTTATATAGATGCTTTTTATGCAATATCTTTTATTGGGGGTATAAGAAAATTGGTTGAATTAATTCATTTTTTTGATAAACGAATAATTGATGGAATCACCAATGGGGTCGGTGTTACCAGTTTCTTTGTAGGAGAGGGTATAAAATATGTAGGAAGTGGTCGCATCTCTTCTTATCTCTTATTTTATTTATTTTATGCATTAATTTTTTTATTAATTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327709.1\_69 [gene=rpl32] [locus\_tag=HebrCp105] [db\_xref=GeneID:10351950] [protein=ribosomal protein L32] [protein\_id=YP\_004327709.1] [location=119274..119435] [gbkey=CDS]

ATGGCAGTTCCAAAAAAGCGCACTTCTATATCAAAAAAGCTTATTCGAAAAAATATTTGGAAAAGAAAGGGATATTGGACAGTATTGAAAGCTTTTTCGTTAGCGAAATCTCTTTCTACAGGTAATTCAAAAAGTTTTTTTGTGCAACAAATAAAAGATTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327710.1\_70 [gene=ccsA] [locus\_tag=HebrCp107] [db\_xref=GeneID:10352005] [protein=cytochrome c biogenesis protein] [protein\_id=YP\_004327710.1] [location=120443..121411] [gbkey=CDS]

ATGATATTCTCGACTTTAGAACATATATTAACGCATATATCTTTTTCAGTCGTGTCAATTGTAATTACAATTCATTTGATAACCTTATTAGTCGATGAATTCGTAGAACTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGATAACTACTTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTATTCGTTGGATTTTTTTGGGACATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCATGGGCTTTTTCCATTATTCATATGGTTCCGTATTTTAAAAAACATAAAAATTTTTTAAGCGCAATAACCGCGCCAAGTACTTTTTTTACCCAAGGGTTTGCTACTTCGGGTCTTTTAACTGACATGCATCAATCCGAAATCTTAGTGCCCGCTCTCCAATCTCAGTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATATTGGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTTTCAGTAGCATTTCTAGTAATCACATTTCGAAAAATCATAAGAATTGTTGATAAAAGCAATAATTTATTAAACGATTCGTTTTTCTTTAGTGAGATACAATATATGGCGGAAAGAAAGAATGTTTTAAGAAATATTTCTTTTCTTTCTTCTAGGAATTATTACAGGTTTCAATTGATTCAACAATTAGATGACTGGGGTTGTCGTATTATAAGTATAGGGTTTATCTTTTTAACCATAGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCATGGGGATCATATTGGAATTGGGACCCAAAAGAAACTTGGGCATTTATTACGTGGACCATATTCGCGATTTTTTTTCATATTCGAACAAATAAAAAATTGGAGGGTTTCAATTCCGCAATTGTCGCTTCTATCGGTTTTCTTCTAATTTGGATATGCTATTTTGGAGTTAATTTATTAGGAATAGGACTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACAATTAGCATCTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327711.1\_71 [gene=ndhD] [locus\_tag=HebrCp108] [db\_xref=GeneID:10351952] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4] [protein\_id=YP\_004327711.1] [location=complement(121688..123190)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAATATTTGTAGTTTTACCGATATCCGCGGGTTCCTTAATTTTCCTTTTCCCTCATAGAGGAAATAAAGTAATTAAGTGGTATACTATATTTATATGTGCCTTTGAACTCCTTTTAATGAATTATGTGTTCTCTTATTATTTCCAATTGGACGATCCATTAATCCAATTAACAGAAGATTATAAATGGATCCAATTTTTTGATTTTTACTGGAGATTGGGAATCGATGGATTTTCTTTAGGACCTATTTTACTGACAGGATTTATCACTACTTTAGCTACTTTAGCGGCTCGGCCAATTACTCGGGATTCTCGATTATTCCATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTTCTCAAGATCTTTTACTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATCCATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCGGGAGGTTCCGTTTTTTTATTAATGGGAGCTTTGGGTATCGCTTTATATGGTTCTAATGAACCGAGATTCCATTTTGAAACATCAGCTAATCAATCATATCCTGTGGCGCTAGAAATATTTTTCTATATTGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATCACCGATTATACCCTTACATACATGGTTACCAGACACCCATGGGGAAGCACATTATAGTACTTGTATGCTTCTAGCCGGAATCTTATTAAAAATGGGGGCATATGGATTGGTTCGAATCAATATGGAATTATTATCTCACGCTCATTCTATTTTTTCTCCCTGGTTGATAATAGTAGGCGTAATGCAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCTGGTCAACGAAATTTAAAAAAAAGAATAGCCTATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTTGCTCTATAAGTGATATGGGACTCAATGGAGCCATTTTACAAATAATATCGCATGGATTTATTGGTGCCGCACTTTTTTTCTTGGCAGGAACGGGTTATGATAGAATACGTCGTGTTTATCTTGATGAAATGGGTGGAATGGCTACCTCAATGCCAAAAATATTCACGACATTCAGTATCTTATCACTAGCTTCCCTTGCATTACCAGGCATGAGCGGTTTTTTTGCGGAATTGATAGTATTTTTTGGAATAATTACCGGCCAAAAATATCTTTTAATGTCAAAAATATTAATTACTTTTGTAATGGCAGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTTCTATGGATATAAGCTGTTTAATGCCCCAAACTCTTCTTTTTTTGATTCTGGACCGCGGGAGTTATTTGTTTCGATCTCTATCCTTCTGCCTGTAATAGGTATTGGTATTTATCCGGATTTCGTTTTCTCATTATCAGTTGACAGGGTTGAAGCTATTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327712.1\_72 [gene=psaC] [locus\_tag=HebrCp109] [db\_xref=GeneID:10351953] [protein=photosystem I subunit VII] [protein\_id=YP\_004327712.1] [location=complement(123333..123578)] [gbkey=CDS]

ATGTCACATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGATGTAAATCCAAGCAAATTGCTTCTGCTCCAAGAACAGAGGACTGTGTCGGTTGTAAGAGATGTGAATCCGCCTGTCCAACGGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327713.1\_73 [gene=ndhE] [locus\_tag=HebrCp110] [db\_xref=GeneID:10351954] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4L] [protein\_id=YP\_004327713.1] [location=complement(123825..124130)] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTTGTTTTGAGTGCCTATTTATTTTCTATTGGTATCTATGGATTGATCACGAGTCGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGCCTTGAACTTATACTGAATGCAGTTAATCTAAATTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGCCGCCAATTAAAAGGAAATATTTTTTTCCATTTTGTTATAGCTATCGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACCAGCTATTGTTTCATCAATTTATCGTAATAGAAAATCAACCCGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327714.1\_74 [gene=ndhG] [locus\_tag=HebrCp111] [db\_xref=GeneID:10351955] [protein=NADH dehydrogenase subunit 6] [protein\_id=YP\_004327714.1] [location=complement(124365..124895)] [gbkey=CDS]

ATGGATTTGCCTGGACTAATTCATGATTTTCTTTTAGTCTTTCTAGGATTAGGTCTTATATTAGGAGGTCTAGGAGTGGTATTACTTACCAACCCAATTTATTCTGCCTTTTCGTTGGGATTGGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTCTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCCGCACAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCTATAAATGTTTTAATTATATTTGCCGTGATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAAGCGGGGTTACTTCTTTAGTTTGTACAAGTATTTTTGTTTCACTAATTACTATTCTTCCAGATACGTCATGGTATGGAATTATTTGGACTACAAGAACAAATCAGATTATAGAACAAGATTTGATAAGTAATGGTCAACAAATTGGAATTCATTTATCAACAGATTTTTTTCTTCCATTTGAATTCATTTCAATAATTCTTTTAGTTGCTTTGATAGGTGCGATTGCTGTGGCTCGTCAGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327715.1\_75 [gene=ndhI] [locus\_tag=HebrCp112] [db\_xref=GeneID:10351956] [protein=NADH dehydrogenase subunit I] [protein\_id=YP\_004327715.1] [location=complement(125309..125806)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCCATGGTAACTGGGTTCATGAATTATGGGCAACAAACCATACGAGCTGCAAGGTACATTGGTCAAGGTTTTATGATTACCTTATCTCATGCAAATCGTTTACCTGTAACTATTCAATATCCTTATGAAAAATTAATCACATCGGAGCGTTTCCGCGGTCGAATTCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGTGTATGTCCTATAGATCTACCTGTTGTTGATTGGAAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTTAATTACAGTATTGATTTCGGAATCTGTATATTTTGTGGCAACTGTGTTGAGTATTGTCCGACAAATTGTTTATCGATGACTGAAGAATATGAGCTTTCTACTTATGATCGTCACGAATTGAATTATAATCAAATTGCTTTAGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTTGACGATTATACAATTCGAACAATTTTGAATTCAACTCAAAAAAAATAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327716.1\_76 [gene=ndhA] [locus\_tag=HebrCp113] [db\_xref=GeneID:10351957] [protein=NADH dehydrogenase subunit 1] [protein\_id=YP\_004327716.1] [location=complement(join(125888..126427,127535..128086))] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAATACAAGCTATCAATTCTTTTTCTAGATTAGAATCCTTAAACGAGGTCTATGGAATTATATGGGTGTTTGTCCCGATTTTTATTCTTGTATTGGGAATCACGATAGGCATACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCTGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCTGAATATGCCGGTCCTTTAGGAGTTCTTCAAGCTCTAGCGGATGGGACAAAACTACTTTTCAAAGAGAATCTTTTTCCATCTAGGGGGGATATTCGTTTATTCAGTATCGGACCATCCATAGCAGTCATATCAACTCTATTAAGCTATTCGGTAATTCCTTTTGGCTATCACCTTGTTTTAACTGATCTAAATATTGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCAAATAATAAATATTCCTTTTTGGGTGGTTTACGAGCTGCTGCTCAATCGATTAGTTATGAAATACCATTAACTCTTTGTGTGTTATCCATATCTCTATTATCTAATAGTTCAAGTACAGTTGATATAGTTGAGGCACAATCAAAATCTGGTTTTTGGGGGTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGATTTATCATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAATGTGAGAGATTGCCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGTTATCAAACCGAATATTCGGGCATCAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGCGGTTGGAATATCTCTATTCCGTATATATTCGTTCCTGAGCTTTTTGAAATAAAAAAAATAGGCGGAGTCTTTGGAACAACAATTGGTATCTTTATTACATTGGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATCACAACAAGATGGACTTTACCTAGACTAAGAATGGACCAACTTTTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATTTCTCTCGGTAATCTATTATTAACAACCTCTTTCCAACTTCTTTCACTATAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327717.1\_77 [gene=ndhH] [locus\_tag=HebrCp114] [db\_xref=GeneID:10351958] [protein=NADH dehydrogenase subunit 7] [protein\_id=YP\_004327717.1] [location=complement(128088..129269)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTACCAGCTACACGAAAAGACCTTATGATAGTTAATATGGGCCCCCACCACCCATCAATGCATGGTGTTCTTCGCCTCATCGTTACTCTAGACGGGGAAGATGTTATTGACTGTGAACCAATATTAGGTTATTTACACAGAGGAATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGTTGGGATTATTTGGCTACTATGTTCACAGAAGCAATAACAGTAAATGGTCCAGAACTGTTAGGAAATATTCAAGTGCCTAAAAGAGCTGGCTATATCAGAATAATTATGTTGGAATTGAGTCGTATAGCTTCTCATTTGTTATGGCTTGGTCCCTTTATGGCAGATATTGGTGCACAGACTCCTTTCTTCTATATTTTTAGAGAAAGAGAGTTAGTATATGATTTATTCGAAGCTGCCACTGGTATGAGAATGATGCATAATTTTTTTCGTATCGGGGGAGTAGCGTCTGATCTACCTCATGGTTGGATAGATAAATGTTTGGATTTTTGCGATTATTTTTTAACAGGAGTTACTGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAGGGAGTAGGTATTGTTGGTACAGAGGAAGCAAAAAATTGGGGTTTATCGGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAGTACAATGGGATCTTCGTAAAGTTGATCATTATGAGTGTTACGACGAATTTGATTGGGAAATCCAGTGGCAAAAAGAAGGAGATTCCTTAGCTCGTTATTTAGTCCGAATTGGTGAAATGATGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTGGAAGGAATTCCGGGGGGGCCCTATGAGAATTTAGAAATCCGACGTTTTGATAGAGAAAGGGATTCGGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCATTAGTAAAAAAACTTCTCCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCCCCAAAAGGAGAATTGGGAATTTTTCTGATAGGAGATCAGAGCGGTTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGTCCGCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCTGAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCCGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327718.1\_78 [gene=rps15] [locus\_tag=HebrCp115] [db\_xref=GeneID:10351959] [protein=ribosomal protein S15] [protein\_id=YP\_004327718.1] [location=complement(129367..129639)] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATTCATTCATTTCAGTTATTTCACAAGAAGAAAAAGACGAAAACAAGGGATCTGTTGAATTTCAAATAGTAAGTTTCACTAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGCATAGAAAAGACTATTTATCTCAGAGAGGTTTGCGAAAAATTCTAGGAAAACGACAACGACTCCTGTCTTATTTAGCAAAGAAAAATAGAGTACGTTATAAAGAATTAATTATCCTGTTGGATATTCGGGAATCAAAAACTCGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327719.1\_79 [gene=ycf1] [locus\_tag=HebrCp116] [db\_xref=GeneID:10351960] [protein=hypothetical chloroplast RF1] [protein\_id=YP\_004327719.1] [location=complement(130080..135779)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTCAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGACCCTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAAAAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGATAAAAAAAATAAAGATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAAAGAAATGTCACAATATTTTTTTTATACATGTCGGAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTACGTATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAAATGATACAAAGAAAGATATCTCTGTTTACAACAGAAAAACTCTCCTCTGATGAATTGTATAATCGTTGGAATTATAAGAATGAACAAAAAAAGAAAATCCTAAATAATGAATTTATAAATAGAGTCCAGGCTCTAGATAAGGAATATCTTACTCTGAATACACTCGAAAAAAGGACTAGACTATGTAATGATAAAACTAAAAAAAAGTACTTACCTAAAATTTATGATCCCTTTTTGAGTGGGTCCTGCCGCGGGAAAATCCAATTTTTTTTTTCACCCTCACTCCTAAATAAAACTTCCATAAAAAATTCAATAGAGATGCTTTGGATAAATAAAATTCATCTTATTCTTCTTATTACTAATTATCAAGAATTTGAATCAAAAACAGATGGATTTAATAGAAAAGCATTTTCAATAGAAAATGCTTATTTCTTAAACTTAATTAATGAATTTGTTGGAAAATCAAGATCAAGTTTAAATTTTAAGGAACTTCCCTTATTTCCAGATCACAAAGAAGAAAAAATGTATTTAGAAAATCGAATAAAAATTTTAAAATTTTTATTTCATACAGTTATAGCGAATCCAAAAAATAAAACAATTATAAAAAATTCTACTGGAATAAAAGAAATAAGTAAACAAGTTCCTCGATGGTCATACAAATTAATTGACGATTTGGAACAACAAGAGGGAGAAAATGAAGAAAACATGTCGGAAGATTATGAAATTCGTTCACGAAAAGCCAAACGGGTAGTGATTTTTACTGATAATAAAAAAAATACAGATACTTATAATAATACCAAAGATACAACGAATTCTGATCAAATAGAAGAAGTGACTTTGATACATTATTCACAACAATCGGATTTTCGCCGAGACATAATAAAAGGATCCGTGCGCGCACAAAGACGCAAAATAGCTATTTGGGAACTGTTTCAAGCAAATGTGCATTCTCCTCTTTTTTTGGACAGAATAGACAAATCTCTTTTTTTTTCTTTTGATATTTCCGAACTGATAAAAACAATGTTTATAAATTGGATGTATAAAAACGCAGAATTCACAATTTCAAATACAAAGAAAAAAACAAAAGAAAGTAAGAAAAAAGAAGAGGACAAAAGAGAAGACAACAAAAGAGAGGAAAAAGCTCGGATAGAAATAGCCGAAGCCTGGGATAGCATTCTTTTTGCTCAAATAATAAGAAGTTGTGTTTTAGTAACCCAATCAATTCTTAGAAAATATATTATATTACCTTCATTAATAATAACTAAAAATATCATTCGTATACTTTTTTTTCAAACTCCCGAATGGTCCGAGGATTTAAAAGATTGGAGTAGAGAAATGCATGTTAAATGCACCTATAATGGAGTTCAATTATCAGAAAAAGAATTTCCGAAAAACTGGTTAATAGACGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTCTAAAACCTTGGTACAAATCTAAGTTAAAATTCTCTCATAAAGATCAAACGAAAATGAAAAAAAAAGTACAAAAAAATGATTTTTTTTTTTTAACAGTTTTGGGAATGGAAGCTGAACTTCCTTTTGGTTCTCCCCGAAAACGGCTTTCACTTTTTGAACCCATCTTTAAAAAACTCGAAAAAAAAATTAGAAAAATGCAAAAAAATGGTTTTCGAGTTATAACAATTTTAGAAGAAAGAAGAAAATTTTTTCTAAATTTCTTAAAAGAAAAAAAAAACTGGATCATCAAAAACATTTTTTTTCGAAAAGAAATAATAAACAACCTTTCAAAATCAAAAAGAAATCCAATTCTATTATCTGGATTTAGAGAAGTATATGAATTGAATGAACCTAAAAAAGAAAAAGATTCGATAATCAATAACAATAATGAGACGATTAAAAAATTATCCATCCCAATTCGATCTATGACTTGGACAAATTATTCACTGACAGAAAAAAAAATGAAAGATCTTTCTGCTAGAAGAAAGATAATCATAAATCAAATAGAAAAAATTACAAAAGAAAAGGAAAAAAAAATGAGAACCCCGGAAATAAATATTAGTCCTAACAAAAACAAAATAAGTTATAATGCTAAAAAATTAAAATCATCAAAAAATATTTCGCAGATAGTAAAAAGAAGAAATGTTCGATTAGCGCGTAAATTCCATTTTTTTATAAAAATTTTGATTGAAAAGATATACATAGATATCTTTTTAGGTATCATTAATATTCCAAGGATCAATGCACAGCTTTTTCTTAAATCAACAAAAAAAATTATTACTAAATACATTTACAATAATGAAGAAAATCAGAAAAAAATTGATAAAACAAATCAAAATACAATTCACTTTATTTCGATTATAAAAAAGTCACGTAATAGTAATAATAGTAATGTTGTTGTTATTAATAAAAATTCAAAGATTTTTTGTGACATATCCTCCTTGTCACAAGCTTATGTATTTTACAAATTATCACAAATCAAAATTATTAACTTATATAAGTTAAAATCTATCTTTGAATATCATAGCCTTTTTCTGAAGAATGAAATAAAGGATTTTTTTATAGCCCAAGGGCTATTTAATTCCGAATTAAAAAATAAAAATTTTAGAAATTCTGTAATGAATCAATGGAAAAATTGGTTAAGGAGTCATTATCAATATAAATACGATCTATCTCAGATTAGATGGTCTAGATTAACACCACAAAAATGGCGAAATATAATCAATCAACATCAACACCATATGGTTCAAAATAAAAAATTAAACAAATGGAATTTATATGAAAAAGACCGATTAATTCATTACAAAAAAAAAAATGATTTTGAGACAGATTCATTACCAAATCAAAAAGATAATTTTAAAAAACACTATAAATATAATCTTTTATCATATAAATCTATTAATTATGAAAATAAGAAGGACTCATATATTTATGGATCACCATTACAAGTAAATAATAAACAAGAGATTTCTTATAATTACAACACAAAAAAAAGCAAATTATTTGACATGTTGGAAGATATTTCTATCAATAATTATCTAGCGGAAGATGATATTATTGATATGGAGAAAAGCGCGGATAGAAAATATTTTGATTGGAGAATTCTCAATTTTTGTCTTAGAAAGAAGGTTGATATTGAGTCCTGGATCGATACCGGAAGCAAAGATAAAAAAAATACTAAGACTAGGACTAATAAGTATCAAATAATTGATAAAATTGATAAGAAAAATCTTTTTTTTCTTACAATTCACCAAGATCAAGAAGTTAATTCATCCAATCAAAAAGGTTTTTTTTTTGATTGGATGGGAATGAATGAAGAAATAAAAAATTGTCTTATATCCAATTTTGAACTTTGGTTCTTTCGAAAATTTGTGATACTTTACAACACATATAAGATAAAACCATGGGCGATACCCATCCAATTTCTTCTTTTCAATTTTCATAGAAATGAAAATGTTAGTAAAAATAATAAAATTAACCGGAAGAAAAATAGCGATCTTTTTATATCTATATCATCGAATGAAAAAAAAATTATTGAATTAGAGAATCAAAATCACGAAGAAAAAGAATCCGAAGACCAAGGGGACTTTGGGTCAGTTTTCGCAAATCAAGAAAAAGATATTGAAGAAGATTATATAGAATTAGATATGAAAAAACATAGAAATAAAAAGCAAAACAAAAGTCATATGGAAGTAGAACTTGATTTCTTCCTAAAACGGTATTTATGTTTTCAATTAAGATGGAATGGTTCTTTAAATCACAAAATAATCAATAATATCAAAGTATATTGTCTCCTGCTTAGACTGACAAATCCACGAGAAATTATTATATCTTCTATTCAAAGGCAAGAAATAAGTTTGAATATTCTGATGGTTCAGAAGGATTTAACTCTTACGGAATTAATGAAAAAGGGAATATTGATTATCGAACCTGTTCGTCTGTCGGTAAAAAATGATGGACAATTTATTTTGTATCAAATGGTAGGTATCCTATTAGTTCATAAGAACAAACAACAAATTAATCAAAAATACAGAGAAAATTTTTATGTTGATAAAAAGAATTTTACCGAATCTATTGAAAGACATCAAAGTATAATTGGAAATAGAAACAAAAATGATTATGATTTACTTGTTCCTGAAAATATTTTATCCCCTAAACGTCGTAGAGAATTAAGAATTCTTTTCAATTTAAAAAATCAAAATGATATTCATATAAATACAGAAATTTTCAATGGTAATAACATAAAAAATTGTAGTCCCATTTTAGATAAAAGCAAACATTTTGATAGAGATAAAAAGAAACTAATTAAATTACAATTTTTTCTTTGGCCCAATTTTCGATTAGAAGATTTAGCTTGTATGAATCGTTATTGGTTCGATACTAATAATGCTAGTCGGTTCAGTATGGTAAGAATATATATATATCCGCGGTTGAAATTTTGA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327720.1\_80 [gene=rps7] [locus\_tag=HebrCp128] [db\_xref=GeneID:10352016] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_004327720.1] [location=147271..147738] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCAGCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327721.1\_81 [gene=ndhB] [locus\_tag=HebrCp129] [db\_xref=GeneID:10351948] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_004327721.1] [location=join(148050..148826,149509..150264)] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTGTTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327722.1\_82 [gene=ycf2] [locus\_tag=HebrCp132] [db\_xref=GeneID:10352018] [protein=hypothetical chloroplast RF2] [protein\_id=YP\_004327722.1] [location=complement(151983..158894)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTTGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGTAACATATCGAGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTTATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGGTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCTAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATAACAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAATGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACGGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTTTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTTAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAACACACCCTGTTTAGTAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGTGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAATAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATATGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327723.1\_83 [gene=rpl23] [locus\_tag=HebrCp134] [db\_xref=GeneID:10352020] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_004327723.1] [location=159222..159503] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGTGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_015308.1\_cds\_YP\_004327724.1\_84 [gene=rpl2] [locus\_tag=HebrCp135] [db\_xref=GeneID:10351946] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_004327724.1] [location=join(159522..159920,160594..161028)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGCGAAATCCAATACACGAAATACACGAAAGAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGACATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCGTTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCAGCCACATTAAAATTACCTTCGGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAATTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

**3. *Jatropha curcas***

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720093.1\_1 [gene=psbA] [locus\_tag=JacuC\_p001] [db\_xref=GeneID:7564824] [protein=photosystem II protein D1] [protein\_id=YP\_002720093.1] [location=complement(499..1560)] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCCTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCTACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCATTGCTGCACCTCCGGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGGTCTCTACTTTATGGAAACAATATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCGGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCATCCGTTGATGAATGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACATTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGTCGTGAGTGGGAACTTAGTTTCCGTCTGGGTATGCGCCCTTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTACTGCTGTTTTCTTGATCTATCCAATTGGTCAAGGAAGCTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCTGAGCACAACATCCTTATGCACCCATTTCACATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGTTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACCTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCCGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAATTCTCGTTCTTTACATTTCTTCTTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACCTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCCGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATTAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTATTGAAGCTCCATCTACAAATGGATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720094.1\_2 [gene=matK] [locus\_tag=JacuC\_p002] [db\_xref=GeneID:7564826] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_002720094.1] [location=complement(2287..3816)] [gbkey=CDS]

ATGTGGAAATATCAAAGATATTTAGAACTAGATGGATCTCGAAAAAATGACCTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATATATTTGCTCATGATCATAGTTTAAATAGATCGATTTTGTTGGAAAATGTAGGTTATGACAATAAATCTAGTTTCTTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATGTATCAACAGAATCGTTTGGTTTTTTTTTCTTTTTCTGCTAATGATTCTAACCAAAATTCATTTTTTAAGTACAACAAGAATTTGTATTATCAAATGATATCAGAGAGCTTTGCAGTTATTGTGGAAATTCCATTTTCTCTACGGTTAGTATCTTCTTTAGAAAGGTCGGAGATAGTTAAATCTCATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTTTTAGAGGACAAATTTCCACATTTAATTTATGTGTCAGATGTATTAATACCTTACCCCATCCATATAGAAAAATTAGTCCAAACCCTTCGCTATTGGATGAAAGATCCCTCTTCTTTGCATTTATTACGACTCTTTCTTCATGAATATTGGAATAGGAACAGTCTTATTATTCAAAAGGGATCTATTTCTATTTTTACAAAAAGTAATCCAAGATTTTTCTTGTTCCTATATAATTCTCATGTATATGAATACGAATCAATCCTCTTTTTTCTTCGTAACCAATCCTTTCATTTACGATCAACATTTTCTCGAGTCCTTCTTGAACGAATTTATTTCTATGGAAAAATAGAACATTTTGCAGAAGTCTTTGCTAATGATTTTCAGACTATCCTATGGTTGGTCAAGTATCCTTTCATGCATTATGTTAGATATCAAGGAAAATCCATTCTGGCTTCAAAAGATGGGCCTCTTCTGATGAAAAAATGGAAATATTACCTTGTCAATTTATGTCAATGTCATTTTTATGTGTGGTTTCAACCAGAAAAGATCTATATAAATTCATTATCCAAGCATTCTCTCAACCTTTTGGGCTATCTTTCAAATGTAAAATTAAATCCTTCGGTCGTACGAAGTCAAATGCTAGAAAATTCATTTCTAATAGATAAAGATAATACTATGAAGAAACTCGATACAATAGTTCCAATTATTCCTTTGATTGGATCATTGTCAAAAACGAAATTTTGTAAGGCAGTAGGACATCCCATTAGTAAACCGGTCCGGACTGATTCATCGGATTCTGATATTATCGACCGATTTGTGTGTATATGCAGAAATCTTTCTCATTATTATAGTGGATCTTCAATAAAAAAGAGTTTGTATCGAGTAAAATATATACTTCGACTTTCTTGTGTTAAAACTTTGATTCGTAAACACAAAAGTACTGTACGCGCTTTTTTGAAAAGATTGGGTTCGGAATTATTAGAAGAATTTTTTACAGAAGAAGAACAAACTCTTTCTTTGATCTTCCCGAGAGTTTCCTCTATTTCGCGCAGGTTATATAGGGGGCGGGTTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTGGCCAATCATGAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720095.1\_3 [gene=psbK] [locus\_tag=JacuC\_p003] [db\_xref=GeneID:7564828] [protein=photosystem II protein K] [protein\_id=YP\_002720095.1] [location=6684..6878] [gbkey=CDS]

ATGTTTGTTATGCTTAATATTTTTAGTTTAATTTGCATCTGTCTTAATTCTGCCCTTTATTCAAGCAATTTTTTCTTCACAAAATTGCCCGAGGCCTATGCCTTTTTGAATCCAATCGTAGATTTTATGCCAGTAATCCCTGTACTCTTTTTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720096.1\_4 [gene=psbI] [locus\_tag=JacuC\_p004] [db\_xref=GeneID:7564829] [protein=photosystem II protein I] [protein\_id=YP\_002720096.1] [location=7299..7409] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTCAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTGATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATCTTTGGATTTTTATCTAATGATCCAGGACGAAATCCTGGACGTGAAGAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720097.1\_5 [gene=atpA] [locus\_tag=JacuC\_p005] [db\_xref=GeneID:7564833] [protein=ATP synthase CF1 alpha subunit] [protein\_id=YP\_002720097.1] [location=complement(11147..12670)] [gbkey=CDS]

ATGGTAACTATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATCCGCGAACGTATTGAACAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACCGGTACTGTACTTCAAGTAGGCGACGGTATTGCTCGTATTCATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGGGAATTAGTAGAGTTTGAAGAGGGTACAATAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTTGTATTAATGGGTGACGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGCTCCGTAAAAGCAACAGGAAGAATTGCTCAGATACCGGTGAGTGAGGCTTATTTGGGTCGTGTTATAAATGCTTTGGCTAAACCTATTGACGGTCGAGGTGAAATTTCCGCTTCTGAATCTCGGTTAATTGAATCTCCTGCTCCAGGGATTATTTCTAGACGTTCCGTATATGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCGATGATTCCTATAGGACGCGGTCAACGAGAATTAATTATTGGGGATAGACAGACCGGTAAAACAGCAGTAGCCACAGATACAATTCTCAATCAACAAGGACAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAGGTAGTGACTACTTTACAGGAAAGAGGAGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACAGCGGATTCCCCGGCTACATTACAATATCTCGCTCCTTATACAGGAGCAGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGGGAACGACACACTTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCTCTTCTATTACGAAGACCACCGGGTCGTGAAGCTTATCCAGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCCGCTAAATCAAGTTCTCGTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTTGAGACCCAATCAGGAGACGTTTCGGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGATGGACAAATATTCTTATCCGCCGATCTATTCAATGCTGGAATCAGACCCGCTATTAATGTGGGTATTTCCGTTTCCAGAGTAGGATCTGCGGCTCAAATTAAAGCTATGAAACAGGTAGCTGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCACAATTCGCAGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCTGATCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGATTACGCGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCCGCTCCTCTCACAGTGGAGGAACAGATAATGACTATTTATGCCGGAACGACGGGTTATCTTGATTCATTAGAAGTTGGACAAATAAAGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACTTACTTAAAAACGAATAAACCTGAGTTCCGAGAAATAATATCTTCTACTAAAACATTCACCGAAGAAGCAGAAAGCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAACTGAAGGAGCGTTTTCTTCTTCAGGAACAAGTATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720098.1\_6 [gene=atpF] [locus\_tag=JacuC\_p006] [db\_xref=GeneID:7564834] [protein=ATP synthase CF0 B subunit] [protein\_id=YP\_002720098.1] [location=complement(join(12729..13082,13808..13966))] [gbkey=CDS]

ATGAAAAACGTAACCGATTCTTTCGTTTCCTTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGGTTTAATACCGATATTTTAGCAACAAATCCAATAAATCTAAGTGTAGTCCTTGGTGTATTAATTTTTTTTGGAAAGGGGGTGTGTGCGAGTTGTTTAGATAATCGAAAACAAAGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAGAACTACGTGAGGGGGCCATTGAACGGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCAGATCAGTTTCGAATGAATGGATACTCTGAGATAGAACGAGAAAAATCGAATTTGATTAATTCAACTTCTAAGACTTTAGAACAATTAGAAAATTACAAAAACGAAACCATTCATTTTGAACAACAAAGAACGATTAATCAAGTCCGACAACGGGTTTTCCAACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTCTTTGACCAACGAGTTACATTTACGTACCATCAATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720099.1\_7 [gene=atpH] [locus\_tag=JacuC\_p007] [db\_xref=GeneID:7564835] [protein=ATP synthase CF0 C subunit] [protein\_id=YP\_002720099.1] [location=complement(14657..14902)] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCCGTTATTGCTGCTGGGTTGGCTGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGCCAAGCTGTAGAAGGTATCGCAAGACAACCCGAGGCGGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACAATTTATGGACTGGTTGTAGCATTAGCACTTTTATTTGCGAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720100.1\_8 [gene=atpI] [locus\_tag=JacuC\_p008] [db\_xref=GeneID:7564836] [protein=ATP synthase CF0 A subunit] [protein\_id=YP\_002720100.1] [location=complement(16131..16874)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTTCTATCATGTTCCATAAACACACTAAAAGGGTTATATGATATATCCGGTGTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATAGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAAGTACTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTACTATCTTATTAGGTTCAGCCATTGTAGCTGTTCGGAATCCACAAACCATTCCGACTGGCGGGCAGAATTTCTTCGAATATGTCCTTGAATTCATTCGGGATGTGAGCAAAACTCAGATTGGAGAGGAATATGGCTCATGGGTCCCCTTTATTGGAACTATGTTTTTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCTGGGGCGCTTTTGCCTTGGAAGATCATAGAGTTACCTCATGGGGAGTTAGCCGCACCTACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCATATTTTTATGCGGGCCTTAGGAAAAAAGGATTAGGTTATTTCAGCAAATACATTCAGCCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCACTTAGCTTTCGACTTTTCGGAAATATATTAGCGGACGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTCAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGCGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCCGCGGCTTATATAGGCGAATCCATGGAGGGGCATCATTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720101.1\_9 [gene=rps2] [locus\_tag=JacuC\_p009] [db\_xref=GeneID:7564837] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_002720101.1] [location=complement(17086..17796)] [gbkey=CDS]

ATGATAAGAAGATATTGGAACATTAATTTGGAAGAGATGATAAAAGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAATCCGAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAGCGTAAAGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAGTTTTTGATGCAGCAAGCAGGAGAAAACAATTCTTAATTGTTGGTACAAAAAATAAAGCAGCGGATTCAGTAGCGCGGGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTTGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCAGGGACTTGAGAATGGAACAAAAGGCAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGATGCGGCTCGATTGAAGAGACAGTTAGCTCACTTGCAAACATATCTGGGCGGGATTAAATATATGACGGGGTTACCGGATGTTGTAATAATCGTTGATCAGCAAGAGGAACATACGGCTCTTCGGGAATGTATCACTTTGGGAATTCCAACGATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGATCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAGCGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGATTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAAGGGCGTTCTAGCTATATACGAAATCCCTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720102.1\_10 [gene=rpoC2] [locus\_tag=JacuC\_p010] [db\_xref=GeneID:7564838] [protein=RNA polymerase beta'' subunit] [protein\_id=YP\_002720102.1] [location=complement(18069..22253)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTGCTTATGGTCGAACGGGCCAGTCTGGTCTTTCACAATAAAGTGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCACACATCCTGGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACTGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTCCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACATTATCATTATGGAAATGTACACGTGGTAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGGTATGGTATGCTACAAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAATCTTAATTTTAGGATGACGGAACCCTTTAATCCAGTTCATATAATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATGCATCTCAAGTACACCAATTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTACGTGAAGGACTGTCTTTAACAGAATATATCATTTCTTGCTATGGAGCCCGAAAAGGGGTTGTCGATACTGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACACGTAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACATATTGTTGTGCGTAGAACAGATTGTGGCACCACCCGAGGGATCTCCGTGAGTCCTCGAAATGGGACGATGTCGGAAAGGATTTTTATTCAAACATTAATTGGTCGTGTATTAGCAGACAATATATATATGGGTTTACGATGCATTGCCGTTCAAAATCAAGATATTGGGATTGGACTTGCCAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATCTATTCGAACTCCCTTTACTTGTAGGAGTATGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGTCGGAGTCCTACTCATGGCGATCTAGTGGAATTGGGAGAAGCCGTAGGTATTATTGCAGGTCAATCCATTGGAGAGCCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACGTTTCATACCGGCGGAGTATTCACAGGGGGTACTGCAGAACATGTGCGAGCCCCCTCTAATGGAAAAATCAAATTTAATGAGGATTTTGTTCATCCCATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCTTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTGAGAGTCAAGATATTATACATAACGTGACTATTCCACCAAAAAGTTTCCTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTGATTGCTGAAATTCGGGCGGGAACATACACTTTGAATTTTAAAGAGAAGGTTCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTTCTGATGTATACCACGCACCTGAATTTACATATAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGCCATTTATGGATATTATCGGGAAGTTCGTGCAGATCCAGTATAGTTCCTTTTTCACTACACAAGGATCAAGATCAAATGAACGTTCATTCTATTTCTGTCAAAAGAAGATATATTTCTAGTCTTTCTGTAAATAATGATCAAGTTAAACACAAATTCATTAGTTCAGATTTTTCGGGTAAAAAAGAAAGTAAGATTCCTGATTATTCAGAACTTAATCGAATCATATGTACTGGTCATTGTAATCTCATATATTCTGCTATTCTCTACGAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATCATCCCATTCCAATCAATTCAAGAACGAGAGAAAGAACTAATGACCCACTCCGCTATCTCGATTGAAATACCTAGAAATGGTATTTTCCGTAGAAATAGTGTTTTTGCTTATTTCGACGATCCCCAATACCGAAGAAAGAGTTCAGGAATTACTAAATCAGGAATTACTAAATATGGGACTATAGGAGTGCATTCAATCGTCAAAAAAGAGGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAATGAAAGTGGATCGCTTTTTTTTCATTCCCGAGGAAGTGTATATTTTCCCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGAACAATAGTATCATTGGAGTAGATACACAAATTGCTTTAAATACAAGAAGTCGAGTGGGCGGGTTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAAAAAAAAAAATGGAACTTAAAATCTTTTCTGGAGATATCCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAGATATCCCGACACAGCGGTATCTTGATACCACCAGGAACGGTAAAAACAAATTCTAAGGAATCAAAAAAAGTGAAAAATTGGATCTATATCCAACGAATCACATCCGCCAAGAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACCAGTAATCATATATGAGATAGCGGACGGTATAAATTTAGAAACACTTTTCCCCCAGGATCTATTGCAGGAAAAAGAGAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTATGGAAATGGTAAACTAATTCGGGGAATTTCTGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGACAAAAAAAGTTCTTCTATCGAAGAGGCTCGCGCTTCTTTTGTTGAAGTAAGCACAAACGGTCTAATTTGTGATTTCCTAAGAATCAACCTAGCGAAATCCCATATTTCATATATCAGTAGAAAAAGGAATGATCCATCAGGTTCAGGACCGATCTCTAATAATGAGTCAGATCGAACCAATATTAATCCATTTTATCCCATTTATTCCAAGACAAGGATTCAACAATCACTTAAACAAAATCAAGGAACTATTAGTACGTTGTTGAATAGAAATAAGGAATGTCAATCTTTGATAATTTTGTCATCATCTAATTGTTTTCGAATGGATCCATTCAGCGATGCAAAACATCACAATGTAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCCTATACCTATAATTCCAATTAGAAATTCATTGGGCCCTGTAGGAACAGCCCTTCCAATTGCGAATTTTTATTTATTTTACCTAATATTAATAACTCATAATCAGGTCTCGTTAACTAAATATTGGAAACTTGACAATTTAAAACAGACTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGACGAAAACGGGAGAATTGTTAATCCTGATTCATGCAGTAACAGCGTTTTGAATCCATTCAATTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATTATCATAATTTTTGTGAAGAAAGATTTACAACAATTAGCCTGGGACAGTTTATTTGTGAAAATGTATGTATGGCCAAAAACGGACCCCATCTAAAATCGGGTCAAGTTATAATTGTTCGCATGGACTCGGTAGTAATACGATCAGCAAAGCCCTATTTGGCCGCTCCAGGAGCAACCGTTCATGGCCATTATGGAGAAATCTTTTACGAAGGAGATACATTAGTTACATTTTTATATGAAAAATCGAGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTGGAACAAGTGTTAGAAGTGCGCTCAATTGATTCAATATCGATAAGCCTAGAAAAGAGAGTTGAGGGTTGGAACGAGTGTATAACAAGAATTCTTGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTGCTGAACTAACTATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTGGTTAATAAGATTCAAAAGGTTTATCGATCCCAAGGAGTGCAGATACATAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGTCAAATAACATCCAAAGTTTTGGTTTCAGAAGACGGAATGTCAAATGTTTTTTCACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTGCGAGCGGAACGAACGGGACGCGCTTTAGAAGAAGCCATCTGTTATCGAGCCATATTATTAGGAATAACGAGAGCATCTCTGAATACTCAAAGTTTCATATCCGAGGCCAGTTTTCAAGAAACTGCTCGCGTTTTAGCAAAAGCCGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTGAAAGAAAACGTTGTTCTAGGTGGTATGATACCCGGTGGTACCGGATTCAAAGGATTAGTGCAAGGCTCAAGGCAACATAATAACATTCCTTTGAAAACCAAAAAGAAGAATTTATTCGAGGGGGAATTTAGAGATAGAGATATTTTATTCCACCACAGAGAGTTATTTGATTCTTGCATTTCAAAAAATTTCTATGATACAGCAAAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720103.1\_11 [gene=rpoC1] [locus\_tag=JacuC\_p011] [db\_xref=GeneID:7564839] [protein=RNA polymerase beta' subunit] [protein\_id=YP\_002720103.1] [location=complement(join(22413..24023,24804..25235))] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATCAGTTTCGCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAATCCTACCTAACGGAGAGATTGTTGGAGAGGTGACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGATTATTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCTATAAAAAGTGGAATTTGTGCTTGTGGAAATTATCGAGTAATCAGAAATGAAAAAGAAGACCCAAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAGTTTGTTGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTGGCATGCCCAGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCAAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAGGGCCTAGTATACTGCGATTTTTCTTTTGCTAGGCCCATAGCTAAAAAACCCACTTTTTTACGATTACGAGGTTCATTCGAATATGAAATCCAATCTTGGAAATACAGTATTCCACTTTTTTTTACTACCCAAGGCTTCGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATCCGAGAACAATTAGCCGATCTGGATTTGCGAATTATTATAGATTATTCATCGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCTACAGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTAGACGCGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATAGAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCGGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCAATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTAATGAGTTCAGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACGCCAGGGGAATTAGTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCTATGAGGGACGGTCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCGGATGTAATTGAAGGCAAAGAAGGAAGATTTCGTGAGACTATGCTTGGCAAACGGGTTGATTATTCGGGGCGTTCTGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAAATAGCAATAGAGCTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGGCAACATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAACCAATTGTATGGGAAATACTTCAAGAAGTTATGCAGGGACATCCGGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTCTGCATAGATTAGGCATACAGGCGTTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGTGCTATTTGTTTACATCCATTGGTTTGTAAGGGATTCAATGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCTTTATCGTTGGAGGCTCAAACAGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTCTTGTCTCCAGCTATTGGAGATCCCATCTCCGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGGCTCTATGTATTAACAAGCGGGAATCGTCGAGGTATTTGTGCAAATAGGTATAATCCATGTAATCGCAGAAATTCTCAAAATGAAAGAATTGACGATAATAACAATAAATATACGAAAGAACCTTTTTTTTCTAATTCTTATGATGCAATTGGCGCTTTTCGGCGGAAAAGAATCAATTTAGATAGCCCTTTGTGGCTCCGGTGGCAACTAGATCAACGCGCTATTGTTTCAAGAGAAGCTCCCCTCGAAGTTCACTATGAATCTTTAGGTACCTATCATGAGATTTATGAACACTATCTAATAGTAAGAAATATAAAAAAAGAAATTATTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTTTTTATCGAGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGTCAAGCCTGCTCAGATGGTATCTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720104.1\_12 [gene=rpoB] [locus\_tag=JacuC\_p012] [db\_xref=GeneID:7564840] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_002720104.1] [location=complement(25275..28493)] [gbkey=CDS]

ATGCTCGGGGATGGAAATGAGGGACTGTCTACAATACCTGGATTAAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGCGGGTTCATTGATCAGGGCTTAACAGAAGAACTTTATAAGTTTCCAAAAATGGAAGATACAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTAGTAGAGCCATTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCACTTACATATTCTTCTGAATTATATGTATCTGCGGGATTAATTTGGAAAACCAGTAGGGATATGCAAGAACAAACAATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTGGGAACTTTTATAATAAATGGAATATACAGAATTGTGATCAATCAAATATTGCAAAGTCCCGGTATCTATTACCGGTCAGAATTGGATCATAACGGAATCCCGGTCTATACCGGCACCATAATATCAGATTGGGGGGGAAGAGTAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCTCGTGTGAGTAGGAAACAGAAGATATCTATTCTAGTTTTATCATCAGCTATGGGTTTGAATCTAAGAGAAATTTTAGAGAATGTGTGCTGCCCTGAAATTTTCTTATCTTTTCTGAATCTGAATGATAAGGGAAAAAAAAAAATGGGGTCAAAGGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCAGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGGATTGGTCGATTAAATATGAACCGGAGACTGAATCTTGATATACCTCATAACAATACATTTTTGTTACCACGAGATATATTGGCAGCTGCGGATCATTTGATTGGAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCTGTAGCGGATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTGATTCGTTTAGAAAACGTGGTTAGAGGGACTATATGGGGAGCAATTAGGCATAAATTGATACCGACCCCTCAAAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACTACTTATGAATCTTTTTTCGGATTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATCGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTAACGGGACGAACTGCTAGTTTTCGAATACGAGATATCCACCCTAGTCACTATGGGCGCATTTGCCCAATTGACACGTCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGGTCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGGTTATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGGAATCTCTGAGGGATCAAAAAAAGCACGGATGCTTTATTTATCACCAAATAGAGAGGAATACTATAGGGTAGCGGCAGGAAATTCTTTGGCGCTGAATCGAGGTGTTCAGGAAGAACAGGTTGCTCCAGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACAGGTGCATCTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCTAATATGCAACGTCAGGCAGTTCCACTTTCTCGATCCGAAAAATGCATTGTTGGAACTGGATTGGAACGCCAAGTTTCTCTAGATTCAGGGGTTCCTGCTATAGCCGAACACGAGGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAAATCATTTTATCGGGTAATGGAGATACTCTACGCATTCCATTAGTTATGTATCAACGTTCCAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAAACCCAGGTTCAGCGGGGTAAATGCATTAAAAAGGGACAAGTTTTAGCGGATGGTGCCGCTACAGTTGGTGGCGAACTCGCCTTGGGCAAAAACGTATTAGTAGCTTATATGCCATGGGAGGGTTACAATTTTGAGGATGCGGTGCTCATTAGCGAACGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGGAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGCCAAGGACCTGAAAAGATCACTAATGAAATACCGCATCTAGAAGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAATGGAATTGTGATCCTAGGATCTTGGGTGGAGACGGGCGATATTTTAGTAGGTAAATTAAGGCCTCAAATGGCGAAAGAATCATCGTATGCTCCAGAAGATAGATTATTAAGAGCTATACTTGGTATTCAGGTATCGACTTCAAAGGAAACTTGTCTAAAACTACCTATAGGTGGTAGGGGTCGAGTTATTGATGTGAGATGGATCCAGAAAAAGGGGGGTTCCAGTTATAATCCGGAAACGATTCGTGTCTATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTAGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCCAAAATTTTGCCTAGACAGGATATGCCTTATTTGCAAGATGGAAGACCTGTTGATATGGTCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAGCGGGGGGTCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCGAGAAAACTAGTGTTTTCGGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAGTATCCGGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACGGGGGATCCTTTTGAACAGCCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGGGGACAACGGGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAGGGATTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAGATGCTTACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTACTTGGTACTACGATCATTGGGGGAACAATACCTAAACCTGAAGATGCTCCAGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTGGAACTGGATCATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATTAATAGGAAGGAAGTTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720105.1\_13 [gene=petN] [locus\_tag=JacuC\_p013] [db\_xref=GeneID:7564842] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VIII] [protein\_id=YP\_002720105.1] [location=30761..30850] [gbkey=CDS]

ATGGATATAGTAAGTCTCGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCACTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTCTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720106.1\_14 [gene=psbM] [locus\_tag=JacuC\_p014] [db\_xref=GeneID:7564843] [protein=photosystem II protein M] [protein\_id=YP\_002720106.1] [location=complement(32146..32250)] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCATTTATTGCTACTGCACTGTTCATTCTAGTTCCTACCGCTTTTTTACTTATAATATACGTAAAAACAGTTAGTCAAGGCGATTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720107.1\_15 [gene=psbD] [locus\_tag=JacuC\_p015] [db\_xref=GeneID:7564848] [protein=photosystem II protein D2] [protein\_id=YP\_002720107.1] [location=37203..38264] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGCGCCTATTTCGCCTTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCATGGATTGGCTAGTTCCTATTTGGAAGGCTGCAACTTCTTAACCGCTGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCGCATTCTTTGTTATTACTATGGGGTCCCGAAGCACAAGGGGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGCGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTCCACGGTGCTTTCGGACTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCCGTGCAATTGCGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGGTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCGCCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGGGTTGCCGGCGTATTAGGTGCTGCTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACTGTAGAAAATACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCAAATACATTCCGTGCTTTTAACCCAACTCAAGCCGAAGAAACTTATTCAATGGTTACCGCTAACCGCTTTTGGTCCCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACCGGTTTATGGATGAGTGCTCTTGGAGTAGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAGATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACTAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720108.1\_16 [gene=psbC] [locus\_tag=JacuC\_p016] [db\_xref=GeneID:7564849] [protein=photosystem II 44 kDa protein] [protein\_id=YP\_002720108.1] [location=38212..39633] [gbkey=CDS]

ATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACTACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGGAATGCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAAACTACTGGGAGCTCATGTAGCTCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTCGTACCGGAGAAACCAATGTATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCATACTTTGTATCTGGCGTACTTCACTTAATTTCCTCTGCAGTATTGGGCTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGACTCTTGAAGAATCTTTTCCATTTTTTGGTTATGTATGGAAAGATAGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGCGTATATGATACCTGGGCTCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTTGGTTATTTACTAAAATCCCCCTTTGGAGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGAGGGCATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGGGGAATCTGGCATATCTTAACCAAACCCTTTGCATGGGCTCGCCGTGCACTTGTATGGTCCGGAGAGGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACCGCTTATCCTAGTGAGTTTTACGGGCCTACTGGACCGGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTCTAGTTAGAGATCAACGTCTTGGGGCTAACGTGGGATCCGCTCAAGGACCTACCGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCGCCTACTGGAGAAGTTATTTTTGGAGGAGAAACTATGCGTTTTTGGGATCTACGTGCTCCTTGGTTAGAACCTCTAAGAGGTCCAAATGGTTTGGACTTGAGTAGGTTGAAAAAAGACATACAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCGCCTTTAGGTTCGTTGAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAGATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGGTTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCACGCGGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTTTCCATGACTCCTCTTAACTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720109.1\_17 [gene=psbZ] [locus\_tag=JacuC\_p017] [db\_xref=GeneID:7564851] [protein=psbZ] [protein\_id=YP\_002720109.1] [location=40333..40521] [gbkey=CDS]

ATGATTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGCTACTTCATCAATCTTACTGATTAGTGTACCCGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGTTGGTCAAGTAACAAAAATGTTGTATTTTCTGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTTTTTCTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCTTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720110.1\_18 [gene=rps14] [locus\_tag=JacuC\_p018] [db\_xref=GeneID:7564854] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_002720110.1] [location=complement(41894..42196)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGGAAAAGTTTGATTCAGCGGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATTCGTCGATCCTCAAAAAAAGAAATAAGCGAAGTTCTATCGTTGAGTGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGAAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTCGACTGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTATCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTACCGGGGGTAACAAGATCAAGTTGGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720111.1\_19 [gene=psaB] [locus\_tag=JacuC\_p019] [db\_xref=GeneID:7564855] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A2] [protein\_id=YP\_002720111.1] [location=complement(42314..44518)] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCACATGACTTCGAGAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGGCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCCCACTTCGGACAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACACGTAAGACCTATTGCTCATGCAATTTGGGATCCTCATTTTGGCCAACCGGCCGTGGAAGCTTTTACTCGAGGGGGCGCCCCTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATCGGTTTACGTACTAACGAAGATCTTTATATTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTATTAGGGGGTTGGTTACACCTACAACCGAAATGGAAACCGAGCGTTTCGTGGTTCAAAAACGCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCGGGACTATTCGGAGTAAGCTCTTTAGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCTATTCCTGGTTCCAGGGGCGAATACGTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTACCCCATCCCCAAGGATTAGGCCCCCTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCAGGTAGTCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGATCAGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCATTTCTTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCACAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCTCCCGGGGGGCGATTGGGGAGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGCCTTGCTCTAGCTTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTAGTAGCTCAACACATGTACTCATTACCTGCTTATGCATTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCCGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAACGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCTAGCCTCTTTCTGGGATTCCATACTTTGGGACTTTATGTTCATAATGATGTTATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTGATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGTAAAACTTCATATGGATTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTGCAGCCTTCAATGCAGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGCTGGTTAAATGCTGTTAATGAAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGGCCTGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGTTTACATACAACCACATTAATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCGAAGTTAATGCCAGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGCGATGGTCCGGGACGCGGTGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAACCCTTTCGGTATGAATAGCTTATCGGTCTGGGCGTGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGTGGATATTGGCAGGAATTGATTGAAACTTTAGCGTGGGCTCATGAACGTACGCCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720112.1\_20 [gene=psaA] [locus\_tag=JacuC\_p020] [db\_xref=GeneID:7564856] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1] [protein\_id=YP\_002720112.1] [location=complement(44544..46796)] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTCAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCATCAAAACTTCTTTCGAGGAATGGGCCAGACCCGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAGGGACCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTACATGCTGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAGTGATTTGGAGGAGATTTCTCGAAAAGTATTTAGTGCTCATTTCGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGCATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAAGTGATCCTACTCACATTGGACCTAGCGCCCAAGTGGTTTGGCCGATAGTGGGTCAAGAAATATTGAATGGTGATGTGGGGGGGGGGTTCCGAGGAATACAAATAACCTCCGGTTTTTTTCAGCTTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACTGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAACTTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCTCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCTATGTTGAATCACCATTTAGCGGGACTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGACATCAAGTACATGTATCTTTACCAATTAACCAATTTCTAAACGCTGGGGTGGATCCTAAGGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACCTTGAATTGGTCAAAATATTCGGAATTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTGACTGGGGGTCTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAAGACTAACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTTACAGGTCAGGGCCATAAGGGCCTATATGAGATCCTAACAACGTCATGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTAGCTATGTTAGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCCCCTTATCCATATTTAGCTACTGACTATGGTACACAACTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTTCTCATAGTTGGTGCTGCTGCACATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTTCTTAGGCATCGCGATGCAATCATATCACATCTCAACTGGGTATGTATTTTTTTAGGTTTTCATAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGCGCTTTAGGGCGCCCTCAAGATATGTTTTCCGATACTGCTATACAATTACAACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATGCTTTAGCACCTGGTGCAACGGCTCCTGGTGCAACAGCAAGCACCAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGTGGCAAGGTTGCTTTGTTACCAATTCCATTAGGAACCGCAGATTTTTTGGTACATCACATTCATGCATTTACGATTCATGTGACGGTATTGATACTTCTGAAAGGAGTTCTATTTGCCCGTAGCTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGTGATGGGCCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGGTTATTTTGGATGTACAATTCCATTTCGGTTGTAATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTTGCACAGAGTTCCATTACTATTAATGGATGGCTCCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTTTTTTTCCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGTGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720113.1\_21 [gene=ycf3] [locus\_tag=JacuC\_p021] [db\_xref=GeneID:7564857] [protein=photosystem I assembly protein Ycf3] [protein\_id=YP\_002720113.1] [location=complement(join(47666..47815,48502..48729,49421..49549))] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCCCGGACAACTGGAAATTTTATTGATAAGACCTTTTCAATTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCAACAACTTCGGGAGAAAAAGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGTGTGATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTTTGCGGCTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAATGGAGAACACACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCCTTCTTACCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAAGCTTGGTTCGATCAAGCCGCGGAGTATTGGAAACAAGCTATAGCGCTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTGAAGATCACAAGGCGTTTCGAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720114.1\_22 [gene=rps4] [locus\_tag=JacuC\_p022] [db\_xref=GeneID:7564859] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_002720114.1] [location=complement(50193..50798)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACGCCGTCTCGGGGCTTTACCGGGACTAACTAGTAAAAGGCCTAGAGCCGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAGCAAAAATTACGTTTTCATTATGGTCTTACAGAACGACAATTGCTTAAATACGTTCGTATCGCCGCAAAAGCCAAAGGGTCAACGGGTCAGGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGGTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATAGCGTCAACTATTCCTCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGCCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATGTTATTACAGTGAGGGATGAACAAAAATCTAGAGCTATGATTCCAAATTATCTTGATTCATCCCCCCAAGAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCACCCAATCCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGGTGGCTTAAAAATAAATGAATTGCTAGTGGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720115.1\_23 [gene=ndhJ] [locus\_tag=JacuC\_p023] [db\_xref=GeneID:7564863] [protein=NADH dehydrogenase subunit J] [protein\_id=YP\_002720115.1] [location=complement(53707..54183)] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCGTTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACATGGGCTAGTTCATAGATCTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGAAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTGCGTTCGCAATGTGCCTATGATGTAGCACCGGGCGGGCTGTTAGCTAGTGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGGTATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAAGTATTTGCCCCAAGGAAGAATCCTAGAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCAAGAAAGGGAATCTTATGATATGCTGGGAATCTTTTATGATAATCATCCGCGTCTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGGTAGGGTGGCCCTTACGTAAAGATTATATTGCTCCCAATTTTTATGAAATACAAGACGCTCATTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720116.1\_24 [gene=ndhK] [locus\_tag=JacuC\_p024] [db\_xref=GeneID:7564864] [protein=NADH dehydrogenase subunit K] [protein\_id=YP\_002720116.1] [location=complement(54312..54989)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCCATTGAGTTTCCTTTACTTGATCAAACAACTAAAATTTCAGTTATTTCAACTACATCAAATGATCTTTCAAATTGGTCAAGACTCTCCAGTTTATGGCCACTTCTCTATGGTACCAGTTGTTGCTTCATTGAATTTGCTTCGTTAATAGGCTCACGATTCGACTTTGATCGTTATGGACTAGTACCAAGATCTAGTCCTAGACAAGCGGACCTGATTTTAACAGCCGGCACAGTAACCATGAAAATGGCTCCCTCTTTAGTGAGATTATATGAACAAATGCCAGAACCAAAATATGTTATTGCTATGGGGGCATGTACAATTACAGGGGGGATGTTCAGTACCGATTCTTATAGTACTGTTCGGGGAGTCGATAAGCTAATTCCTGTAGATGTCTATTTGCCAGGCTGTCCACCTAAACCGGAGGCGGTTATAGATGCTATAACAAAACTTCGTAAAAAAATATCTCGAGAAATTTATGAAGATCGAATTAGGTCTCAACCGGGGAATCGGTGTTTTACTACCAATCACAAGTTTAATATTGAACGCACTACTCATACTGGAAATTATGATCGAGGATTACTCTATCAACCGCCGTCTACTTCAAAGATCCCTCCTGAAACATTTTTCAAATATAAAAGGTCAGTATCGTCCCACGAATTAGTAAATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720117.1\_25 [gene=ndhC] [locus\_tag=JacuC\_p025] [db\_xref=GeneID:7564865] [protein=NADH dehydrogenase subunit 3] [protein\_id=YP\_002720117.1] [location=complement(55043..55405)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGATTTACGAATATGATATATTCTGGGCATTTCTAATAATATCAAGTGCTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTATCCCCGATTAGCAAAGGGCCGGAGAAACTTTCTAGTTATGAATCGGGTATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTACTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACCGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTCGATATATTGGGGTTATCCGCATTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTACTTATCCTAATTGTTGGTTTAGTTTATGCGTGGAGAAAAGGAGCGTTAGAATGGTCTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720118.1\_26 [gene=atpE] [locus\_tag=JacuC\_p026] [db\_xref=GeneID:7564868] [protein=atpE] [protein\_id=YP\_002720118.1] [location=complement(57561..57962)] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCAAATCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGGCAAATTGGCGTATTACCAAATCATGCGCCTATTGCCACAGCTGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTAATGCCAAATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGATTACTGTTTTAGTAAATGATGCAGAGAAGGGTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACTCTTGAAATAGCAGAAGCTAACTTGAGAAAAGCGGAAGGAAAGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGAGTAGAGGCTATCAATGTGATTTCGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720119.1\_27 [gene=atpB] [locus\_tag=JacuC\_p027] [db\_xref=GeneID:7564869] [protein=ATP synthase CF1 beta subunit] [protein\_id=YP\_002720119.1] [location=complement(57959..59446)] [gbkey=CDS]

ATGAGAATCAATCCTACTACTTCTGGTCCGGGAGTTCCCGCGCTTGAAAAAAAGAACCTGGGGCGTATCGCTCAAATCATTGGGCCAGTACTAGATGTAGCTTTTTCCCCGGGCAAGATGCCTAATATTTACAACGCTCTGGTAGTTAAGGGTCGAGATACTGTCGGGCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGGGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAACGCGAGGAATGGAAGTGATTGACACAGGAGCTCCTCTAAGTGTTCCAGTTGGTGGGGCGACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTGTTGATGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGCGCAACATCACCTATTCATAGATCTGCACCTGCTTTTATACAATTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAAACAGGAATTAAAGTAGTAGATCTTTTAGCCCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGACTATTCGGGGGAGCTGGAGTGGGTAAAACAGTACTTATTATGGAATTAATCAACAACATCGCGAAAGCTCATGGAGGCGTATCCGTATTTGGCGGAGTAGGCGAACGAACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATCAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTGACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAATGAACAAGACGTACTTCTATTTATCGACAATATCTTCCGTTTCGTCCAAGCAGGATCCGAAGTATCCGCCTTATTGGGTAGAATGCCTTCTGCTGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGTTCTTTACAAGAAAGAATTACTTCCACCAAAGAGGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCAGTTTATGTACCTGCGGACGATTTGACTGACCCTGCTCCTGCCACGACATTTGCACATTTAGATGCGACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCTAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACATCAACTATGCTCCAACCTCAGATCGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGCTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGTTTAACTGTAGCAAGAGCACGAAAAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCCTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCTCCGGGTAAATATGTCGGTCTAGCAGAAACTATTAGAGGGTTTAAATTGATCCTTTCCGGAGAATTAGATAGTCTCCCTGAACAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATTGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACAAACTTAGAAATGGAGAACAAATGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720120.1\_28 [gene=rbcL] [locus\_tag=JacuC\_p028] [db\_xref=GeneID:7564870] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_002720120.1] [location=60251..61678] [gbkey=CDS]

ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAGTATCAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCGGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGGCTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACGACATCGAGCCCGTTGCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTACCCCTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTACGCGCCCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTACTGCTTATACTAAAACTTTCCAAGGGCCGCCTCATGGTATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCCCTATTGGGTTGTACTATTAAACCTAAATTGGGGCTATCCGCTAAGAATTATGGTAGAGCGGTTTATGAATGTCTTCGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAGAACGTGAATTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCTTATTTTGTGCCGAAGCAATTTATAAAGCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGACATTATTTGAATGCTACTGCAGGTACATGTGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTATTTGCCAGAGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACCTAACAGGGGGATTCACCGCAAATACTTCCTTGGCTCATTATTGCCGTGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCACCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCATTTTCGTGTACTAGCTAAGGCGTTACGTTTGTCTGGTGGAGATCATATTCACGCTGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGGGAAAGAGACATCACTTTGGGCTTTGTTGATTTACTGCGTGATGATTTTATTGAAAAAGATCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTCTACCGGGTGTTTTGCCTGTAGCTTCAGGAGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCTGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAAGGACGTGATCTTGCTCGTGAGGGTAATGAAATTATCCGTGAGGCTAGCAAATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAGATTAAATTTGAATTCCAAGCGATGGATACTTTGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720121.1\_29 [gene=accD] [locus\_tag=JacuC\_p029] [db\_xref=GeneID:7564871] [protein=acetyl-CoA carboxylase beta subunit] [protein\_id=YP\_002720121.1] [location=62443..63924] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAACGGTGGTTCAATTCGATCTTATCCAATGTAGAATTAGGATACAGGTGTAGGTTAAGTAAATCAATGGATAGTTTTAGTCCTCTTGAAAATACCAGTATAAGCGAAGACCCAATTCTAAACGATACAGATAAAAACACCCATTGTTGGAGTAATAGTGACAGCTCTAGTTACAGTAATGTTGATCATTTAGTTGGCATTCGGAATTTCAGCGTTGATGAAACTTTTTTAGTTAGGGATAGTAATAGGGACAGTTATTCCATATATTTTGATATTGAAAATCAAGTTTTTGAGATTGAAACTGATCATTCTTTTCTGAATGAACTAGAAAGTTCTTTTTATAGTTATTGGAATTCGAGTTATCTGAATAATGGGTCTAGCAGTGGTGACTTCCACTATGATCATTATATGTCTGATACTAAATATAGTTGGAATAATTACATCAATAGTTGTATTGACAATTATCTTCGCTCTCAAATCTGTATTGATTTAAGTGGTAGTAACAATTACAGTGAGAGTTACATTTATAGTTACATTTGTGGTGAAAGTGGAAATAGTAGTGAAAGTGAGAGTTCCAGTCTAAGAACTAGCACGAATGGTAGCGATTTAACTATAAGAGAAAGTTCTAATGATCTCGATATAACTCAAAAATACAAGCATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAACTATAAGAAATTTTTGAAGTCAAGAATGAATATTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAGTAGTTCAGATAGAATTGAACTTTCGATTGACCTAGGCACTTGGAATCCTATGGATGAAGACATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAGGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAAAAAGACAGGATTAACCGAGGCTGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAACGGTATTCCCGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATGGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGGGAAAAAATCACCCGTTTGATTGAGTATGCTACCAATAAATTTTTACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCTTTATATGATTATCAATCGAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACATCTCCTACGACCGGCGGGGTGACAGCTAGTTTTGGTATGTTGGGGGATATCATTATTGCTGAACCTAACGCCTATATTGCATTTGCGGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAGACAGTACCTGAAGGTTCACAATCGGCTGAATTTTTATTCCATAAGGGTTTATTCGATCCAATCGTACCACGTAATCCTTTAAAAGGCGTTTTGAATGAGTTACTTCAGCTTCACGATTTCTTTCCTTTGAATCATAAATCAAGTAGAGCCTTAAGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720122.1\_30 [gene=psaI] [locus\_tag=JacuC\_p030] [db\_xref=GeneID:7564872] [protein=psaI] [protein\_id=YP\_002720122.1] [location=64938..65060] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTTAACAACCTACCCTCCATTTTTGTGCCTTTAGTGGGCTTAGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATCTCTTCATGTTCAAAAAACAAGATTGTTTAGATCTGATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720123.1\_31 [gene=ycf4] [locus\_tag=JacuC\_p031] [db\_xref=GeneID:7564873] [protein=photosystem I assembly protein Ycf4] [protein\_id=YP\_002720123.1] [location=65493..66047] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACGTATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGAAAAACAAGTAATTTCTGCTGGGCCCTTATACTTTTTTTAGGTTCATTGGGTTTTTTTTTGGTTGGAATTTCCAGTTATCTTGGCAAAAATTTGATATCTTTATTTCCATCTCAGCAAATAATTTTTTTTCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTCTATTTATTAGTTCTTATTTGTGGTGCACAATTTTGTGGAATGTAGGTAGTGGTTATGATCGATTCGATAGAAAAGAAGGAATAGTGTGTATTTTTCGCTGGGGATTTCCTGGAAAAAATCGTCGCATCTTACTCCGATTCCTTATGAAAGATATTCAGTCTATTAGGCTAGAAGTTAAAGAGGGTATTTACGCTCGGCGTGCCCTTTATATGGAAATCCGAGGCCGGGGGGCCATTCCTTTGACTCGTACTGATGAGAATTTGACTCCGCGAGAAATTGAGCAAAAAGTAGCCGAATTGGCCTATTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTATTTTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720124.1\_32 [gene=cemA] [locus\_tag=JacuC\_p032] [db\_xref=GeneID:7564874] [protein=envelope membrane protein] [protein\_id=YP\_002720124.1] [location=66653..67342] [gbkey=CDS]

ATGAAAAGAAAAGCATTTATTCCCCTTCTATATCTTACATCTATAGTTTTTTTGCCCTGGTGGATCTCTTTTTTTTCTTTTAATAAAAGTTTTGAATCTTGGGTTATTAATTGGTGTAATACTAGTAAATCCGAAACTTTTTTAAATGATATCCAAGAAAAAAGTATTCTAGAAAAATTCATAGAATTAGAGGAACTCGTTCGCTTGGACGAAATGATAAAGGAATACCCGGAAACACATCTACAAGGGTTTCGTACCGGAATCCACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAAGATCGTATCCATACGATTTTACACTTCTCGACAAATATAATCTGTTTCGTTATTCTAAGTGGGTATTCTATTCTAAGTAATGAAGAACTTATTATTCTTAATTCGTGGGTTCAAGAATTCCTATATAACTTAAGCGACACAATAAAAGCTTTTTCAATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCACTCACCCCACGGTTGGGAACTAATGATTGGCTCTGTCTACAAAGATTTTGGATTTGCTCATAATGATCAAATTATATCTGGCCTTGTTTCCACTTTTCCAGTCATTCTCGATACAATTTTTAAATATTGGATTTTCCGTTATTTAAATCGTGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720125.1\_33 [gene=petA] [locus\_tag=JacuC\_p033] [db\_xref=GeneID:7564875] [protein=cytochrome f] [protein\_id=YP\_002720125.1] [location=67604..68566] [gbkey=CDS]

ATGCAAACTAGAAAGACCTTCTCTTGGATAAAGGAAGAGATTACTCGTTCCATTTCTGTATCGCTCATGGTATATATAATAACTTGGGCATCCATTTCAAACGCATATCCCATTTTTGCACAGCAGGGTTATGAAAATCCACGCGAAGCAACTGGCCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAGCCCGTGGATATTGAGGTTCCACAGGCGGTACTTCCTGATACTGTATTTGAAGCAGTTGTTCGAATCCCTTATGATATGCAACTGAAACAAGTTCTTGCTAATGGTAAAAAAGGAGCTTTGAACGTGGGGGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGGTTTGAATTAGCCCCTCCCGATCGTATTTCGCCAGAGATTAAAGAAAAGATGGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACTAAAAAAAATATTCTTGTAATAGGCCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCTATTCTGTCTCCGGACCCCGCCACTAAGAAAGATGTTCGTTTTTTAAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGTAACAATACGGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGTATAGTAAGCAAAATCATACGAAAAGAAAAAGGGGGGTACGAAATAACCATAACGGATGCGTCAGAGGGACGTCAAGTGATTGATATTATACCTCCAGGGCCAGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATCAAACTGGATCAACCATTAACGAGTAATCCTAATGTGGGTGGATTTGGTCAGGGAGATGCAGAAATAGTGCTTCAAGACCCATTACGTGTCCAAGGGCTTTTTTTCTTCTTGGCATCCGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720126.1\_34 [gene=psbJ] [locus\_tag=JacuC\_p034] [db\_xref=GeneID:7564876] [protein=psbJ] [protein\_id=YP\_002720126.1] [location=complement(69656..69778)] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGAAGAATTCCTCTTTGGATAATAGGTACTGTAACCGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGATTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720127.1\_35 [gene=psbL] [locus\_tag=JacuC\_p035] [db\_xref=GeneID:7564877] [protein=photosystem II protein L] [protein\_id=YP\_002720127.1] [location=complement(69928..70044)] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAACCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGGTTATTGCTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720128.1\_36 [gene=psbF] [locus\_tag=JacuC\_p036] [db\_xref=GeneID:7564878] [protein=photosystem II protein VI] [protein\_id=YP\_002720128.1] [location=complement(70071..70190)] [gbkey=CDS]

ATGACCATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGGCTGTTCACGGATTAGCTGTACCTACCGTTTCTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720129.1\_37 [gene=psbE] [locus\_tag=JacuC\_p037] [db\_xref=GeneID:7564879] [protein=photosystem II protein V] [protein\_id=YP\_002720129.1] [location=complement(70199..70450)] [gbkey=CDS]

ATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATTACCAGTATTCGATATTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATGTATTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAATATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720130.1\_38 [gene=petL] [locus\_tag=JacuC\_p038] [db\_xref=GeneID:7564880] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VI] [protein\_id=YP\_002720130.1] [location=71834..71929] [gbkey=CDS]

ATGCCTACTATAACTAGTTATTTCGGTTTTCTACTAGCGGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTATTTATTGGTCTGAGCAAGATACGGCTTATTTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720131.1\_39 [gene=petG] [locus\_tag=JacuC\_p039] [db\_xref=GeneID:7564881] [protein=cytochrome b6/f complex subunit V] [protein\_id=YP\_002720131.1] [location=72140..72253] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTCTTCTATTTGGAATCGTCTTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTCGTAACTGCATATTTACAATACAGACGTGGCGATCAATTGGACCTTTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720132.1\_40 [gene=psaJ] [locus\_tag=JacuC\_p040] [db\_xref=GeneID:7564754] [protein=photosystem I subunit IX] [protein\_id=YP\_002720132.1] [location=73101..73235] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATCTATCGGTGGCACCGGTAATAAGTACTCTATGGTTTGGGTCTTTAGCAGGTCTATTGATAGAGATCAATCGTTTTTTCCCAGATGCGTTGACATTCCCCTTTTTTTCATTCTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720133.1\_41 [gene=rpl33] [locus\_tag=JacuC\_p041] [db\_xref=GeneID:7564755] [protein=rpl33] [protein\_id=YP\_002720133.1] [location=73694..73894] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGTAAAGATGTCCGGGTAAGAGTTATTTTAGAATGTACCGGTTGTGTTCGAAACAGTGTTAATAAGAAATCAACAGGCATTTCAAAATATATTACTCAAAAGAATCGACACAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCCTTATTGTTACAAACATACAATTCACGGGGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720134.1\_42 [gene=rps18] [locus\_tag=JacuC\_p042] [db\_xref=GeneID:7564756] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_002720134.1] [location=74204..74530] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCCAAACGACTTTTTCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAGCAAGCTCGTATTTTATCTTCGTTACCTTTTCTTAATAATGAAAAACAGTTTGAAAAAAGCGAGTTGGTCACTATAACTACTGATCTTAGAACCAGAAAAAAAAAAATAGACTTACTCCTCAATTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720135.1\_43 [gene=rpl20] [locus\_tag=JacuC\_p043] [db\_xref=GeneID:7564757] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_002720135.1] [location=complement(74821..75174)] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGGAGGCGTAGAACAAAAATTCGTTTATTTGCATCAAGCTTTCGCGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAACTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGATTTCGGCCCATCGGGATAGAGATAGGCAAAAAGGAAATTTTCGTCGTTTGTGGGTCACTCGGATAAATGCAGCAATTCGCGAGAATAAGGTATCCAAAAGTTATAGTAGATTAATAAACAATCTGTACAAGAGACAGTTGCTTCTTAATCGTAAAATACTTGCACAAATCGCTATAGTAAATAAGAATTGTCTTTATATGATTGCCAATGACATTATAAAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720136.1\_44 [gene=rps12] [locus\_tag=JacuC\_p044] [db\_xref=GeneID:7564758] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_002720136.1] [location=join(complement(75975..76088),149328..149570)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACAATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACTAAATCCCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTCACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCGTTGTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720137.1\_45 [gene=clpP] [locus\_tag=JacuC\_p045] [db\_xref=GeneID:7564759] [protein=ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit] [protein\_id=YP\_002720137.1] [location=complement(join(76291..76518,77172..77462,78329..78397))] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTCCCTTTTCGAAATCCTGGGGAAGACGATTCAATTTGGATTGACGTAAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGATGTTGATAGCGAAATCTCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAGAGCGAGACAAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCTGGCGGATGGGTAATACCCGGAATAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCAGATGTACAAACAGTATGCATGGGATTAGCTGCTTCAATGGGATCTTTTATCCTGGTCGGAGGAAAAATTACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCTAGGGTAATGATTCATCAACCTATTGCTGGTTTTTATGAGGCACAAATAGTAGAATTTGTCCTGGAAGCAGAAGAACTACTGAAACTGCGCGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGAAAACCCTTATGGATTGTATCCGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGCCCAAGCTCATGGAATTGTTGACCTTGTAGCAGTTGCCTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720138.1\_46 [gene=psbB] [locus\_tag=JacuC\_p046] [db\_xref=GeneID:7564760] [protein=photosystem II 47 kDa protein] [protein\_id=YP\_002720138.1] [location=78922..80448] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCCTTGGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCGATGGCTCTATATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTCGTTATACCCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCGTGGGGTGGTTGGAGTATCACAGGAGGAACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGTGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCTGGCTTGTGCTTTTTGGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAGGTATTTTGCGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTAGATTTGCCCAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGAGTGGCTTGCTTTGGGTTTGGTGCTTTTCATGTAACCGGATTGTATGGTCCTGGAATATGGGTGTCCGATCCTTATGGACTAACAGGAAAGGTACAACCTGTAAGTCCAGCATGGGGTGTGGAAGGTTTTGATCCTTTTGTTCCAGGAGGAATAGCTTCTCATCATATTGCAGCGGGGACATTGGGCATATTAGCGGGCCTCTTCCATCTTAGTGTCCGTCCGCCCCAACGTTTATACAAAGGATTGCGTATGGGAAATATTGAAACTGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCTGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAATTATTTGGTCCTACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAGCAAGAAATATATCGAAGAGTTAGTGCTGGGCTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCCGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAGCCTTTTATGATTACATCGGCAATAATCCGGCAAAAGGTGGATTGTTCAGAGCAGGCTCAATGGACAACGGGGATGGAATAGCTGTTGGGTGGTTAGGACATCCTATCTTTAGAGATAAAGAAGGGCGTGAACTTTTTGTACGGCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCTGTTGTTTTGGTAGATGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCAGAGTCAAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACTGTTGAGTTCTATGGTGGCGAACTAAACGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGCGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTGAAATCTGATGGTGTTTTTCGTAGCAGTCCAAGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTTGCTCTGCTCTTTTTCTTCGGACACATTTGGCACGGTGCTCGAACTTTGTTCAGAGATGTTTTTGCTGGTATTGATCCAGATTTAGACGCTCAAGTGGAATTTGGAGCATTCCAAAAACTTGGAGATCCAACTACAAGAAGACAAGTAGTCTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720139.1\_47 [gene=psbT] [locus\_tag=JacuC\_p047] [db\_xref=GeneID:7564761] [protein=photosystem II protein T] [protein\_id=YP\_002720139.1] [location=80633..80740] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTCTCAACTTTAGGAATCATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGAGAACCGCCTAAAGTTCCAACTAAAAAGGTAAAATGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720140.1\_48 [gene=psbN] [locus\_tag=JacuC\_p048] [db\_xref=GeneID:7564762] [protein=photosystem II protein N] [protein\_id=YP\_002720140.1] [location=complement(80802..80933)] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACTCTAGTCGCCATCTCTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCTCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720141.1\_49 [gene=psbH] [locus\_tag=JacuC\_p049] [db\_xref=GeneID:7564763] [protein=photosystem II protein H] [protein\_id=YP\_002720141.1] [location=81037..81258] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGTGTGGAGGGTAGTTCTAGATCTGGTCCAAGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTAGCTCCTGGATGGGGAACCACTCCCTTGATGGGTGTTGCAATGGCTCTATTTGCGATATTCCTATCTATTATTTTAGAAATTTATAATTCTTCCGTTTTACTAGATGGAATTTCAATGAATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720142.1\_50 [gene=petB] [locus\_tag=JacuC\_p050] [db\_xref=GeneID:7564764] [protein=cytochrome b6] [protein\_id=YP\_002720142.1] [location=join(81321..81326,82105..82746)] [gbkey=CDS]

ATGAGTAAAGTTTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCGATTGCAGATGATATAACTAGTAAATATGTTCCTCCCCATGTCAACATATTTTATTGTTTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGATTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGGCTTTTGCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAAGCTAACTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCATCGATGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTGTATCTCACTGGTGGCTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACGGGCGTGGTTCTTGCTGTATTGACCGCATCTTTTGGTGTAACCGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTCAAAATTGTAACAGGCGTGCCGGAAGCTATTCCTGTAATAGGATCGCCTTTGGTAGAGTTATTACGTGGAAGCGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCCCTCCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTTTCAATGATACGTAAGCAAGGTATTTCAGGCCCTTTATAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720143.1\_51 [gene=petD] [locus\_tag=JacuC\_p051] [db\_xref=GeneID:7564765] [protein=cytochrome b6/f complex subunit IV] [protein\_id=YP\_002720143.1] [location=join(82940..82947,83809..84304)] [gbkey=CDS]

ATGGGAGTAACAAAAAAACCTGACTTGAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGGCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTACGGAGAACCTGCATGGCCCAATGATCTTTTATATATTTTTCCAGTAGTAATTCTAGGTACTATTGCGTGTAATGTAGGATTAGCGGTTCTAGAGCCGTCAATGATTGGTGAACCTGCGGATCCATTTGCAACTCCTTTAGAGATATTGCCTGAATGGTATTTTTTTCCTGTATTTCAAATACTTCGTACAGTACCCAATAAGTTATTGGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCTGCAGGATTATTAACAGTACCCTTTTTGGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGCCCAGTTGCGACAACCGTCTTTTTGATTGGTACTGCAGTAGCCCTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTACCTATTGATAAATCCCTAACTTTAGGTCTTTTTCAAATTGATTCAATTGTAAAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720144.1\_52 [gene=rpoA] [locus\_tag=JacuC\_p052] [db\_xref=GeneID:7564766] [protein=RNA polymerase alpha subunit] [protein\_id=YP\_002720144.1] [location=complement(84516..85535)] [gbkey=CDS]

ATGGTTCGAGAGAAAGTAACAATATCTACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTGTTGAATCAAGAACGGACAATAAACGTCTTTATTATGGACGCTTTATTCTATCTCCACTTATGAAAGGCCAAGCTGACACAATAGGCATTGCGATGCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATAGAAGGAACATGTATCACACGTGCAAAATCTGAGAAAATACCACACGAATTTTCTACTATAGCAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTAATGAATTTGAAAAATGTTGTATTGAAAAGCAATTTGTATGGAACTTGTGACGCGTCTATTTATGTCAAAGGTCCTGGATATGTAACTGCCCAAGACATCATCTTACCGCCTTTTGTGGAAATTATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAACGGAATCAATTGATTTGTGTATTGGATTACAAATCGAGAGGAATCGCGGCTATCGTATAAAACCGACAAATAACTTTCAGGACGGAAGTTATCCTATAGATGCTGTATTCATGCCTGTTCGAAATGCGAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGAAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAACGGAAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCATGAAGCCTCCCGAAATTTGATTGATTTATTTATTCCTTTTCTACATGCAGAAGAAGAAAACTTACATTTAGAAATAAATCAACACAAGGTTACTTTACCCCTTTTTACTTTTCATGGTAGATTGACTAAATTAAGAAAAAATCAAAAAGAAATAGCATTGAAATACATTTTTATTGACCAATCAGAATTGACCCCTAAGACCTATAATTGCCTCAAAAGGTCCAATATACATACATTATCGGACCTTTTAAATAAGAGTCAAGAAGATCTTATGAAAATTGAAAATTTTCGCATAGACGATGTAAAACATATATTGGGTATTCTAGAAATAGAAAAACATTTCGCAATTGATTTACCAAAGAATAAAATATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720145.1\_53 [gene=rps11] [locus\_tag=JacuC\_p053] [db\_xref=GeneID:7564767] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_002720145.1] [location=complement(85598..86014)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAAACCTTTACCAAGAATTGGTTCACGCAGAAATGGGCGTGTTGGCTCACGTAAGAATGCGCGTAAAATACCAAAAGGGGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTCAACAACACTATTGTGACCGTTACAGACGTACGGGGTCGAGTAATTTCTTGGTCCTCCGCTGGCACTTGCGGATTCAGGGGCACAAGAAGAGGCACGCCATTTGCTGCTCAAACCGCAGCAGGCAATGCTATTCGGACAGTAATGGATCAAGGTATGCAACAAGCAGAAGTGATGATAAAAGGCCCTGGTCTCGGACGAGATGCGGCATTAAGAGCTATTCGCAGAAGTGGTATACTATTAAGTTTCGTCCGGGATATAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCAGGCCCCCTAAAAAAAGGCGTGTGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720146.1\_54 [gene=rpl36] [locus\_tag=JacuC\_p054] [db\_xref=GeneID:7564768] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_002720146.1] [location=complement(86130..86243)] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCTGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGTCGACTGATACGTAGACGGGGACGAATTATAGTAATTTGCTTCAACCCAAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720147.1\_55 [gene=rps8] [locus\_tag=JacuC\_p055] [db\_xref=GeneID:7564769] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_002720147.1] [location=complement(86689..87093)] [gbkey=CDS]

ATGGGTAGGGATTCTATTGCTGAAATAATAACCTCTATACGAAATACTGACATGAATAGAAAAGGAACTGTTCGAATAGCATCTACTAATATCACCGAAAACATTATTAAAATACTTTTACGAGAAGGTTTTATTGAAAATGTCAGGAAACATCAGGAAGGCAACAAAAAATTTTTGGTCTTAACCCTACGACATAGAAGGAAGATGAAAGGGCCATATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGAATCAGCCGACCTAGTCTACGAATCTATCCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGGATTGTAATTCTTTCTACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGAAGCTCGACTAGAAAGAATCGGTGGAGAAATCTTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720148.1\_56 [gene=rpl14] [locus\_tag=JacuC\_p056] [db\_xref=GeneID:7564770] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_002720148.1] [location=complement(87606..87974)] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAAACCCATTTGAATGTAGCAGATAACAGTGGAGCCCGAGAATTGATGTGTATTCGAATCATGGGGACTAGTAATCGACGATATGCTCATATTGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCAACACCAAATTCACCTCTAGAAAGATCCGAAGTAATAAGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTCAAACGCGATAACGGTATAATAATACGATATGATGATAATGCTGCAGTTGTTATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACTCGAATTTTTGGTGCAATCGCCCGGGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCACCCGAAGTATTATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720149.1\_57 [gene=rpl16] [locus\_tag=JacuC\_p057] [db\_xref=GeneID:7564771] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_002720149.1] [location=complement(join(88089..88487,89883..89891))] [gbkey=CDS]

ATGCTTAGTCCCCAAAGGCCCCGATTCCGCAAACAGCATAGAGGACGAATGAAAGGAAAAGCTTTTCGAGCTAATCGTATTTCTTTCGGTAGATATGCTCTTCAGGCACTTGAACCTTCTTGGATTACATCTAGGCAAATAGAAGCGGGGCGACGAACAATGACACGAAATGCACGTCGCGGTGGAAAAATATGGATACGTATATTTCCCGACAAACCAATTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGATCTCCCGAATATTGGGTAGCTGTCGTTAAACCAGGTAGAATCCTTTATGAAATGGGTGGAGTAGCAGAAAATATAGCGAGAAAATCTATTTCAATAACAGCATCAAAAATGCCTGTACGAACTCAACTCATTATTTCGGTATAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720150.1\_58 [gene=rps3] [locus\_tag=JacuC\_p058] [db\_xref=GeneID:7564772] [protein=rps3] [protein\_id=YP\_002720150.1] [location=complement(90100..90765)] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTTGGTTTCAGACTTGGTACAACTCAAAGTCATCATTCTCTTTGGTTTGCACAACCAAAAAATTATTCTGAGGATCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAAAATTATGTAAAACAAAATACGAAAATATCTTCTGGTGTTGAGGGAATTGCACGTATAGAGATTCAAAAACGAATCGATGTGATTCAGGTCATGATATATATGGGATTCCAAAAATTATTAATGGAAGGTAGACCTAAACAAATCGAAGAATTACAGATGAATGTACAAAAAGAACTTAATTATGTGAACCGAAAACTCAATATTGCTATTAAAATTAAAAGAATTTCAAATCCTTATGGGCAACCTAATATTCTTGCAGAATTTATAGCCGGGCAGTTAAAGAATAGAGTTTCATTTCGCAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACTGAACAAACGGATACAAAAGGAATTCAAGTCCAAATTGCGGGGCGTCTTGACGGAAAAGAAATTGCACGCGTCGAATGGATTAGAGAGGGTAGAGTTCCTTTACAAACCATTCAAGCTAAAATTGAGTATTGTTCGTATACAGTTAAAACTATTTATGGGGTATTAGGCATAAAAATTTGGACATTTCTAGATAAAAAAGAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720151.1\_59 [gene=rpl22] [locus\_tag=JacuC\_p059] [db\_xref=GeneID:7564773] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_002720151.1] [location=complement(90862..91287)] [gbkey=CDS]

ATGATAAATAAAAGAAAGCGAAAGAGAGACCCATATACGGAAGTATATGCTTTAGGCCAACATATATGTATGTCCGCTCACAAAGCACGAAGAATAATTGATCAGATTCGTGGACGTTCTTATGAAGAAACACTTATGATACTTGAACTCATGCCCTATCGAGCATGTTATCCCATTTTTAAATTGATTTATTCTGCAGGAGCAAATGCTAGTCACAATATGGGTTTCAACGAAGCCAATTTAATCATTAGTAAAGCTGAAGTCAACGAAAGTGCTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGGCGGGGTTATCTGATAAAAAGATCGACTTGTCATATAACTATTGTATTAAAAGATATATCCTTCTATGAAGAATATGAAGAATATGACAAATATCTAGGAAGAGTATTAAAAATATGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720152.1\_60 [gene=rps19] [locus\_tag=JacuC\_p060] [db\_xref=GeneID:7564774] [protein=rps19] [protein\_id=YP\_002720152.1] [location=complement(91383..91661)] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAACCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGCAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGGGCATTTACCTATTTATATAACGGATCGCATGGTGGGCCATAAATTGGGAGAATTTTCACCTACTTTAAATTTCCGGGAACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720153.1\_61 [gene=rpl2] [locus\_tag=JacuC\_p061] [db\_xref=GeneID:7564775] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_002720153.1] [location=complement(join(91732..92202,92832..93224))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGACGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGGGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGCAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGGTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTACTAAGTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720154.1\_62 [gene=rpl23] [locus\_tag=JacuC\_p062] [db\_xref=GeneID:7564776] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_002720154.1] [location=complement(93243..93524)] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAGCTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720155.1\_63 [gene=ycf2] [locus\_tag=JacuC\_p063] [db\_xref=GeneID:7564778] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_002720155.1] [location=93852..100748] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTTCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGCGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGGATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGACTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCTTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAACTGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAATATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTGTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCCACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAACAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTGGGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTTGATCGCAGACATTTCGGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCACGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATGGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTTTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAATAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAATGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAACAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACGCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGCTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGGTATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATTTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAAGAAAATGCTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTCTAGACACTAATATAATTAGATCCGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAATGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCCGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTCGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAAGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720156.1\_64 [gene=ORF126] [locus\_tag=JacuC\_p064] [db\_xref=GeneID:7564779] [protein=ORF126] [protein\_id=YP\_002720156.1] [location=complement(101219..101599)] [gbkey=CDS]

ATGAATGGGGAGTCCGCTTTGAAAGCGTCCGCCCTGCAACCACCCCCGAGTATATGCTTCAACAGGAATTACACAAGGGTAGTTGATACAATAGAAACCTCTGGTAAAATGCCCGCCCGTAACCCAACAGATAAAGTACATTACATAGTCCGTTTTAGGGATTGGCGACTTACCCATTCAGTGACTTTGGCACTGGATGTTCCAAAAAGAAAATGGGTACTCTCGGGTCGGGTGAATTCAATAATAGACGTCTGTTGGCATTCCAGCCTTCCTTCTCCTTTCAGGGCCTATCCGAAAGAGAATCCAGTACTTCTTGGTCGTGAATATCTGAATAGGACAAACCGCCCCGTGGATATCTTTGCTTCGGAACAAAACAATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720157.1\_65 [gene=ndhB] [locus\_tag=JacuC\_p065] [db\_xref=GeneID:7564781] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_002720157.1] [location=complement(join(102419..103168,103851..104627))] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCCACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCCTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATCGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTTTTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAAGAACCTCTCACGTGCGAAATTATAGAACTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCGGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720158.1\_66 [gene=rps7] [locus\_tag=JacuC\_p066] [db\_xref=GeneID:7564782] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_002720158.1] [location=complement(104932..105399)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGGCGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCAAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720159.1\_67 [gene=ndhF] [locus\_tag=JacuC\_p068] [db\_xref=GeneID:7564793] [protein=NADH dehydrogenase subunit 5] [protein\_id=YP\_002720159.1] [location=complement(118957..121323)] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATACCTTTCGTTACGTTCACCGTGCCTATATTAATAGGAGCGGGACTCCTACTTTTTCCGGCAGCAACAAAAAAACTTCGTCGTATATGGGTTTTTCCAAGCGTTTTATTGTTAAATATAGTCATGATTTTTTCAATCGATCTGTCTATTCAGCAAATAAATAGCAGTTTTTTATATCAATATATATGGTCGTGGACTATCAATAATGATTTTTCTTTAGAGTTCGGATACTTGATTGACCCACTTACTTCTATTTTGTCAGTATTAATTACTACAGTTGGAATTTTGGTTCTTTTTTATAGTGATAATTATATGTCTCATGATCAAGGCTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCAATACTTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTCTAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTTTTGGTTCACACGACCTATTGCATCAAACGCTTGTCAAAAAGCGTTTGTAACTAATCGTGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTAGGAATTTTAGGTCTTTATTGGATAACAGGCAGTTTCGAATTTCGGGATTTGTTCAAAATATTCAATAACTTGATTTCTAATAATCAGGTTAATCTTTTATTTGTTACTTTGTGTGCCTTTCTATTATTTTCCGGTGCAATTGCGAAATCGGCGCAATTTCCTCTTCATGTATGGTTACCGGATGCCATGGAAGGGCCTACTCCTATTTCGGCTCTGATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCGGGGATTTTTCTTATAGCTCGACTTTTTCCTCTTTTTGTAGTCACACCTTACATAATGAATCTAATCGCTTTGATAGGTATAATAACAGTATTTTTAGGAGCTACTTTAGCTCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGTTATATGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGAGTCGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAGGCATTGTTGTTTTTAGGATCTGGATCGATTATTCATTCAATGGAAGCTATTGTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGGTTCTGATGGGTGGTTTAACAAAACATATTCCAATTACAAAAACTGCTTTTTTATTAGGAACACTTTCCCTTTGTGGTATTCCACCTTTCGCCTGTTTTTGGTCCAAAGATGAGATTCTTAATGATAGTTGGTTGTATTCACCTATTTTTGCAATAATAGCTTGTTTCACAGCAGGATTAACTGCATTTTATATGTTTCGGGTTTATTTACTTACTTTTGAAGGACATTTAAATGTTCATTTTCAAAATTACAAAAACAGTTCATTTTATTCAATCTCTTTATGGGGTAAAGAAGAATCTAAAATGCTTAACAACAATTTTCGTTTATTAGCTTTATCAGCAATGAATAATAATGAAAGGACTTCTTTTTTTTGGAGGAACACATATCAAATTGGCGGTAATTTAAGAAATATGACATGGCCTTTTATTACTATTAAAAATTTTAATACTAAAAGGGTTTTTTCCTATCCCCATGAATCGGATAATACTATGTTACTTCCTATGCTTGTTTTGGTACTATTTACTTTATTTGTTGGAGCCATAGGAATTCCCTTCAATCAATTCAATGAAGAAGGAATGCAGTTGGATATTTTGTCAAAACTTTTAACTCCGTCTTTAAACCTTTTGTACCAAAACCAAAGTGAGTCTGTGGATTGGTATGAATTTGTAACAAATGCCATTTTTTCGGTCAGTATAGCTTTTTTCGGAATATTTATAGCGTCCTTTTTATATAAGCCCGTTTATTCATCGTTACAAAATTGGAATTTCTTTAATTTGTTCACTAAGTTGACTAAAAAGGGTCCTAATAGAATTCTTTGGGACAAAATACTAAATGTGATATATAATTGGTCCTATAATCGAGGTTACATAGATGCTTTTTATGCAATATCTTTTATTGGGGGTATAAGAAAATTGGCCGAATTAATTCATTTTTTTGATAAAAGAATAATTGATGGAATTATCAATGGAGTCGGTCTTACCAGTTTCTTTGTAGGAGAGGGTATAAAATATGTAGGAAGTGGTCGCATCTCTTCTTATCTCTTATTGTATTTATTTTGTGCATTAATCTTTTTAGTAATTTACTACTTTTTTTCAATTTGTAAAATTGAAAAAAAATTTCAATTATTTATTATATATTCTTTTATTTATTTTTTTTATTTTACTTTATTTATATTTCTTTTTTTTTTTATTTTCTATTTTTTTTTATTTTCTATTTATATATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720160.1\_68 [gene=rpl32] [locus\_tag=JacuC\_p069] [db\_xref=GeneID:7564794] [protein=rpl32] [protein\_id=YP\_002720160.1] [location=121972..122124] [gbkey=CDS]

ATGGCAGTTCCAAAAAAGCGTATTTCTATATCAAAAAAGCGTATTCGAAAAAATATTTGGAAAAGGAAGGGATATTGGGTAGTATTGAAAGCTTTTTCATTAGCGAAATCCCTTTCTACAGGTAATTCAAAAAGCTTTTTGTGCGACAAATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720161.1\_69 [gene=ccsA] [locus\_tag=JacuC\_p070] [db\_xref=GeneID:7564796] [protein=cytochrome c biogenesis protein] [protein\_id=YP\_002720161.1] [location=123330..124304] [gbkey=CDS]

ATGATATTTTCGACTTTAGAACATATATTAACTCATATATCTTTTTCAGTCGTGTCAATTGTAATTACAATTCATTTGATAACCTTATTAGTCGATGAATTCGTAGAATTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGATAATTACTTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTTTTGGGGGACATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCCTGGGTTTTTTCCATTATTCATATGGTTCCGTATTTTAAAAAACACAAAAATTTTCTAAGCGCAATAACCGCGCCAAGTACTTTTTTTACCCAAGGATTTACTACTTCGGGTCTTTTAACTGACATGCATCACTCCGAAATCTTAGTGCCCGCTCTCCAATCCCATTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATATTGGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTATCAGTAGCATTTCTAGTAATCACATTTCGAAAAATTATAAGAATTGTTGATAAAAACAATAATTTATTAAATGATTCATTTTCTTTTAGTGAGATACAATATATGACGGAAAGAAAGAATGTTTTAAGAAATATTTCTTTTCTTTCTTCTACTAATAGGAATTATTACAGGTTTCAATTGATTCAACAATTAGATGACTGGGGTTATCGTATTATAAGTATAGGGTTTATCTTTTTAACCATAGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCGTGGGGATCATATTGGAGTTGGGACCCAAAGGAAACTTGGGCATTTATTACGTGGACCATATTTGCGATTTATTTTCATACTCGAACAAATAAAAATTTTGAGGATTTAAATTCGGCAATTGTCGCTTTTATCGGTTTTCTTCTAATTTGGATATGTTATTTTGGAGTTAATTTATTAGGAATAGGTTTGCATAGTTATGGTTCATTTACATTAACAATTAACATCTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720162.1\_70 [gene=ndhD] [locus\_tag=JacuC\_p071] [db\_xref=GeneID:7564797] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4] [exception=RNA editing] [protein\_id=YP\_002720162.1] [location=complement(124604..126106)] [gbkey=CDS]

ACGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAATACTTGTAGTTTTACCGATATCCGCGGGTTCCTTAATTTTCCTTTTCCCTCATAGAGGAAATAAGGTAATTAGGTGGTATACTTTATGTATATGTGTTTTAGAGCTTCTTTTAATGACTTATGTGTTCTCTTATTATTTCCAATTGGACGATCCATTAATTCAATTAACAGAAGATTATAAATGGATCAAGTTTTTTGATTTTTACTGGAGATTGGGAATAGATGGATTTTCTTTAGGACCTATTTTATTGACAGGATTTATCACTACTTTAGCTACTTTAGCGGCTCGGCCAATTAATCGGGATTCCCGATTATTCCATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTTCTCAAGATCTTTTACTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCATTTATCTACTTCTATCAATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCAGGGGGTTCTGTTTTTTTATTAATGGGAGCTTTGGGTATCGCTTTATATGGTTCCAATGAACCAAGATTCCATTTTGAAATATCAGCCAATCAATCATATCCTGCGGCGCTAGAAATATTTTTCTATATTGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATCACCGATTATACCCTTACATACATGGTTACCAGACACGCATGGGGAAGCACATTACAGTACTTGTATGCTTCTAGCCGGAATCTTATTAAAAATGGGGGCATATGGATTGATTCGAATCAATATGGGATTCTTACCTCATGCTCATTCTATCTTTTCTCCCTGGTTGATAATAGTAGGCGTAATGCAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCTGGTCAACGAAATTTAAAAAAAAGAATAGCATATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTTGCTCTATAAGTGATATGGGGCTCAACGGAGCCATTTTACAAATAATATCACATGGATTTATTGGTGCTGCACTTTTTTTCTTGGCAGGAACGGGTTATGATAGAATACGTCGTGTTTATCTTGACGAAATGGGTGGAATGGCTCCCCCAATGCCAAAAATATTTACGACATTCAGTATCTTATCACTAGCTTCTCTTGCATTACCGGGCATGAGTGGTTTTTTTTCGGAATTGATAGTCTTTTTTGGAATAATTACCGGTCAAAAATATCTTTTAATGTCAAAAATATTAATTACTTTTGTAATGGCAGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATATTCTATGGGTACAGGCTATTTAATGTCCAAAACTCTTATTTTTTTGATTCTGGACCGCGAGAGTTATTTGTTTCGATCTCTATCCTTCTGCCTGTAATAGGCATTGGTATTTATCCGGATTTCGTTTTCTCATTATCAATTGACAAGGTCGAAGCTATTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720163.1\_71 [gene=psaC] [locus\_tag=JacuC\_p072] [db\_xref=GeneID:7564798] [protein=photosystem I subunit VII] [protein\_id=YP\_002720163.1] [location=complement(126256..126501)] [gbkey=CDS]

ATGTCACATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGTCCCACCGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGATGTAAATCTAAGCAAATTGCTTCTGCTCCAAGAACAGAGGACTGCGTTGGTTGTAAGAGATGCGAATCCGCCTGTCCAACAGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720164.1\_72 [gene=ndhE] [locus\_tag=JacuC\_p073] [db\_xref=GeneID:7564799] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4L] [protein\_id=YP\_002720164.1] [location=complement(126758..127063)] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTTGTTTTGAGTGCCTATTTATTTTCTATCGGTATCTATGGATTGATCACGAGTCGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGCCTTGAACTTATACTGAATGCAGTTAATATAAATTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCAACTAAAGGGAAATATTTTTTCAATTTTTGTTATAGCTATCGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACCAGCTATTGTTTCATCAATTTATCGTAACAGAAAATCAACCCGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720165.1\_73 [gene=ndhG] [locus\_tag=JacuC\_p074] [db\_xref=GeneID:7564800] [protein=NADH dehydrogenase subunit 6] [protein\_id=YP\_002720165.1] [location=complement(127302..127832)] [gbkey=CDS]

ATGGATTTGCCTGGACTAATACATGATTTTCTTTTAGTCTTTCTGGGATTAGGTCTTATATTAGGAGGTCTAGGAGTGGTATTATTTACCAATCCAATTTATTCTGCTTTTTCGTTGGGATTTGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTCTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCTGCACAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCTATAAATGTTTTAATTCTATTTGCCGTGATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAAACGGGGTTACTTCCTTAGTTTGTACAAGCATTTTTATTTCACTAATTACTATTATTTCAGATACATCATGGTACGGGATTATTTGGACTACAAGAACAAATCAGATTATAGAACAAGATTTAATAAGTAATGGGCAACAAATTGGAATTCATTTATCAACAGATTTTTTTCTTCCATTTGACTTTATTTCAGTAATTCTTTTAGTTGCTTTGATAGGTGCGATTGCTGTGGCTCGTCAGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720166.1\_74 [gene=ndhI] [locus\_tag=JacuC\_p075] [db\_xref=GeneID:7564801] [protein=NADH dehydrogenase subunit I] [protein\_id=YP\_002720166.1] [location=complement(128386..128898)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCTATGGTAACTGGGTTCATGAATTATGGGCAACAAACCATGCAAGCTGCAAGGTACATTGGTCAAGGTTTCATGATTACCTTATCCCATGCAAACCGTTTACCTGTAACGATTCAATATCCTTATGAAAAATTAATCACATCGGAGCGTTTCCGCGGTCGAATCCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGGGTATGCCCTATAGATCTACCTGTTGTTGATTGGCAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTTAATTACAGTATCGATTTTGGAATCTGTATATTTTGTGGCAACTGTGTTGAGTATTGTCCAACAAATTGTTTATCAATGACTGAAGAATATGAACTTTCTACTTATGATCGTCACGAATTGAATTATAATCAAATTGCTTTAGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTTGACGATTATACAATTCGAACAATTTTGAATTCAACTCAACAAAAAATCAACAAAAAAAAATAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720167.1\_75 [gene=ndhA] [locus\_tag=JacuC\_p076] [db\_xref=GeneID:7564802] [protein=NADH dehydrogenase subunit 1] [protein\_id=YP\_002720167.1] [location=complement(join(128980..129519,130655..131206))] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAGTACAAGCTATCAATTCTTTTTCTAGATTAGAATCCTTAAACGAGGTCTATGGACTTCTATGGGCCTTTGTCCCTATTTTGATTCTTGTATTTGGAATCACGATAGGCATACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCTGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCTGAATATGCCGGTCCTTTAGGGGTTCTTCAAGCTCTAGCGGATGGGACAAAACTTCTTTTCAAAGAGAATCTTTTTCCATCTAGGGGAGATACTCGTTTATTCAGTATCGGACCATCCATAGCAGTCATATCAACTTTATTAAGCTATTCAGTAATTCCTTTTGGCTATCACTTTGTTTTAACTGATCTAAATATTGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCCATTGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATAAATATTCTTTTTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCGATTAGTTATGAAATACCATTAAGTCTTTGTGTGTTATCCATATCTCTATTATCTAACAGTTCAAGTACCGTTGATATAGTTGAGGCACAATCAAAATACGGTTTTTGGGGGTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGATTTATCATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAGTGTGAAAGATTGCCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGCTATCAAACCGAATATTCTGGTATAAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGTGGTTGGAATATCCCTATTTCGTATCTATTCGTTCCTGAGCTTTTTCAAATAAATAAAATAGGTGGAGTCTTTGAAACAACAATAGGTATCTTTATTACATTGGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATTACAACAAGATGGACTTTACCTAGACTAAGAATGGACCAACTTTTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATTTCTCTCGGTAATTTATTATTAACAACCTCTTTCCAACTCCTTTCACTATAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720168.1\_76 [gene=ndhH] [locus\_tag=JacuC\_p077] [db\_xref=GeneID:7564803] [protein=NADH dehydrogenase subunit 7] [protein\_id=YP\_002720168.1] [location=complement(131208..132389)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTACCAGCTATGCGAAAAGACCTTATGATAGTCAATATGGGTCCCCACCACCCATCAATGCATGGTGTTCTTCGACTCATCGTTACTCTAGATGGCGAAGATGTTATTGACTGTGAACCAATATTAGGTTATTTACACAGAGGCATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGTTGGGATTATTTGGCTACTATGTTCACAGAAGCAATAACAGTAAATGGCCCAGAACTGTTAGGAAATATTCAAGTGCCTAAAAGAGCTAGCTATATCAGGGTAATTATGTTGGAATTGAGTCGTATAGCTTCTCATTTATTATGGCTTGGCCCTTTTATGGCGGATATTGGGGCACAGACTCCTTTCTTCTATATTTTTAGAGAGAGAGAGTTAGTATATGATTTATTCGAAGCTGCCACTGGTATGAGAATGATGCATAATTATTTTCGTATTGGGGGAGTAGCGGCTGATCTACCTCATGGCTGGATAGATAAATGTTTGGATTTTTGTGATTATTTTTTAACAAGAGTTGCTGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAAGGAGTTGGTATTGTTGGTACAGAGGAAGCAATAAATTGGGGGTTATCAGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAGTACAATGGGATCTTCGTAAAATGGATCGTTATGAGTGTTACGACGAATTTGATTGGGAAGTCCAGTGGCAAAAAGAAGGGGATTCATTAGCTCGTTATTTAGTCCGAATTGGTGAAACGATGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTGGAAGGAATTCCGGGGGGGCCCTATGAAAATTTAGAAACCCGACGTTTTGATAAAGAAGGGGATCCAGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCATTAGTAAAAGAACTTCTCCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCTCCAAAAGGAGAATTGGGAATTTTTCTGATAGGGGATCAGAGCGGTTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGCCCCCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCTCAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCTGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720169.1\_77 [gene=rps15] [locus\_tag=JacuC\_p078] [db\_xref=GeneID:7564804] [protein=rps15] [protein\_id=YP\_002720169.1] [location=complement(132496..132768)] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATTCATTCATTTCGGTTATTTCACAAGAAGAAAAAAACGAAAACAAAGAATCCGTTGAATTTCAAATAGTAAGTTTCACTAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGCATAGAAAAGACTATTCATCTCAGAGGGGTTTGCGGAAAATTCTAGGAAAACGTCAACGATCGCTGTCTTATTTAGCAAAGAAAAAGAGAGTACGTTATAAAGAATTAATTAGCCGGTTGGATATTCGGGAGTCAAAAATTCGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720170.1\_78 [gene=ycf1] [locus\_tag=JacuC\_p079] [db\_xref=GeneID:7564805] [protein=Ycf1] [protein\_id=YP\_002720170.1] [location=complement(133196..138919)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTGAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCACGGGGCCCTCTTATCTCTTCCTTCTTCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCGAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAGCGGAAGAAAGGGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAACAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGATAAAAAAAATAAAGATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAAAGAAATGTCACAATATTTTTTTTATACATGTCGAAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTACGTATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAAATGATACAAAGAAGGATGTCCCTGTTTACAACAGAAAAACTCTCCTCCGATGAATTGTATAATCGTTGGAATTATAAGAATGAACAAAAAAAGAAAAATCTAAGTAATGAATTTATAAAAAGAGTCCAGGCTTTAGATAAGGGATATCTTGCTCTGAATACACTCCAAAAAAGGACTAGATTGTGTAATGATAAAACTAAAAAAGAGTACTTACCTAAAATATATGATCCCTTATTGAGTGGGTCATACCGCGGAAAAATCCAATTTTTTTTTTCACCCTCAATTTTAAATAAAACTTCCATAAAAAATTCTATAGAGATGGTTTGGATAAATAAAATTCATCTTTTTCTTCTTATTACTAATTATCAAAAATTCGAACCAAAAACAGATGTAAAATCATTTTCAACAGAAATTGCTTATTTCTTAAACTTAATTAATGAATTTGCCGGAAAATCAAGATCGAGTTTAAATTTTAAGGAACTCTCTTTATTTCCAGATCACAAAGAAGAAAAAATGGATTTAGAAAATCGAATAAAAATTTTCAAATTTTTATTTGATACAGTTATCGCGAATTCAAAAAATAAAACAATTAGAAATAATTCTATTGGAATAAAAGAAATAAGTAAACAAGTTCCTCGATGGTCATATAAATTAATTGACGATTTGGAACAACAAGAGGGAGAAAATGAAGAAAATGAAGAAAACATGGCGGAAGATCATGAAATTCGTTCACGAAAAGCCAAACGTGTAGTGATTTTTACTGATAATCAACAAAATACTGAGACTTATAATAATACCAAAGATACAACGAATTCTGATCAAATAGACAAAGTGACTTTGATACGTTATTCACAACAATCGGACTTTCGTCGAGACATAATAAAAGGATCTATGCGAGCACAAAGACGCAAAATACCTATATTGGAACTGTTTCAAGCAAATGTGCATTCCCCCCTTTTTTTGGACAGAATAGACAAATCCCTTGTTTTTTCTTTTGATATTTCCGAACTAATGAAAACAATGTTTATAAATTGGACGTGTAAAAACGCAGAATTCACAATTTCGGATTCTACTTATACAGAGAAAAAACAAAAAGAAAGTAAAAAAAAAGAAGACGACAAAAGAGAGGAAAAAGCTCGGATAGAAATAGCCGAAGCCTGGGATAGCATTCTTTTTGCTCAAGCAATAAGAGGGTGTGTTTTAGTAACCCAGTCGATTCTTAGAAAATATATTATATTAACTTTTTTAATAATAACTAAAAATATCATTCGTATACTACTTTTTCAAATTCCCGAATGGTCTGAGGATTTTAAAGATTGGAGTAGAGAAATGCATGTTAAATGCACTTATAATGGAGTTCAATTATCCGAAAAAGAATTTCCAAAAAACTGGTTAACAGACGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTCTAAAACCTTGGCACAGATCTAAGTTAAAACTCCCTCCCAAAGATCCAATGAAAAAGAAAACACAAAAACGGATTTTTGTTTTTTTAACAGTTTGGGGAATGGAAGTTGAATTGCCTTTTGGTTCTCCCCGAAAACGGCTTTCCCTCTTTGAACCCATCTTTAAAAAACTCGAAAAAAAAATTCGAAAAATAAAAAAAAAAGGTTTTCGAGTTCTAACAATTTTAGAAGAAAGAAGAAAATTTTTTCTAAAATTATCAAAAGAAAAAAAAATTGGGTTATCAAAAACATTTTTTTTCGAAAAGAAAAAAGAAATAATAAACAAATTTTCAAAATCAAAAAGAAATGCAAATTTATTATCTGGATTTATAAAAGTATATGAATTGAATGAAACTAAAAAAGAAAAAAATTCAATAATCGATAACAATAATGGAACGATTCAAAAATTGTCTACTCCAACTCGATCTATGGCTTGGACAAATTATTCACTAACAGAAAAAAAAATGAAAGATCTTTCTTCTAGAAGAAAGATAATCATAAATCAAATAGAAAAAATGAAAAAAGAAAAGGAAACAAAAATTATAACCTCAAAAATACATATTAATCCTAACAAAATAAGTTATAATGTTAAAAAATTAAAATCATCAAAAAATATTTCACAGATACAGATATTAAAAAGGGGAAATGCTCGATTAGTGCGTAAATTCCATTTTTTTATAAAAATTTTGATTCAAAGGATATACATAGATATCTTTTTAAGTATCATTAATATTCCGAGGATCAATGCACAGCTTTTTCTTGAATCAACAAAAAAATTATTACTAAATATGTTTGCAATAATGAAAAAAAAATCACAAAAAATTGATAAAACAAAGCAAAATACAATTCACTTTCTTTCGATTATGATTATAAAAAAGTTACTTAATAATAGTAATATTGCTGTTATTAATAACAATTCACAGATTTTTTGTGATATATCCTCCTTGTCACAAACATATGTATTTTACAAATTATCACAAATCCAAATTATTAATTTATATAAGTTACGATCTATCCTTCAATATCATGGCCTTTTTCTTAAGAATGAGATAAAGGATTATTTTAGAGCCCAAGGGATATTTAATTCCAAATTAAAAGATAAAAATTTTCAAAATTTCGTAATAAATCAATGGAAAAACTGGTTAAGGGGTCATTATCAATATAAATATGATTTAACTCAGATTAGATGGTCTAGATTAATATCACAAAAATGGCGAAATAGAATCAAGCAACACCATATGGTTCAAAATAAAAAATTTAATAAATTCAATTTATATGAAAAAGACCAATTAAATGAAAAAAGACCAATTAATTCATTACGAAAAAAAAATGATAATGATTTTGCGGCAGATTCATTACCGAATCAAAAAAAGAATTTTCAAAAACACTGTAGATATAATCTTTTATCATATAAATCCATTAATTATGAAAATAAGAAGAACTCATATATTTACGGATTCCCATTACAAGTAAATAAACAAGAGATTTCTTATAATTACAACACAAATAAAAGCAAATTATTTGACATGTTGGAAAGTATTCCTATCAATAATTATCTAGGGGAAGATGATATTAGCGATATGGAGAAAAGCCCGACTAGAAAATATTTGGATTGGAGAATTCTCGATTTTTGTCTTAGAAAAAAGGTCGATATTGAGTCCTGGATTGATATCGGAAGCAAAGAAAAAAAAAATACTAAGACTAGGACTAATAAGTATCAAATAATTGATAAAATCGATAAGAAAAATCTTCTTTTTCTTACAATTCACCAAGATCAAGAAGTCAATTCATCCAATCAAAAAAAAAACCTTTTTGATTGGCTGGGAATGAATGAAGAAATACAAAATCGTCTCATATCCAATTTTGAACTTTGGTTCTTTCGAAAATTTGTGATACTTTATAACACATATAAGATAAAACCATGGGCAATACCCATCCAATTTCTTCTTTTCAATTTTCATAGAAATGAAAATGTTAGTAAAAATACTAAAATCAACGAGAAGAAAAACGGCGATCTTTTTATATCATCGAATGAAAAAAAATTCATTGAATTAGAGAATCGAAATCACGAAGAAAAAGAATCCAAAGACAAAATGGACTTTGGATCAGTTTTCGCAAATCAAGAAAAAAATATTGAAGAAGATTATATGGGATTAGATATGAAAAAACATAGAAATAAAAAACAAAACAAAAGTCATACGGAAGTAGAGCTTGATTTCTTCCTAAAACGGTATTTATGTTTTCAATTAAGATGGAATGATTCTTTAAATGAAAAAATAATCAATAATATCAAAGTATATTGTCTCCTGCTTAGACTGACAAATCCACGAGAAATTCTTATATCTTCTATTCAAAGACAAGAAATAAGTCTGAATATTCTGATGGTTCAGAAGGATTTAACTCTTACTGAATTGATGAAAAAGGGAATATTTATTATCGAACCTGTTCGTTTGTCAGTAAAAAATAATGGACAATTTCTTTTGTATCAAACGGTAGGTATCTTATTAGTTCATAAGAACAAACAACAAATTAATCAAAAATACAGAGAAAAAATCTATATTGATAAAAAGAATTTTACCGAACCTATTGAAAGACATCAAAGTCTAATTGGCAATAGAGACAAAAATGATTATGATTTACTTGTTCCTGAAAATATTTTATTCCCTAAACGTCGTAGAGAATTAAGAATTCTAACTTCTTTCAATTTTAAAAACCAAAATGATATTCATAAAAATGATATTCATATAAATACAGAAATTTTCAACGTTAATAAAATAAAAAACTGTGGTCCTATTTTGGATAAAAGTAAACATTTTGATAGAGATAAAAATAAACTAATTAAATTCAAATTTTTTCTTTGGCCCCATTTTCGATTAGAAGATTTAGCTTGTATGAATCGCTATTGGTTTGATACTAATAATGCCAGTTGCTTCAGTATGGTAAGAATATATATATATCCACGGGCGCAATTTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720171.1\_79 [gene=rps7] [locus\_tag=JacuC\_p080] [db\_xref=GeneID:7564815] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_002720171.1] [location=150189..150656] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGGCGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCAAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720172.1\_80 [gene=ndhB] [locus\_tag=JacuC\_p081] [db\_xref=GeneID:7564816] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_002720172.1] [location=join(150961..151737,152420..153169)] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCCACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCCTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATCGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTTTTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAAGAACCTCTCACGTGCGAAATTATAGAACTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCGGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720173.1\_81 [gene=ORF126] [locus\_tag=JacuC\_p082] [db\_xref=GeneID:7564818] [protein=ORF126] [protein\_id=YP\_002720173.1] [location=153989..154369] [gbkey=CDS]

ATGAATGGGGAGTCCGCTTTGAAAGCGTCCGCCCTGCAACCACCCCCGAGTATATGCTTCAACAGGAATTACACAAGGGTAGTTGATACAATAGAAACCTCTGGTAAAATGCCCGCCCGTAACCCAACAGATAAAGTACATTACATAGTCCGTTTTAGGGATTGGCGACTTACCCATTCAGTGACTTTGGCACTGGATGTTCCAAAAAGAAAATGGGTACTCTCGGGTCGGGTGAATTCAATAATAGACGTCTGTTGGCATTCCAGCCTTCCTTCTCCTTTCAGGGCCTATCCGAAAGAGAATCCAGTACTTCTTGGTCGTGAATATCTGAATAGGACAAACCGCCCCGTGGATATCTTTGCTTCGGAACAAAACAATTAG

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720174.1\_82 [gene=ycf2] [locus\_tag=JacuC\_p083] [db\_xref=GeneID:7564819] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_002720174.1] [location=complement(154840..161736)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTTCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGCGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGGATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGACTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCTTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAACTGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAATATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTGTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCCACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAACAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTGGGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTTGATCGCAGACATTTCGGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCACGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATGGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTTTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAATAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAATGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAACAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACGCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGCTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGGTATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATTTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAAGAAAATGCTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTCTAGACACTAATATAATTAGATCCGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAATGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCCGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTCGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAAGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720175.1\_83 [gene=rpl23] [locus\_tag=JacuC\_p084] [db\_xref=GeneID:7564821] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_002720175.1] [location=162064..162345] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAGCTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_012224.1\_cds\_YP\_002720176.1\_84 [gene=rpl2] [locus\_tag=JacuC\_p085] [db\_xref=GeneID:7564822] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_002720176.1] [location=join(162364..162756,163386..163856)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGACGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGGGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGCAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCTCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGACGGAGTAAATAG

**4. *Manihot esculenta***

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718416.1\_1 [gene=rps12] [locus\_tag=MaesCp046] [db\_xref=GeneID:5999972] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_001718416.1] [location=complement(join(103390..103415,103952..104183,74362..74475))] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCCCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718417.1\_2 [gene=psbA] [locus\_tag=MaesCp001] [db\_xref=GeneID:5999949] [protein=photosystem II protein D1] [protein\_id=YP\_001718417.1] [location=complement(462..1523)] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCCTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCTACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCATTGCTGCCCCTCCGGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTCTACTTTATGGAAACAATATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCGGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCATCTGTTGATGAATGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGTCGTGAGTGGGAACTTAGTTTCCGTCTGGGTATGCGCCCTTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTACTGCTGTTTTCTTGATCTATCCAATTGGTCAGGGAAGCTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCTGAGCACAACATCCTTATGCACCCATTTCACATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACCTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCTGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTTACATTTCTTCCTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACCTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATTAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTGTCGAAGCTCCATCTACAAATGGATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718418.1\_3 [gene=matK] [locus\_tag=MaesCp002] [db\_xref=GeneID:5999999] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_001718418.1] [location=complement(2063..3583)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGAAAGATATTTAGAATTAGATAGATCTCGAAAAAACGACTTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATACATTCGCTCATGATCATAGTTTAAATAGATCTATTTTGTTGGAAAATGTAGGTTATGACAATAAATCTAGTTTATTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATGTATCAACAGAATCATTTGATTATTTCTGCTAATGATTCTAACCAAAATCTATTTTTTAGGTACAACAAGAATTTGTATTATCAAATGATATCAGAGGGCTTTGCAGTTATTGTGGAAATTCCATTTTCCCTACGATTAGTATCTTCTTTAGATTTAGAAAGGTCAGAGATAGTAAAATCTCATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTTTTAGAGGACAAATTTCCACATTTAAATTATGTGTCAGATATATTAATACCTTACCCCATCCATCTAGAAAAATTGGTTCAAACCCTTCGCTATTGGGTGAAAGATCCCTCTTCTTTGCATTTATTACGACTCTTTCTTCATGAGTATTGGAATTTGAACAGTCTTATTATTCCAAAGAAATTTATTACTATTTTTATAAAAAGGAATCCAAGATTTTTCTTGTTCCTATATAATTCTCATGTATATGAATACGAATCCATCTTCTTTTTTCTCCGTAACCAATCCTTTCATTTACGATCAATATTTTTGCGAGTCCTTCTTGAACGAATTTTTTTCTATGGAAAAATAGAACATTTTGCGGAAGTCTTTGCTAATGATTTTCAGGCCATCTTGTGGTTGTTCAAGGATCCTTTCATGCATTATGTTAGATATCAAGGAAAATCAATTCTGGCTTCAAAAGATCGGCCTTTTCTGATGAAAAAATGGAAATATTACCTTGTCAACTTATGTCAATGTCATTTTTATGTCTGGTTTCAACCAGAAAAGATCTATATAAATTCATTATCCAAGCATTCTCTCAACTTTTTGGGCTATCTTTCAAATGTACAATTAAATCCTTTGGTGGTACGGAGTCAAATGTTAGAAAATTCATTTATAATAGATAAAGATAGTACTATGAAGAAACTCGATACAATAGTTCCAATTATTCCTTTAATTGGATCATTGGCAAAAACGAAATTTTGTAACGCAGTAGGACATCCCATTAGTAAACCGATTCGGGCGGATTCGGCGGATTCTGATATTATCGACCGATTTGTGCGTATATGCAGAAATCTTTCTCATTATTATAGCGGATCCTCAAAAAAAAAGAGTTTGTATCGAATAAAATATATACTTCGACTTTCTTGTGTTAAAACTTTGGCCCGTAAACACAAAAGTACTGTACGCGCTTTTTTGAAAAGATTAGGTTCGGAATTATTAGAAGAGTTTTTTACGGAGGAAGAACAGATTCTTTCTTTGATCTTTCCAAAAGTTTCTTCTAGTTCGCGCAGGTTATATAGAGGACGTGTTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTGGCCAATCATGAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718419.1\_4 [gene=rps16] [locus\_tag=MaesCp003] [db\_xref=GeneID:6000059] [protein=ribosomal protein S16] [protein\_id=YP\_001718419.1] [location=complement(join(5187..5413,6316..6355))] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAACTTCGTTTGAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAACCGTTTATCGAATCGTTGCAATTGATGTTCGATCCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGGAAAGTGGGTTTTTATGATCCGATAAAAAATCAAACCTATTTAAACGTTCCTGCTATTCTATATTTCCTTGAAAAAGGCGCTCAACCTACAGGAACTGTTCGTGATATTTTAAGGAAGGCGGGGGTTTTTACGGAACTTCGCCTTAATCAAACGCAATTTACTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718420.1\_5 [gene=psbK] [locus\_tag=MaesCp004] [db\_xref=GeneID:6000052] [protein=photosystem II protein K] [protein\_id=YP\_001718420.1] [location=7958..8143] [gbkey=CDS]

ATGTTTAATTTTTTTAGTTTAATTTGTATCTGTTTTAATTCTGCCATTTATTCAAGCAATTTTTTCTTTACAAAATTGCCCGAAGCCTACGCCTTTTTGAATCCAATCGTAGATGTTATGCCAGTAATCCCTGTACTCTTTTTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718421.1\_6 [gene=psbI] [locus\_tag=MaesCp005] [db\_xref=GeneID:5999990] [protein=photosystem II protein I] [protein\_id=YP\_001718421.1] [location=8557..8667] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTCAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTGATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATCTTTGGATTTTTATCTAATGATCCAGGACGTAATCCTGGACGTGAAGAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718422.1\_7 [gene=atpA] [locus\_tag=MaesCp006] [db\_xref=GeneID:6000076] [protein=ATP synthase CF1 alpha subunit] [protein\_id=YP\_001718422.1] [location=complement(11244..12767)] [gbkey=CDS]

ATGGTAACCATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATCCGCGAACGTATTGAGCAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACTGGTACCGTACTTCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTTATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGCGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACAATAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTTGTATTAATGGGTGACGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGCTCCGTAAAAGCAACAGGAAGAATTGCTCAGATACCTGTGAGTGAGGCTTATTTGGGTCGTGTTATAAATGCCCTAGCTAAACCTATTGACGGTCGAGGTGAAATTTCAGCTTCTGAATCTCGGTTAATTGAATCTCCTGCTCCAGGTATTATTTCGAGACGTTCTGTATATGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCGATGATCCCTATAGGACGTGGTCAACGAGAATTAATTATTGGGGACAGACAGACTGGTAAAACAGCAGTAGCCACAGATACAATTCTCAATCAACAAGGACAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAAGTAGTGACTACTTTACAGGAAAGAGGGGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACGGCGGATTCTCCGGCTACATTACAATACCTCGCCCCTTATACGGGAGCGGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGTGAACGACACACTTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCTCTTCTATTACGAAGACCACCTGGTCGTGAAGCTTATCCAGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCCGCTAAATTAAGTTCTCGTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTTGAGACCCAATCAGGAGACGTTTCGGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGATGGACAAATATTCTTATCCGCCGATCTATTCAATGCTGGAATCAGGCCTGCTATTAATGTGGGTATTTCTGTTTCCAGAGTAGGATCCGCAGCTCAAATAAAAGCTATGAAACAAGTAGCTGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCGCAATTCGTAGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCTGATCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGACTACGCGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCCGCCCCTCTCACGGTGGAGGAACAGATAATGACTATTTATACCGGAACGAATGGTTATCTTGATTCATTAGAAATTGGACAAGTAAGGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACCTACTTAAAAACGAATAAACCTCAGTTCCAAGAAATCATATCTTCTACCAAAACATTCACCGAAGAAGCAGAAACCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAACAGAAGGAACGTTTTGTAATTCAGGAACAAGTATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718423.1\_8 [gene=atpF] [locus\_tag=MaesCp007] [db\_xref=GeneID:6000008] [protein=ATP synthase CF0 B subunit] [protein\_id=YP\_001718423.1] [location=complement(12838..13392)] [gbkey=CDS]

ATGAAAAATATAACCGATTCTTTCGTTTCCTTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGGTTTAATACCGATATTTTAGCAACAAATCTAATAAATCTAAGTGTAGTCCTTGGTGTATTGATTTTTTTTGGAAAGGGGGTGTTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAAAGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAAAACTACGCGAGGGGGCTATTGAACAGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCAGATCAGTTTCGAACGAATGGATATTCTGAGATAGAACGAGAAAAATTGAATTTGATTAATTCAACTTATAAGACTTTGGAACAATTAGAAAATTACAAAAATGAAACCATTCATTTTGAACAACAACGAACGATTAATCAAGTCCGACAACGGGTTTTCCAACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACCAACGAGTTGCATTTACGTACCATCAATGCTAATCTTGGCATGTTTGGCGCGATAAAAGAAATAACTGATTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718424.1\_9 [gene=atpH] [locus\_tag=MaesCp008] [db\_xref=GeneID:5999963] [protein=ATP synthase CF0 C subunit] [protein\_id=YP\_001718424.1] [location=complement(13966..14211)] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCCGTTATTGCTGCTGGGTTGGCCGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGCCAAGCTGTAGAAGGTATTGCAAGACAACCCGAGGCGGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACGATTTATGGACTGGTTGTAGCATTAGCACTGTTATTTGCGAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718425.1\_10 [gene=atpI] [locus\_tag=MaesCp009] [db\_xref=GeneID:5999986] [protein=ATP synthase CF0 A subunit] [protein\_id=YP\_001718425.1] [location=complement(15427..16176)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTTCTATCATGTTCCATCAACACACTAACACTAAGGGGGTTATATGATATATCCGGTGTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATAGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAAGTGCTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTCGGCCATTGTAGCTGTTCGGAATCCACAAACCATTCCAACTGGAGGTCAGAATTTCTTCGAATACGTCCTTGAATTCATTCGAGATGTGAGCAAAACTCAGATTGGAGAGGAATATGGCCCGTGGGTCCCCTTTATTGGAACTATGTTTCTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCGGGGGCGCTTTTACCTTGGAAGATCATACAGTTACCTCACGGGGAGTTAGCCGCACCTACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCATATTTTTATGCGGGTCTTAGCAAAAAAGGATTAGGTTATTTCAGTAAATACATTCAACCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCACTTAGCTTTCGACTTTTCGGCAATATATTAGCGGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTCAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCTGCGGCTTATATAGGCGAATCCATGGAGGGGCATCATTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718426.1\_11 [gene=rps2] [locus\_tag=MaesCp010] [db\_xref=GeneID:6000041] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_001718426.1] [location=complement(16437..17147)] [gbkey=CDS]

ATGATAAGAAGATATTGGAACATTAATTTTGAAGAGATGATGAAAGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAATCCGAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAGCGTAAAGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAGTTTTTGATGCAGCAAGTAGGAGAAAGCAATTCTTAATTGTTGGTACCAAAAATAAAGCAGCGGATTCAGTAGCGCGGGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTCGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCAGGGACTTGAGAATGGAACAAAAGGCAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGATGCGGCTCGATTGAAGAGACAGTTAGCTCACTTGCAAACATATCTGGGCGGGATTAAATATATGACGGGGTTACCCGATATTGTAATAATCGTTGATCAGCAAGAAGAATATACGGCTCTTCGGGAATGTATGACTTTGGGAATTCCAACAATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGACCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAACGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGATTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAGGGTCGTTCTAGCTATATACGAAATCCCTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718427.1\_12 [gene=rpoC2] [locus\_tag=MaesCp011] [db\_xref=GeneID:5999961] [protein=RNA polymerase beta'' subunit] [protein\_id=YP\_001718427.1] [location=complement(17421..21602)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTACTTATGGCCGAACGGGCCAATCTGGTCTTTCACAATAAAGCGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCACACATCCTGGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACCGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTCCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACACTATCATTATGGAAATGTACACGCGGTAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGATATGGTATGCTACAAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAACCTGAATTTTAGGATGACGGAACCCTTTAATCCAGTCCATATAATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATACATCTCAAGTACACCAATTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTACGCGAGGGACTGTCTTTAACAGAATATATCATTTCTTGCTATGGAGCCCGAAAAGGGGTTGTCGATACTGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACGCGTAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACACATTGTTGTACGTAGAACAGATTGTGGGACCGCCCGAGGGATCTCTGTGAGTCCTCGAAATGGGATGATGCCGGAAAGAATTTTTATTCAAACATTCATTGGTCGTGTATTAGCAGACAATATATATATGGGTCTACGATGCATTGCCATTCGAAATCAAGATATTGGGATTGGGCTTGCCAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATCTATTCGAACTCCCTTTACTTGTAGGAGTACGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGTCGGAGTCCTACTCATGGCGATCTAGTAGAATTGGGGGAAGCCGTAGGTATTATTGCGGGTCAATCCATTGGAGAGCCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACGTTTCATACCGGCGGAGTATTCACAGGGGGTACTGCAGAACATGTACGAGCCCCCTCTAATGGAAAAATCAAATTTAATGAGGATTTGGTTCATCCCATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCTTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTAAGAGTCAAGATATTATACATAACGTGACTATTCCACCAAAAAGTTTCCTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTGATTGCTGAAATTCGGGCGGGAGCATACACTTTGAATTTTAAAGAGAAGGTCCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTACTGATGTGTACCATGCACCCGAATTTACATATAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGTCATTTATGGATATTATCAGGAAGTTCGTGCAGATCCAGTATAGTTCCTTTTTCACTACACAAGGATCAAGATCAAATGAATGTTCATTCTCTTTCTGTCAAAAGAAGATATATTTCTAGTCCTTCCGTAAATAATGATCAAGTGAAACACAAATTCTTTAGTTCAGATTTTTCGGGTAAAAAAGAAAGTGGGATTCCTGATTATTCAGAACTTAATCGAAGCATATGTACTGGTCATTGTAATCTCATATATTCTACTATTCTCTACAAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATCATTCCATTCCAATCAATTCAAGAACGAGAGAAAGAACTAATGACCCAATCCGCTATCTCGATTGAGATACCTATAAATGGTATTTTCCGTAGAAATAGTGTTTTTGCTTATTTCGACGATCCCCAATACCGAAAAAAGAGTTCAGGAATTACTAAATATGGGGCTATAGGGGTGCATTCAATCGTCAAAAAAGAGGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAACGAAAGTGGATCGCTTTTTTTTCATTCCCGAGGAAGTGTATATTTTACCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGAACAATAGTATTATTGGAGTAGATACACAAATCGCTTTAAATACAAGAAGTCGGGTGGGCGGATTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAAAAAAAAAAATGGAACTTAAAATCTTTTCTGGAGATATCCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAAATATCCCGACACAGTGATATCTTAATACCACCAGGAACGGTAAAAACAAATTCTAAGGAATCAAAAAAAGTGAAAAATTGGATCTATATCCAACGAATCACACCTACCAAGAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACCAGTAATCATATATGAGATAGCGAACGGTATAAATTTAGAAACACTTTTCCCCCAGGATCTATTGCAGGAAAAGGATAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTATGGGACTGGTAAACCCATTCGGGGAATTTCTGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGACAAAAAAAGTTCTTCTATCGAAGAGGCCCGCGCTGCTTTTGTTGAAATAAGCACAAATGGTCTGATTCGTGATTTCCTAAGAATCAACCTAGTGAAATTCCATATTTCATATATCGGTAGAAAAAGGAATGATCCATCAGGTTCAGAACCGATCTCTAATAATGGGTCAGATCGTACCAATATTAATCCATTTTATCCCATTTATTCCAAGACAAGGGTTCAACAATCACTTAAACAAAATCAAGGAACTATTAGTACGTTGTTGAATATAAATAAGGAATGTCAATCTTTGATAATTTTGTCATCATCTAATTGTTTTCAAATGGATCCATTCAACGATGTAAAACATCACAATGTAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCCTATAATTCCAATTAGAAATTCGTTGGGCCCTTTAGGAACAGCCCTTCAAATTGCGAATTTTTATTTATTTTACCATTTAAATTTAATAACTCATAATCAGATCTCGGTAACTAAATATTCGAAACTTTACAATTTAAAACAGACTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGATGAAAACGGGAGAATTGTTAATCCCGATCCATGCAGTAACAGCGTTTTGAATCCATTCAATTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATTGTGAATCTTTCTTCACAATAATTAGCCTGGGACAGTTTATTTGTGAAAATTTATGTATGGCCAAAAACGGACCACATCTAAAATCGGGTCAAGTTATAATTGTTCACATTGACTCTGTAGTAATAAGATCCGCTAAGCCTTATTTGGCCACTCCAGGAGCAACCGTTCATGGCCATTATGGAGAAATCCTTTACGAAGGAAATACATTAGTTACATTTATATATGAAAAATCGAGATCTGGCGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTGGAACAAGTGTTAGAAGTGCGTTCAATTGATTCAATATCAATAAACCTAGAAAAGAGAGTGGAGGGTTGGAACGAGTGTATAACAAGAATTCTGGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTACTGAGCTAACTATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTAGTTAATAAGATCCAAAAGGTTTATCGATCCCAAGGGGTGCAGATCCATAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGTCAAATAACATCAAAAGTATTGGTTTCAGAAGACGGAATGTCTAATGTTTTTTCACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTGCGAGCGGAACGAACGGGACGCGCTTTGGAAGAAGCCATCTGTTACGGGGCCATATTATTGGGAATAACGCGAGCATCTCTGAATACTCAAAGTTTCATATCCGAGGCTAGTTTTCAAGAAACTACTCGCGTTTTAGCAAAAGCTGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTGAAAGAAAACGTTGTTCTAGGCGGTATGATACCCGTTGGTACCGGATTCAAAGGATTAGTGCAAGGCTCAAGGCAACATAAGAACATTCCTTTGAAAACCAAAAAGAAGAATTTATTCGAGGGGGAATTTAGAGATAGAGATATCTTATTCCACCACAGAGAGTTATTTGATTCTTGCATTTCCAAAAATTTATATGATACATCAGAACAATCATTTATAGGATTTAATGATTCCTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718428.1\_13 [gene=rpoC1] [locus\_tag=MaesCp012] [db\_xref=GeneID:6000060] [protein=RNA polymerase beta' subunit] [protein\_id=YP\_001718428.1] [location=complement(join(21771..23381,24158..24589))] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATCAGTTTCGCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAATCCTACCTAACGGAGAGATTGTTGGAGAGGTGACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAGGATGGATTATTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCAATAAAAAGTGGAATTTGTGCGTGTGGAAATTATCGAGTAATCAGGAATGAAAAAGAAGACCAAAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAATTTGTTGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTGGCATGCCCAGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCAAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCCTAGTATACTGCGATTTTTCTTTTGCTAGGCCCATAGCTAAAAAACCTACTTTTTTACGATTACGAGGTTCATTCGAATATGAAATCCAATCCTGGAAATACAGTATTCCGCTTTTTTTTACTACCCAATGCTTCGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATCCGAGAACAATTAGCCGATCTGGATTTGCGAATTATTATAGATTATTCATCGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCTACCGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTAGACGTGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATCGAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCAGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTAATGAGTTCAGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACCCCAGGGGAATTAGTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGACGGTCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCGGATGTAATTGAAGGCAAAGAAGGAAGATTTCGTGAGACTATGCTTGGCAAACGGGTTGATTATTCGGGGCGTTCTGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAAATAGCAATAGAGCTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGACAACATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAGCCAATTGTATGGGAAATACTTCACGAAGTTATGCAGGGGCATCCAGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTCTGCATAGATTAGGCATACAGGCATTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGCGCTATTTGTTTACATCCATTAGTTTGTAAGGGATTCAATGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCCTTATCGTTGGAGGCTCAAGCGGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTTCTGTCTCCAGCTATTGGAGATCCCATTTCCGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGGCTCTATGTATTAACAAGCGGGAATCGTCGAGGTATTTGTGCAAATAGGTATAATCCATGTAATCGCAGAAATTATCAAAATAAAAGAATTGACGGTAATAACGATAAATATACGAAAGAACCCCTTTTTTCTAATTCCTATGATGCACTTGGCGCTTATCGGCAGAAAAGAATCCATTTAGATAGTCCTTTGTGGCTCCGGTGGCAGCTAGATCAACGCGCTATTACTTCAAGAGAAGCTCCCATCGAAGTTCACTATGAATCTTTGGGTACCTATCATGAGATTTATGAACACTATCTAATAGTAAGAAATATAAAAAAAGAAATTCTTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTCTTTATCGAGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGCCAAGCCTGCTCAGATGGTATCTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718429.1\_14 [gene=rpoB] [locus\_tag=MaesCp013] [db\_xref=GeneID:6000006] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_001718429.1] [location=complement(24616..27828)] [gbkey=CDS]

ATGCTCGGGGATGGAAATGAGGGAATGTCTACAATACCTGGATTTAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGTAGATTCATTGATCAGGGCTTAACAGAAGAACTTTATAAGTTTCCAAAAATTGAAGATACAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTAGTAGAACCCTTGATAAAAGAAAAAGATGCTGTATATGAATCACTTACATATTCTTCTGAATTATATGTATCCGCAGGATTAATTTGGAAAACCAGTAGGGATATGCAAGAACAAACAATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTGGGAACTTTTATAATAAATGGAATATACAGAATTGTGATCAATCAAATATTGCAGAGTCCGGGTATCTATTACCGGTCAGAGTTGGAACATAATGGAATTTCGGTCTATACCGGCACCATAATATCAGATTGGGGGGGGAGAGTAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCTCGTGTGAGTAGGAAACAGAAAATATCTATTCTAGTTCTATCATCAGCTATGGGTTTGAATCTAAAAGAAATTTTAGAGAATGTGTGCTACCCTGAAATTTTCTTATCTTTCCTGAATGATAAGGAAAAAAAAAAAATTGGGTCAAAGGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCAATATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAAGATTGGTCGATTAAATATGAACCGGAAACTGAATCTTGATATACCCCATAACAATACATTTTTGTTACCACGAGATATATTGGCAGCTGCGGATCGTTTGATTGGAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCTGTAGCGGATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTGATTCGTTTAGAAAATGTAGTTCGAGGGACTATATGTGGAGCAATTAGGCATAAATTGATACCGACCCCTCAAAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACTTATGAATCTTTTTTCGGATTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATTGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTAACAGGACGAACTGCTAGTTTTCGGATACGAGATATCCACCCTAGTCATTATGGGCGCATTTGCCCAATTGACACGTCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGATCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGGTTATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGAAATCTCTGAGGGATCAAAAAAAGTACGGATGTTTTATTTATCGCCAAATAGAGAGGAATACTATATGGTAGCGGCAGGAAATTCTTTGGCGCTGAATCGAGGTGTTCAGGAAGAACAGGTTGCTCCGGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACGGGTGCATCTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCTAATATGCAACGTCAAGCAGTTCCACTTTCTCGGTCCGAAAAATGCATTGTTGGAACTGGATTGGAACGCCAAGTGGCTCTAGATTCAGGGGTTCCTGCTATAGCCGAACACGAGGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAGATCATTTTATCAGGTAATGGGGATACTCTACGCATTCCATTAGTTAGGTATCAACGTTCCAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAAACCCAGCTTCGGCGGGGTAAATGCATTAAAAAGGGACAAGTTTTAGCGGATGGTGCCGCTACAGTTGGTGGCGAACTTGCCTTGGGCAAAAACGTATTAGTCGCTTATATGCCATGGGAAGGTTACAATTTTGAGGATGCGGTACTCATTAGCGAGCGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGGAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGCCAAGGACCTGAAAGGATCACTAACGAAATACCGCATCTAGAGGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAACGGAATTGTGATGCTAGGATCTTGGGTAGAGACGGGCGATATTTTAGTAGGTAAATTAACGCCTCAAATGGCGAAAGAATCATCGTATGCTCCGGAAGATAGATTATTAAGAGCCGTACTTGGTATTCAGGTATCTACTTCAAAAGAAACTTGTCTAAAACTACCTATAGGTGGTAGGGGTCGAGTTATTGATGTGAGATGGATCCAGAAAAAGGGGGGTTCCTGTTATAATCCGGAAAGGATTTGTGTATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTAGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCCAAAATTTTGCCTAGACAAGATATGCCTTATTTGCAAGATGGAAGACCTGTTGATATGGTCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAGCGGGAGGTCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCGAGAAAACTAGTGTTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAGTATCCGGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACGGGGGATCCTTTTGAACAGCCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGGGGACAACGGGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAGGGGTTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAAATGCTGACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTGCTTGGTACTACGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAAGATGCTCCCGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTGGAACTGAATCATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATTACTAGGAAGGAAGCTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718430.1\_15 [gene=petN] [locus\_tag=MaesCp014] [db\_xref=GeneID:5999991] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VIII] [protein\_id=YP\_001718430.1] [location=29373..29462] [gbkey=CDS]

ATGGATATAGTAAGTCTCGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCACTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTCTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718431.1\_16 [gene=psbM] [locus\_tag=MaesCp015] [db\_xref=GeneID:5999981] [protein=photosystem II protein M] [protein\_id=YP\_001718431.1] [location=complement(30812..30916)] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCATTTATTGCTACTGCACTGTTCATTCTAGTTCCTACTGCTTTTTTACTTATAATATACGTAAAAACAGTTAGTCAAGGTGATTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718432.1\_17 [gene=psbD] [locus\_tag=MaesCp016] [db\_xref=GeneID:6000044] [protein=photosystem II protein D2] [protein\_id=YP\_001718432.1] [location=35317..36378] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGTGCCTATTTCGCCGTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACGTCATGGTATACCCATGGATTGGCCAGTTCCTATTTGGAAGGCTGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCACATTCTTTGTTATTATTATGGGGTCCTGAAGCACAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGTGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTCCACGGTGCTTTTGGACTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCTGTGCAATTGCGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGGTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCATTAGGCCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCGCCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGAGTTGCCGGCGTATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACTGTAGAAAATACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCAAATACATTCCGTGCCTTTAACCCAACTCAAGCTGAAGAAACTTATTCAATGGTCACCGCTAACCGCTTTTGGTCTCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACCGGTTTATGGATGAGCGCTCTTGGAGTAGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCAGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACTAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718433.2\_18 [gene=psbC] [locus\_tag=MaesCp017] [db\_xref=GeneID:6000023] [protein=photosystem II 44 kDa protein] [protein\_id=YP\_001718433.2] [location=36362..37747] [gbkey=CDS]

GTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACCACTGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGGAATGCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAAACTATTGGGAGCTCATGTAGCTCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTGTACCGGAGAAGCCAATGTACGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGATACCTTTCCATACTTTGTATCCGGTGTACTTCACTTAATTTCCTCTGCAGTATTGGGCTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGACTCTTGAAGAATCTTTTCCATTTTTTGGTTATGTATGGAAAGATCGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGCGTATATGATACCTGGGCTCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTTGGTTATTTACTAAAATCCCCCTTTGGAGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGAGGGCATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAATCTGGCATATCTTAACCAAACCCTTTGCATGGGCTCGCCGTGCACTTGTGTGGTCTGGAGAGGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACCGCGTATCCTAGTGAGTTTTACGGACCTACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTCTAGTTAGAGATCAACGTCTTGGGGCTAACGTGGGATCCGCTCAAGGACCTACCGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCGCCTACCGGAGAAGTTATTTTTGGAGGCGAAACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCTCTAAGAGGTCCAAATGGTTTGGACTTGAGTAGGTTGAAAAAAGACATTCAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCGCCTTTAGGTTCGTTAAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAGATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGATTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCATGCGGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTTTCCATGACTCCTCTTAACTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718434.1\_19 [gene=psbZ] [locus\_tag=MaesCp018] [db\_xref=GeneID:6000002] [protein=photosystem II protein Z] [protein\_id=YP\_001718434.1] [location=38368..38556] [gbkey=CDS]

ATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGCTACTTCATCAATCTTACTGATTAGTGTACCTGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGTTGGTCGAGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTCTTTCTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718435.1\_20 [gene=rps14] [locus\_tag=MaesCp019] [db\_xref=GeneID:6000050] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_001718435.1] [location=complement(39647..39949)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGGAAAAGTTTGATTCAGCGGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATGCGTCGATCCTCAAAAAAAGAAATAAGCAAAGTTCCGTCGTTAAGTGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCCACCGCGGAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTCGACTGGAAGACCGAGAGCTAATTATCGAGACTTTGGGCTATCCGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTGCCGGGGGCAACAAGATCAAGTTGGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718436.1\_21 [gene=psaB] [locus\_tag=MaesCp020] [db\_xref=GeneID:6000030] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A2] [protein\_id=YP\_001718436.1] [location=complement(40072..42276)] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAGAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCACTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCAATTTGGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGGAAGCTTTTACTCGAGGGGGTGCTCCTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATCGGTTTACGTACTAATGAAGATCTTTATATTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTACTAGGGGGTTGGTTACACCTACAACCAAAATGGAAACCGAGCGTTTCGTGGTTCAAAAATGCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGCTCTTTGGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCTATTCCCGGCTCCCGGGGGGAATACGTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTACCACATCCCCAAGGGTTAGGCCCGTTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCAGGTAGTCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGAGCGGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCATTTATTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCATAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCGCATATTCCTCCGGGGGGGCGATTGGGGCGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGCCTTGCTCTAGCTTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTAGTGGCTCAACACATGTACTCATTACCTGCTTATGCGTTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAATGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGTCTCTTTCTTGGATTCCATACTTTGGGACTTTATGTTCATAATGATGTCATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTAATCGAACCCATATTCGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGTAAAACTTCATATGGGTTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTCCAGCCTTCAATGCAGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGCTGGTTAAATGCTATTAATGAAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGGCCTGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGGTTACATACAACCACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGCGGTTCGAAGTTAATGCCAGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGTGATGGTCCGGGACGCGGCGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAACCCTTTTGGTATGAATAGCTTATCGGTCTGGGCGTGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACTTTAGCATGGGCTCATGAGCGTACACCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCCCACTTTTCCGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718437.1\_22 [gene=psaA] [locus\_tag=MaesCp021] [db\_xref=GeneID:5999964] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1] [protein\_id=YP\_001718437.1] [location=complement(42302..44554)] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTCAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCATCAAAACTTCTTTCGAGGAATGGGCCAGACCCGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAAGGACCTGATACTACTACTTGGATCTGGAACCTACATGCTGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAGTGATTTGGAGGAGATTTCTCGGAAAGTATTTAGTGCTCATTTCGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGCATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAACTATGAAGCATGGCTAAGCGATCCTACTCACATTGGACCTAGCGCCCAAGTGGTTTGGCCAATAGTGGGTCAAGAAATATTGAATGGCGATGTGGGCGGGGGTTTCCGAGGAATACAAATAACCTCCGGTTTTTTTCAGATTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACCGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCTCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCTATGTTGAATCACCATTTAGCGGGGCTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGACATCAAGTACATGTATCTTTACCAATTAACCAATTTCTAAACGCTGGAGTGGATCCTAAAGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACCTTGAATTGGTCAAAATATTCGGACTTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTGACTGGGGGTCTATGGCTGACCGATACTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACTAACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTTACAGGTCAGGGTCATAAAGGCCTATATGAGATCCTAACAACATCATGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTAGCTATGTTAGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCCCCTTATCCATATCTAGCTACTGATTATGGTACACAACTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTTCTCATAGTTGGTGCTGCTGCGCATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTCCTTAGGCATCGCGATGCAATCATATCACATCTCAACTGGGTATGTATATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGCGCTTTAGGGCGCCCTCAAGATATGTTTTCAGATACTGCTATACAATTACAACCTGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATGCTTTAGCACCTGGTGCAACGGCTCCTGGTGCAACAGCAAGCACCAGTTTAACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTCGGCGGCAAGGTTGCTTTGTTACCGATTCCATTAGGAACCGCGGATTTTTTGGTACATCACATTCATGCATTTACGATTCATGTGACGGTATTGATACTTCTGAAAGGAGTTCTATTTGCCCGCAGTTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTTCCTTGTGATGGACCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGACTATTTTGGATGTACAATTCCATTTCGGTAGTAATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTTGCACAGAGTTCCATTACTATTAATGGATGGCTCCGTGATTTCTTATGGGCACAGGCGTCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTTTTTTTCCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGCGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718438.1\_23 [gene=ycf3] [locus\_tag=MaesCp022] [db\_xref=GeneID:5999976] [protein=photosystem I assembly protein Ycf3] [protein\_id=YP\_001718438.1] [location=complement(join(45304..45456,46120..46347,47072..47197))] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCTCGGATAAATGGAAATTTTATTGATAAGACTTTTTCAGTTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACTTCGGGAGAAAAAGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGTATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGGCTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAATGGAGAACACACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCCTTCTTACCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACCGAGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAGGCTTGGTTCGATCAAGCCGCGGAGTATTGGAAACAAGCTATAGCGCTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTGAAAATCACAAGGCGTTTCGAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718439.1\_24 [gene=rps4] [locus\_tag=MaesCp023] [db\_xref=GeneID:6000010] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_001718439.1] [location=complement(48002..48607)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACGCCGTCTGGGGGCTTTGCCGGGACTAACTAGTAAAAGGCCTAGAGTCGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAAAATTGCGTTTTCATTATGGTGTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTCGTATCGCCGCAAAAGCCAAAGGGTCAACAGGTCAGGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGCTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATGGCGTCAACTATTCCTCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCGAGGGATGAACAAAAATCTAGAGCTATGATTCAAAATGATCTTGATTCATCCCCCCAGGAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCACCCATTCCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGTTGGCTTGAAAATAAATGAATTGCTAGTGGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718440.1\_25 [gene=ndhJ] [locus\_tag=MaesCp024] [db\_xref=GeneID:5999997] [protein=NADH dehydrogenase subunit J] [protein\_id=YP\_001718440.1] [location=complement(51488..51964)] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCGTTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACATGGGCTAGTTCATAGATTTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGAAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTGCGTTCGCAATGTGCCTATGATGTAGCACCGGGCGGGCTGTTAGCTAGTGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGGTATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAAGTCTTTGCCCCAAGGAAAAATCCTAGAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCAAGAAAGGGAATCTTATGATATGCTGGGAATCTTTTATGATAATCATCCGCGTCTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGATAGGGTGGCCCTTACGTAAGGATTATATTGCTCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCTCATTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718441.1\_26 [gene=ndhK] [locus\_tag=MaesCp025] [db\_xref=GeneID:6000072] [protein=NADH dehydrogenase subunit K] [protein\_id=YP\_001718441.1] [location=complement(52077..52754)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCCATTGAGTTTCCTTTACTTGATCGAACAACTCAAATTTCAGTTATTTCAACTACATCAAATGATCTTTCAAATTGGTCAAGACTCTCCAGTTTATGGCCACTTCTCTATGGTACCAGTTGTTGCTTCATTGAATTTGCTTCATTAATAGGCTCACGATTCGACTTTGATCGTTATGGGCTAGTACCAAGATCTAGTCCTAGACAAGCGGACCTGATTTTAACAGCCGGCACAGTAACCATGAAAATGGCTCCTTCTTTAGTAAGATTATATGAACAAATGCCTGAACCAAAATATGTTATTGCTATGGGGGCATGTACAATTACAGGGGGAATGTTCAGTACCGATTCTTATAGTACTGTTCGGGGGGTCGATAAGCTAATTCCTGTAGATGTCTATTTGCCAGGCTGTCCACCTAAACCGGAGGCGGTTATAGATGCTATAACAAAACTTCGTAAAAAAATATCTCGAGAAATTTATGAAGATCGAATTAGGTCTCAACCGGGGAAACGGTGTTTTACTACTAATCACAAGTTTAATATTGAACGCACTACTCATACCGGAAATTATGATCAAGAATTACTCTATCAATCGCCGTCTACTTCAAAGATCCCTCCTGAAACATTTTTCAAATATAAAAGGTCAGTATCGTCTAACGAATTAGTAAATTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718442.1\_27 [gene=ndhC] [locus\_tag=MaesCp026] [db\_xref=GeneID:6000062] [protein=NADH dehydrogenase subunit 3] [protein\_id=YP\_001718442.1] [location=complement(52815..53177)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGATTTACGAATATGATATATTCTGGGCATTTCTAATAATATCAAGTGTTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTATCCCCGATTAGCAAAGGGCCGGAGAAACTTTCTAGTTATGAATCGGGTATAGAACCAATAGGCGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTATTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACAGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTCGATGTATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATTGTTGGTTCAGTTTATGCATGGAGAAAAGGAGCATTAGAATGGTCTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718443.1\_28 [gene=atpE] [locus\_tag=MaesCp027] [db\_xref=GeneID:5999950] [protein=ATP synthase CF1 epsilon subunit] [protein\_id=YP\_001718443.1] [location=complement(55411..55812)] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCGAATCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGACAAATTGGCGTATTACCAAACCATGCACCTATTGCCACAGCTGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTAATGACCAATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGATTACTGTTTTAGTAAATGATGCAGAGAAGGGTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACTCTTGAAATAGCAGAAGCTAACTTGAGGAAAGCGGAAGGCAGGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGAGTAGAGGCTCTCAATGAGATTTCGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718444.1\_29 [gene=atpB] [locus\_tag=MaesCp028] [db\_xref=GeneID:5999989] [protein=ATP synthase CF1 beta subunit] [protein\_id=YP\_001718444.1] [location=complement(55809..57311)] [gbkey=CDS]

ATGAGAATCAATCCTACTACTTCTACTTCTGGTCCGGGAGTTTCCGCGCTTGAAAAAAAGAACCTGGGGCGTATCGCTCAAATCATCGGGCCAGTGCTAGATGTAGCTTTTCCCCCGGGCAAGATGCCTAATATTTACAACGCTCTGGTAGTTAAGGGTCGAGATACTGCCGGTCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGGGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAACGAGAGGAATGGAAGTGATTGACACAGGAGCCCCTCTAAGTGTTCCAGTCGGTGGGGCAACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTGTTGACGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGCGCAACATCCCCTATTCATAGATCTGCACCTGCCTTTATACAGTTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAAACAGGAATTAAAGTAGTAGATCTTTTAGCCCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGGCTATTCGGGGGAGCTGGAGTGGGTAAAACAGTACTTATTATGGAATTAATCAATAACATTGCGAAAGCTCATGGGGGTGTATCCGTATTTGGCGGAGTAGGCGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTGACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTTCGAGATGTTAATGAACAAGACGTACTTCTATTTATCGACAATATCTTCCGTTTCGTCCAAGCAGGATCCGAAGTATCCGCCTTATTGGGTAGAATGCCTTCCGCTGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGCTCTTTACAAGAAAGAATTACTTCTACCAAAGAAGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCAGTTTATGTACCTGCGGACGATTTGACTGATCCTGCTCCTGCCACGACATTTGCACATTTAGATGCTACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCTAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACGTCAACTATGCTCCAACCTCAGATTGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACTGTAGCAAGAGCACGAAAAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCCTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCTCCGGGGAAATATGTCGGTCTAGCAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTGATCCTTTCGGGAGAATTAGATAGTCTCCCTGAGCAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATTGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAACAACTTGAAGAAATGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718445.1\_30 [gene=rbcL] [locus\_tag=MaesCp029] [db\_xref=GeneID:5999955] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_001718445.1] [location=58063..59496] [gbkey=CDS]

ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGACTATCAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCGGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACGGCCTCGAGCCCGTTCCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTACCCATTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCTATTGTGGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTACGCGCCCTACGTCTGGAGGATTTGCGAGTCCCTCCTGCTTATTCTAAAACTTTCCAAGGGCCTCCTCATGGCATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCCCTATTAGGTTGTACTATTAAACCAAAATTGGGGCTATCCGCTAAGAATTACGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTTCGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGACGATGAGAATGTGAACTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCTTATTTTGTGCCGAAGCAATTTATAAAGCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGGCATTATTTGAATGCTACTGCAGGTACATGCGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTATGTGCCAGAGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGGGGATTCACTGCAAATACTAGCTTGGCTCACTATTGCCGAGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCACCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCATTTTCGTGTACTAGCTAAGGCTTTACGTCTGTCTGGTGGAGATCATATTCACGCTGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGGGAAAGAGACATTACTTTGGGCTTTGTTGATTTACTGCGTGATGATTTTATTGAAAAAGATCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTCTACCAGGTGTTCTGCCTGTAGCTTCAGGGGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCCGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAGGGACGTGATCTTGCTCGTGAGGGTAATGATATTATCCGTGAGGCTAGCAAATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAAATTAAATTTGAATTCGCAGCAGTGGATACTTTGGATAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718446.1\_31 [gene=accD] [locus\_tag=MaesCp030] [db\_xref=GeneID:6000068] [protein=acetyl-CoA carboxylase beta subunit] [protein\_id=YP\_001718446.1] [location=60304..62031] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAACGGTGGTTCAATTCGATCTTATCCAATGTGGAATTAGGATACAGGTGTAGGCTAAGTAAATCAATGGATAGTTTCAGTTCTCTTGAAAATACCAGTATAAGCGAAGACCCAATTCTAAATGATACAGATAAAAACACCCATAGTTGGAGTAATAGTAATAGTAATAGTGACAGCTCTAGTTATAGTAATGTTGATCATTTAGTCGGCGTCAGGGACATTCAGAATTTCGGCGCCGATGAAACTTATTTAGTTAGGGATAGTAATAAGGACAGTTATTCCATATATTTTGATATTGAAAATAAAGTTTTTGAGATTGACAATGATCATTCTTTTCTGAGTGAACTAAAAAGTTCTTTTTATAGTTATTGGAATTCTAGTTATCTGAATAATGGGTCTAGGAGTGGCGACTCCCACTCTGATCATTATATGTATGATACTAAATATAGTTGGAATAATTACATCAATAGTTGCATTGACAGTTATCTTCGCTCTCAAATCTGTATTGATAGTTATATTTTAAGTGGTAGTAACAATTACAGTGAAAGTTACATTTATAGTTACTACATTTATAGTTACTTTTGTGGTGAAAGTGGAAATAGTAGTGAAAGCGAGAGTTCCAGTCTAAGAACTAGCACGAGTGGTAGCGATTTAATTATAAGAGAAAGTTCTAATGATGAAAGTTCTAATGATAATGATGAAAGTTATAATGATAATGATGAAAGTTATAATGATAATGATGAAAGTTATAATGATGATGATGAAAGTTATAATGATGAAAGTTCTAATGATAATGATGAAAGTTATAATGATAATGATGAAAGTTATAATGATGATGATGAAAGTTATAATGATGAAAGTTCTAATGATAATGATGAAAGTTCTAATGATCTCGATATAACTCAAAAATACAAGCATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAATTATAAGAAATTTTTTAAGTCAAGAATGAATATTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAGTAGTTCAGATAGAATTGAACTTTTGATTGACCTAGACACTTGGGATCCTATGGATGAAGACATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAGGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAGAAAGACAGGATTAAGTGAGGCTGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAACGGCATTCCCGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCGGTTTATGGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGTGAGAAAATCACTCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATAAATTTTTACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCATTATATGATTATCAATCGAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACATCTCCTACGACTGGTGGGGTGACAGCTAGTTTTGGTATGTTGGGGGATATCATTATTGCTGAACCTAATGCCTATATTGCGTTTGCAGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAGACAGTACCTGAAGGTTCGCAATCGGCCGAATTTTTATTCCATAAAGGCTTATTTGATCTAATCGTACCGCGTAATCTTTTAAAGGGCGTTCTGAATGAGTTACTTCAGTTCCACGATTTCTTTCCTTTGAATCATAAATCAAAGTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718447.1\_32 [gene=psaI] [locus\_tag=MaesCp031] [db\_xref=GeneID:5999994] [protein=photosystem I subunit VIII] [protein\_id=YP\_001718447.1] [location=62810..62923] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTCAACAACTTACCCTCCATTTTTGTGCCTTTAGTGGGCTTAGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATTTCTTTATGTTCAAAAAAACAAGATTTTTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718448.1\_33 [gene=ycf4] [locus\_tag=MaesCp032] [db\_xref=GeneID:6000057] [protein=photosystem I assembly protein Ycf4] [protein\_id=YP\_001718448.1] [location=63384..63938] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACGTATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGAAAAACAAGTAATTTCTGCTGGGCCTTTATACTTTTTTTAGGTTCATTGGGATTTTTATTGGTTGGAATTTCCAGCTATCTTGGCAGAAATTTGATATCTTTATTTCCGTCTCAGCAAATAATTTTTTTCCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTCTATTTATTAGTTCTTATTTGTGGTGCACAATTTTATGGAATATAGGTAGTGGTTATGATCGATTCGATAGAAAAGAAGGAATAGTGTGTATTTTTCGCTGGGGATTTCCTGGAAAAAATCGTCGCATCTTACTACGATTCCTTATGAAAGATATTCAGTCTATTAGAATAGAAGTTAAAGAGCGTATTTATGCTCGGCGTGTCCTTTATATGGAAATCAGAGGCCGGGGGGCTATTCCTTTGACTGGTACTGATGAGAATTTGACTCCACGAGAAATTGAGCAAAAAGTAGCGGAATTGGCCTATTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTATTTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718449.1\_34 [gene=cemA] [locus\_tag=MaesCp033] [db\_xref=GeneID:6000061] [protein=envelope membrane protein] [protein\_id=YP\_001718449.1] [location=64854..65549] [gbkey=CDS]

ATGAAAAAATGGAAAAAAAAAACATTTATTCCCCTTCTATATCTTACATCTATAGTTTTTTTGCCCTGGTGGGTCTCTTTTTTATTTAATAAAAGTTTGGAATCTTGGATTATTAATTGTTGTAATACTAGTAAATCCGAAACTTTTTTAAATGATATCCAAGAAAAAAGTATTCTAGAAAAATTCATGGAATTAGAAGACCTCGTTCGCTTAAACGAAATAATAAAGGAATACCCGGAAACACATCTACAAAAGTTTCGTATCGGAATCCACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAGGATCGTATCCATACGATTTTGCACTTCTCGACAAATATAATCTGTTTCATTATTCTAAGTGGTTATTCTATTCTAAGTAATGAAGAACTTATTATTCTTAATTCTTGGGTTCAAGAATTCCTATATAACTTAAGCGACACAATAAAAGCTTTTTCCATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCATTCACCTCACGGTTGGGAACTAATGATCGGCTCTGTCTACAAAGATTTTGGATTTGCCCATAACGATCAAATTATATCTGGCCTTGTTTCTACTTTTCCAGTCATTCTCGATACCATTTTTAAATATTGGATTTTCCGTTATTTAAATCGCGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718450.1\_35 [gene=petA] [locus\_tag=MaesCp034] [db\_xref=GeneID:5999988] [protein=cytochrome f] [protein\_id=YP\_001718450.1] [location=65788..66750] [gbkey=CDS]

ATGCAAACTAGAAAGACCTTTTCTTGGATAAAAGAAGAGATTACTCGTTCAATTTCCGTATTGCTCATGATATATATAATAACTTGGGCATCCATTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAGCAGGGTTATGAAAATCCACGCGAAGCAACTGGTCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAACCCGTGGATATTGAGGTTCCACAAGCGGTACTTCCAGATACTGTATTTGAAGCAGTTGTTCGAATTCCTTATGATATGCAACTGAAACAAGTTCTTGCTAATGGTAAAAAGGGGGCTTTGAACGTGGGGGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGGTTTGAATTAGCCCCTCCCGATCGTATTTCGCCAGAGATGAAAGAAAAGATGGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACTAAAAAAAATATTCTTGTGATAGGTCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCTATTCTTTCTCCGGACCCCGCCGCTAAGAAAGATGTTCACTTTTTAAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGCAACAATACGGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGTATAGTAAGCAAAATCATACGAAAAGAAAAAGGGGGGTACGAAATAACCATAACGGATGCGTCAGAGGGACGTCAAGTGATTGATATTATACCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATTAAACTTGATCAACCATTAACGAGTAATCCTAATGTGGGTGGATTTGGTCAGGGGGATGCAGAAATAGTACTTCAAGACCCATTACGCGTCCAAGGCCTTTTGTTCTTCTTGGCATCCGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTCTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718451.1\_36 [gene=psbJ] [locus\_tag=MaesCp035] [db\_xref=GeneID:5999978] [protein=photosystem II protein J] [protein\_id=YP\_001718451.1] [location=complement(67882..68004)] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGAAGAATTCCTCTTTGGATAGTAGGTACTGTAACTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGATTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718452.1\_37 [gene=psbL] [locus\_tag=MaesCp036] [db\_xref=GeneID:6000067] [protein=photosystem II protein L] [protein\_id=YP\_001718452.1] [location=complement(68156..68272)] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAATCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718453.1\_38 [gene=psbF] [locus\_tag=MaesCp037] [db\_xref=GeneID:5999975] [protein=photosystem II protein VI] [protein\_id=YP\_001718453.1] [location=complement(68299..68418)] [gbkey=CDS]

ATGACCATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGGCTGTTCACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTCTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718454.1\_39 [gene=psbE] [locus\_tag=MaesCp038] [db\_xref=GeneID:5999958] [protein=photosystem II protein V] [protein\_id=YP\_001718454.1] [location=complement(68427..68678)] [gbkey=CDS]

ATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATTACCAGTATTCGATATTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGTACGGGTTTAGCTTACGATGTATTTGGAAGTCCTCGTCCAAATGAATATTTTACCGAAAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718455.1\_40 [gene=petL] [locus\_tag=MaesCp039] [db\_xref=GeneID:6000071] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VI] [protein\_id=YP\_001718455.1] [location=70200..70295] [gbkey=CDS]

ATGCCTACTATAACTAGTTATTTCGGTTTTCTACTAGCGGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTATTTATTGGTCTGAGCAAGATACGACTTATTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718456.1\_41 [gene=petG] [locus\_tag=MaesCp040] [db\_xref=GeneID:6000019] [protein=cytochrome b6/f complex subunit V] [protein\_id=YP\_001718456.1] [location=70487..70600] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTTTTCTATTTGGAATCGTCTTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTCGTAACTGCATATTTACAATACAGACGTGGTGATCAGTTGGACCTTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718457.1\_42 [gene=psaJ] [locus\_tag=MaesCp041] [db\_xref=GeneID:6000014] [protein=photosystem I subunit IX] [protein\_id=YP\_001718457.1] [location=71329..71463] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATTTATCTGTAGCACCGGTAATAAGTACTCTATGGTTTGGGTCTTTAGCAGGTCTATTGATAGAGATCAATCGTTTTTTCCCAGATGCGTTGACATTCCCTTTTTTTTCATTCTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718458.1\_43 [gene=rpl33] [locus\_tag=MaesCp042] [db\_xref=GeneID:6000070] [protein=ribosomal protein L33] [protein\_id=YP\_001718458.1] [location=71958..72158] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGTAAGGATATCCGAATAAGGGTTATTTTAGAATGTACCACTTGTACTCGAAACAGTGTTAATAAGAAATCAACAGGCATTTCTAGATATATTACTCAAAAGAATCGACACAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCGCTATTGTTACAAACATACAATTCACGGGGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718459.1\_44 [gene=rps18] [locus\_tag=MaesCp043] [db\_xref=GeneID:6000065] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_001718459.1] [location=72579..72863] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCCAAACGACTTTTTCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTCGTTACCTTTTCTTAATAATGAAAAACAATTTGAAAAAAAGCGAGTTGGTCGCTATAACTACTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718460.1\_45 [gene=rpl20] [locus\_tag=MaesCp044] [db\_xref=GeneID:6000024] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_001718460.1] [location=complement(73205..73558)] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGAAGGCGTAGAACAAAAATTCGTCTATTCGCATCAAGCTTTCGCGGGGCCCATTCAAGACTTACTCGAACTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGGTTTCGGCCCATCGGGATAGAGATAGGCAAAAAAGAAATTTTCGTCGTTTGTGGGTTACTCGGATAAATGCAGTAATTCGCGAGAGCACGGTATCCTATAGTTATAGTAGATTAATAAACAATCTGTACAAGAGACAGTTACTTCTTAATCGTAAAATACTTGCACAAATAGCTATATTAAATAGGAATTGTCTTTATATGATTTCCAATGACATTCTAAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718461.1\_46 [gene=rps12] [locus\_tag=MaesCp045] [db\_xref=GeneID:5999968] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_001718461.1] [location=join(complement(74362..74475),146526..146757,147294..147319)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCCCCCGCTCTTGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAAATATGGGGTCAAAAAGCCAAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718462.1\_47 [gene=clpP] [locus\_tag=MaesCp047] [db\_xref=GeneID:6000066] [protein=ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit] [protein\_id=YP\_001718462.1] [location=complement(join(74681..74908,75603..75893,76735..76803))] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTCCCTTTTCGAAATCCTGGGGAAGACGATTCAACTTGGATTGACATAAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGATGTTGATAGCGAGATCGCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAAAACGCGACAAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCCGGCGGATGGGTAATACCCGGAATAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCCGATGTACAAACAGTATGCATGGGATTAGCTGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTGGTCGGAGGAAAAATTACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCTAGGGTAATGATTCATCAACCTATTTCTGGTTATTATGAGGCACAAATAGTAGAATTTGTCCTGGAAGCGGAAGAACTACTGAAACTGCGCGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGAAAACCTTTATGGGTTGTATCCGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAACCGAAGCCCAAGCTCATGGAATTGTTGATCTTGTAGCAGTTGCATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718463.1\_48 [gene=psbB] [locus\_tag=MaesCp048] [db\_xref=GeneID:5999952] [protein=photosystem II 47 kDa protein] [protein\_id=YP\_001718463.1] [location=77269..78795] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCTTTGGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCGATGGCTCTATATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTCGTTATACCTTTTATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGTGGTTGGAGTATCACAGGAGGAACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGCGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCTGGCTTGTGCTTCTTGGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGCGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTTGCCCAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCCGGGGTGGCTTGCTTTGGGTTTGGCGCTTTTCATGTAACCGGATTGTATGGTCCTGGAATATGGGTGTCCGACCCTTATGGACTAACCGGAAAGGTACAACCTGTAAGTCCAGCATGGGGTGTGGAAGGTTTTGATCCTTTTGTTCCGGGAGGAATAGCTTCTCATCATATTGCAGCGGGGACATTGGGCATATTAGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTCCGCCCGCCCCAACGTTTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACTGTCCTTTCCAGTAGTATCGCGGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCTGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAATTATTTGGTCCCACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAGCAAGAAATATATCGAAGAGTTAGTGCTGGGCTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCCGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAGCTTTTTATGATTACATCGGCAATAATCCGGCAAAAGGTGGGTTGTTCAGAGCAGGCTCAATGGACAACGGGGATGGAATAGCTGTTGGGTGGTTAGGACATCCTATCTTTAGAGATAAAGAAGGGCGTGAACTTTTTGTACGTCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCGGAGTCGAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACTGTTGAGTTCTATGGTGGCGAACTAAACGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGTTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGCGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTGAAATCCGATGGTGTTTTTCGTAGCAGCCCAAGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTCGCTCTGCTCTTTTTCTTCGGACACATTTGGCATGGTGCTCGAACTTTGTTCAGAGATGTTTTTGCTGGTATTGATCCAGATTTAGATGCTCAAGTGGAATTTGGAGCATTCCAAAAACTTGGAGATCCGACTACAAGAAGACAAGTAGTCTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718464.1\_49 [gene=psbT] [locus\_tag=MaesCp049] [db\_xref=GeneID:6000020] [protein=photosystem II protein T] [protein\_id=YP\_001718464.1] [location=78967..79074] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTATCAACTTTAGGAATCATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGAGAACCGCCTAAAGTTCCAACTAAAAAGGTAAAATGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718465.1\_50 [gene=psbN] [locus\_tag=MaesCp050] [db\_xref=GeneID:6000069] [protein=photosystem II protein N] [protein\_id=YP\_001718465.1] [location=complement(79134..79265)] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACCCTAGTCGCCATCTCTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCTCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718466.1\_51 [gene=psbH] [locus\_tag=MaesCp051] [db\_xref=GeneID:5999987] [protein=photosystem II protein H] [protein\_id=YP\_001718466.1] [location=79369..79590] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGCGTGGAGGGTAGTTCTAGATCTGGTCCAAGACGAACTATTGTAGGGGATTTATTGAAACCGTTGAATTCGGAATACGGTAAAGTAGCTCCCGGATGGGGAACTACTCCTTTGATGGGTGTCGCAATGGCCCTATTTGCGATATTCCTATCTATTATTTTGGAGATTTATAATTCTTCCGTTTTACTAGATGGAATTTCAATGAATTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718467.1\_52 [gene=petB] [locus\_tag=MaesCp052] [db\_xref=GeneID:5999969] [protein=cytochrome b6] [protein\_id=YP\_001718467.1] [location=join(79716..79721,80491..81132)] [gbkey=CDS]

ATGAGTAAAGTCTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCAATTGCAGATGATATAACTAGTAAATATGTTCCTCCCCATGTCAACATATTTTATTGTTTAGGGGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACGGTTACTGAGGCTTTTGCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAAGCTAACTTTGGTTGGTTAATCCGCTCAGTTCATCGATGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTGTATCTCACTGGTGGCTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACGGGCGTGGTTCTTGCTGTATTGACCGCATCTTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCGGTAAAAATTGTAACAGGCGTGCCGGAAGCTATTCCTGTAATAGGATCACCTTTGGTAGAGTTATTACGCGGAAGTGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTTCCAATGATACGTAAGCAAGGTATTTCAGGCCCTTTATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718468.1\_53 [gene=petD] [locus\_tag=MaesCp053] [db\_xref=GeneID:5999970] [protein=cytochrome b6/f complex subunit IV] [protein\_id=YP\_001718468.1] [location=join(81340..81347,82177..82672)] [gbkey=CDS]

ATGGGAGTAACAAAAAAACCTGACTTGAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGGCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTACGGAGAACCTGCATGGCCCAATGATCTTTTATATATTTTTCCAGTAGTAATTCTAGGTACTATTGCATGTAATGTAGGATTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCTGCGGATCCATTTGCAACGCCTTTGGAAATATTGCCTGAATGGTATTTCTTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTACCCAATAAGTTATTAGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCTGCAGGATTATTAACAGTACCTTTTTTGGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGTCCAGTTGCGACAACCGTCTTTTTGATTGGTACTGCGGTAGCCCTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTACCTATTGATAAATCCCTAACTTTAGGTCTTTTTCAAATTGATTCAATTGTAAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718469.1\_54 [gene=rpoA] [locus\_tag=MaesCp054] [db\_xref=GeneID:6000056] [protein=RNA polymerase alpha subunit] [protein\_id=YP\_001718469.1] [location=complement(82862..83893)] [gbkey=CDS]

ATGGTTCGAGAGAAAATAACAATATCCACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTATTGAATCAAGAACCGATAATAAACGTCTTTATTATGGACGCTTTATTCTGTCTCCACTTATGAAAGGACAAGCCGACACAATAGGCATTGCGATGCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATAGAAGGAACATGTATCACACGTGCAAAATCTGAGAAAATACCACACGAATTTTCTACTATAGCAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTAATGAATTTGAAAGAAATTGTATTAAGAAGCAATTTGTATGGAACTTGTGACGCATCCATTTGTGTCAAGGGTCCTGGATATGTAACTGCTCAAGACATCATCTTACCGCCTTTTGTGGAAATCATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAACGAAAGCAATTGATTTGTGTATTGGATTACAAATCGAGAGGAATCGTGGCTATCGTATAAAACCAACAAATAACTTTCAAGTTCAAGACGGGAGTTATTCTATAGATGCTGTATTCATGCCTGTTCGAAATGCGAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGGAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAATGGAAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCACGAAGCCTCCCGTAATTTGATTGATTTTTTTATTCCTTTTCTACATGCAGAAGAAGAAAACTTACATTTAGAAATAGAAAAAAATCAACACAAGGTTACTTTACCCCTTTTTTGTTTTCATGATAAATTGACTAAATTAAGAAAAAATAAAAAAGAAATAGTATTGAAATACATTTTTATTGACCAATCAGAATTGACTCCTAAGATCTATAATTGCCTCAAAAGATCCAATATACATACATTATCGGATCTTTTGAATAAGAGTCAAGAAGATCTTATGAAAATTGAACATTTTCGCATAGACGATGTAAAACATATATTGGGTATTCTAGAAATAGAAAAACATTTCACAATTGATTTACCAAAGAATAAAATATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718470.1\_55 [gene=rps11] [locus\_tag=MaesCp055] [db\_xref=GeneID:6000046] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_001718470.1] [location=complement(83952..84368)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAAACCTTTACCAAAAATTAGTTCACGCAGAAATGGACGTATTGGTTCACGTAAGAATTCACGTAAAATACCAAAAGGCGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTCAACAATACTATTGTGACCATTACAGATGTACGGGGTCGAGTGATTTCTTGGTCCTCCGCTGGCACTTGTGGATTCAGGGGCACAAGAAGAGGAACGCCATTTGCTGCTCAAACCGCAGCAGGAAATGCTATTCGGACAGTAGTGGATCAAGGTATGCAACGAGCAGAAGTCATGATAAAGGGTCCTGGTCTCGGACGAGATGCGGCATTAAGAGCTATTCGCAGAAGTGGTATACTATTAAGTTTCGTCCGGGATGTAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCCGACCCCCTAAAAAAAGGCGCGTGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718471.1\_56 [gene=rpl36] [locus\_tag=MaesCp056] [db\_xref=GeneID:6000043] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_001718471.1] [location=complement(84490..84603)] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCTGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGTCGACTGATACGTAGACGGGGGCGAATTATAGTAATTTGCTTCAACCCGAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718472.1\_57 [gene=rps8] [locus\_tag=MaesCp057] [db\_xref=GeneID:5999992] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_001718472.1] [location=complement(85138..85542)] [gbkey=CDS]

ATGGGTAGGGATCCTATTGCTGACATAATAACCTCTATAAGAAATGCTGACATAAATAGAAAAGGAACCGTTCGAATAGCATCTACTAACATCACTGAAAACATTATTAAAATACTTTTAAGAGAAGGTTTTATTGAAAATGTCAGGAAACATCAGGAGGGCAACAAAAAATTTTTGGTTTTAACCCTACGACATAGAAGGAAGAGGAAAGGACCCTATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGGATCAGCCGACCTGGTCTACGAATCTATTCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGCATTGTAATTCTTTCTACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGAAGCTCGACTCGAAAGAATAGGCGGAGAAATCTTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718473.1\_58 [gene=rpl14] [locus\_tag=MaesCp058] [db\_xref=GeneID:5999954] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_001718473.1] [location=complement(85787..86155)] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAGACCCATTTGAATGTAGCGGATAACAGCGGAGCTCGAGAATTGATGTGTATTCGAATCATAGGGACTAGTAATCGCCGATATGCTCATATCGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCAGCACCAAATTCACCTCTAGAAAGATCAGAAGTAATCAGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTCAAACGTGATAATGGTATGATAATACGATATGATGACAACGCTGCAGTTGTCATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAGGGAACTCGAATTTTTGGTGCAATCGCCCGGGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCACCTGAAGTGTTATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718474.1\_59 [gene=rpl16] [locus\_tag=MaesCp059] [db\_xref=GeneID:5999985] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_001718474.1] [location=complement(join(86282..86680,87740..87748))] [gbkey=CDS]

ATGCTTAGTCCCAAAAGAACCCGATTCCGTAAACAACATAGAGGAAGAATGAAAGGAATAGCTTTTCGAGGTAATCGTATTTGTTTCGGCAGATATGCTCTTCAGGCACTTGAACCCGCTTGGATTACATCTAGACAAATAGAAGCGGGGCGACGAGCAATGACACGAAATGCACGCCGCGGTGGAAAAATATGGGTACGTATATTTCCCGACAAACCAGTTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGATCTCCCGAATATTGGGTAGCTGTCGTTAAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGGGCGGAGTAGCCGAAAATATAGCGAGAAAAGCTATTTCAATAGCAGCATCAAAAATGCCTATACGAACTCAATTCATTATTTCAGGATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718475.1\_60 [gene=rps3] [locus\_tag=MaesCp060] [db\_xref=GeneID:5999953] [protein=ribosomal protein S3] [protein\_id=YP\_001718475.1] [location=complement(87947..88603)] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTTGGTTTCAGACTTGGTACAACCCAAAGTCATCATTCTCTTTGGTTTGCACAACCAAAAAATTACTCTGAGGGTCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAGAATTATGTAAAAAAAAATGCGAAAATATCTTCTGGTATTGAAGGAATTGTACGTATAGAGATTCAAAAACGAATTGATGTGATTCAGGTCATAATATATATGGGATTCCCAAAATTATTAATAGAAAGTAGACCTAAACGAATCGAAGAATTACAGATGAATGTACAAAAAGAACTTAATTGTGTGAATCGAAAATTCAATATTGCTATTACAAGAATTCCAAACCCTTACGGGCACCCTAATATTCTTGGAGAATTTATAGCCGGACAATTAAAAAATAGAGTTTCATTTCGCAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACTGAACAGGCCAATACAAAAGGAATTCAAGTGCAAATTGCTGGGCGTCTTGACGGAAAAGAAATTGCACGCGTCGAATGGATTAGAGAAGGTAGAGTTCCTCTACAAACCATTGGAGCTAAAATTGATTATTGTTCGTATACAGTTAGAACTATTTATGGGGTATTAGGCATAAAAATTTGGACATTTCCAGACAAGAAATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718476.1\_61 [gene=rpl22] [locus\_tag=MaesCp061] [db\_xref=GeneID:6000051] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_001718476.1] [location=complement(88701..89102)] [gbkey=CDS]

ATGATAAAGATAAAAAAAAGAAAGAGAAACACATATGAAGTATATGCTTTAGGCCAACATATATGTATGTCCCCTCACAAAGCACGAAGAATAATTGATCAGATTCGTGGACGTTCTTACGAAGAAACACTTATGATACTCGAGCTCATGCCTTATCGAGCATGTTATCCCATTTTTAAATTGATTTATTCCGCAGCAGCAAATGCTAGTCACAATATGGGTTTCAACGAAGCCAATTTAATCATTAGTAAAGCCGAAGTCAACGAAGGCACTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGACGGGGTTATCCGATAAAAAGATCAACTTGTCATATATCTATTGTATTAAAAAATATATCCTTATATGAAGAATATGACGAATATATATATATATGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718477.1\_62 [gene=rps19] [locus\_tag=MaesCp062] [db\_xref=GeneID:6000005] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_001718477.1] [location=complement(89184..89462)] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAATAATAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATCGCTATCCATAATGGAAAGGAACATTTACCTATTTATATAACAGATCGTATGGTGGGTCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTCTAAATTTTCGAGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718478.1\_63 [gene=rpl2] [locus\_tag=MaesCp063] [db\_xref=GeneID:6000022] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_001718478.1] [location=complement(join(89524..89958,90632..91030))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGCGAAATCCAATACACGAAATACACGAAAGAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGACATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCAGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCACCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718479.1\_64 [gene=rpl23] [locus\_tag=MaesCp064] [db\_xref=GeneID:5999982] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_001718479.1] [location=complement(91049..91330)] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718480.1\_65 [gene=ycf2] [locus\_tag=MaesCp065] [db\_xref=GeneID:6000000] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_001718480.1] [location=91678..98616] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTAAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTTGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGCTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAACTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAGAAATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGGTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAGATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTTATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAATGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACGGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTTTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCTAATTTTTCAGAAAAGATTGTGGAAGATATGCCGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTTGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCACGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTGGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTGGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAACACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCGTTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGAATAACAAGCCTAAGGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGCTAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGACGATATCGACCGTGACTTTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTACGATGGATGCGCTAACTATTGATATGATGCCGGAAATAGAAATAAACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGTTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAATAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCGGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCTTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCACTCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATTGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGATCATTTATGATGAAGAGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCGCTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718481.1\_66 [gene=ndhB] [locus\_tag=MaesCp066] [db\_xref=GeneID:6000013] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_001718481.1] [location=complement(join(100339..101094,101777..102553))] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTCGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCTAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTGTTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718482.1\_67 [gene=rps7] [locus\_tag=MaesCp067] [db\_xref=GeneID:5999962] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_001718482.1] [location=complement(102864..103331)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718483.1\_68 [gene=ndhF] [locus\_tag=MaesCp069] [db\_xref=GeneID:6000055] [protein=NADH dehydrogenase subunit 5] [protein\_id=YP\_001718483.1] [location=complement(116204..118462)] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATACCTTTCGTTACATTGCCAGTACCTATGTTAATCGGAGCGGGACTCCTGCTTTTTCCGGCAGCAACAAAAAAACTGCGGCGTATGTGGGCTTTTCCAAGCGTTTTCTTGTTAAGTATAGTCATGATTTTTTCAATCGATTTGTCTATTCAGCAAATAAATAGTAGTTTTATTTATCAATATATATGGTCGTGGACTATCAATAATGATTTTTCTTTAGAGTTCGGACACTTGATTGACCCACTTACTTCTATTTTGTCAGTATTAATTACTACAGTTGGCATTTTGGTTCTTTTTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGCTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCACTACTTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTCTAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAGTGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTTTTGGTTCACACGACCTATTGCATCGAATGCTTGTCAAAAAGCGTTTGTAACTAATCGCGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTAGGTATTTTAGGTCTTTATTGGATAACGGGCAGTTTCGAATTTCGGGATTTGTTCAAAATCTTCAATAACTTGATTTATAATAATCAGGTTAATTTTTTATTTGTTACTTTGTGTGCCGTTCTATTATTTTCTGGCGCAATTGCTAAATCGGCGCAATTTCCTCTTCATGTATGGTTACCGGATGCCATGGAAGGGCCTACTCCTATTTCGGCTCTGATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCGGGAATTTTTCTTGTAGCTCGCCTTTTTCCTCTTTTCGTAATTATACCTTTCATAATGAATCTAATAGCTTTGATAGGTATAATAACAGTATTTTTAGGAGCTACTTTAGCTCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGTTATATGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGGGCCGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAAGCATTGTTGTTTTTAGGATCTGGATCCATTATTCATTCAATGGAAGCTATTCTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGGTTCTTATGGGTGGTTTAACAAAACATATTCCAATTACCAAAACGGCTTTTTTATTAGGAACACTTTCTCTTTGTGGTATTCCCCCCTTCGCCTGTTTTTGGTCCAAAGATGAAATTCTTAATGATAGTTGGTTGTATTCACCTATTTTCGCAATAATAGCCTGTTTCACAGCGGGATTAACCGCATTTTATATGTTTCGGGTTTATTTACTTACTTTTGACGGACATTTTAATGCTCATTTTCAAAGTTACAGTGGTAAAAAAAACAGTTCATTTTATTCAATATCTTTATGGGGTAAAGAAGGATCAAAAATGCTTAACAAAAATTTGCGTTTATTAGCTTTATTAACAATGAATAATAAGGAAAGGGCTTCTTTTTTTTGGAAGAACACATATCAAATTGATGGTAATGTAAGAAATATGACGTGGCCTTTTATTACTATTCAAAATTTTAACACTAAAAGGATTTTTTCCTATCCCCATGAATCGGATAATACTATGTTATTTCCTATGCTTATCTTAGTACTATTTACTTTGTTTATTGGAGCCATAGGAATTCCTTTCAATCAATTCAATCAAGAAGGAATGCTGTTGGATATAGATATATTGTCAAAACTTTTAACTCCGTCTTTAAACCTTTTGCATCAAAATCCAGAAAATTCGGTGGATTGGTATGAATTTGTAACAAATGCAACTTTTTCAGCCAGTATAGCTTTTTTTGGAATATTTATAGCGTCCTTTTTATATAAGCCTGTTTATTCATCGTTACAAAATTTGAATTTCTTTAATTCGTTCGCTAAAAAAGGTCCTAAGAGAATTCTTTGGGACAAAATAATAAATGTGATATATAATTGGTCCTCTAATCGAGGTTATATAGATGCTTTTTATGCAATATCTTTTATTGGAGGTATAAGAAAATTGGCTGAATTAATTCATTTTTTTGATAAACAAATAATTGATGGAACCCCCAATGGGGTCGGTGTTACTAGTTTCTTTGTAGGAGAGGGTATAAAAAATGTAGGAAGTGGTCGCATCTCTTTTTATCTCTTATTTTATTTATTTTATGCGTTAATCTTCTTATTAATTTACTACTCTGTTTATAAATTCATTATTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718484.1\_69 [gene=rpl32] [locus\_tag=MaesCp070] [db\_xref=GeneID:5999996] [protein=ribosomal protein L32] [protein\_id=YP\_001718484.1] [location=119437..119598] [gbkey=CDS]

ATGGCAGTTCCAAAAAAGCGCACTTCTATATCAAAAAAGCGTATTCGAAAAAATCTTTGGAAAAGAAAGGGATATTGGACAGTATTGAAAGCTTTTTCATTAGCGAAATCTCTTTCTACAGGTAATTCAAAAAGTTTTTTTGTGCGACAAATAAAAGATTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718485.1\_70 [gene=ccsA] [locus\_tag=MaesCp071] [db\_xref=GeneID:6000045] [protein=cytochrome c biogenesis protein] [protein\_id=YP\_001718485.1] [location=120604..121572] [gbkey=CDS]

ATGATATTCTCGACTTTAGAACATATATTAACACATATATCTTTTTCAGTCGTGTCAATTGTAATTACAATTCATTTGATAACCTTATTAGCCGATGAATTCGTAGAACTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGATAACTACTTTTTTTTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTTTTTTGGGACATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCATGGTCTTTTTCCATTATTCATATGGTTCCGTATTTTAAAAAACATAAAAATTTTTTAAGCGCAATAACCGCGCCAAGTACTTTTTTTACCCAAGGGTTTGCTACTTCGGGTCTTTTAACTGACATGCATCAATCCGAAATCTTAGTGCCCGCTCTCCAATCCCAGTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATATTGGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTTTCAGTAGCATTTCTAGTAATCACATTTCGAAAAATCATAAGAATTTTTGATAAAAGCAATAATTTATTAAACAATTCGTTTTTCTTTAGTGAGATACAATATATGGCGGAAAGAAAGAATGTTTTAAGAAATATTTCTTTTCTTTCTTCTAGGAATTATTACAGGTTTCAATTGATTCAACAATTAGATGACTGGGGTTATCGTATTATAAGTATAGGGTTTATCTTTTTAACAATAGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAAGAAACTTGGGCATTTATTACGTGGACCATATTCGCGATTTATTTCCATATTCGAACAAATAAAAAATTGGAGGGTTTCCATTCCGCAATTGTCGCTTCTATCGGTTTTCTTCTAATTTGGATATGCTATTTTGGAGTTAATTTATTAGGAATAGGACTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACAATTAGTATCTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718486.1\_71 [gene=ndhD] [locus\_tag=MaesCp072] [db\_xref=GeneID:6000015] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4] [protein\_id=YP\_001718486.1] [location=complement(121844..123346)] [gbkey=CDS]

ATGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAATATTTGTAGTTTTACCGATATCCGGGGGTTCCTTAATTTTCCTTTTCCCTCATAGAGGAAATAAAGTAATAAAATGGTATACTATATTTATATGCATCTTTGAGCTACTTTTAATGACTTATGCGTTCTCTTATTATTTCCAATTGGACGATCCATTAATCCAATTAACAGAAGATTATAAATGGATCCAATTTTTTGATTTTTACTGGAGATTGGGAATCGATGGATTTTCTTTAGGACCTATTTTACTGACAGGATTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTCGGCCAATTACTCGGGATTCCCGATTATTTCATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTTCTCAAGATCTTTTACTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATCCATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCGGGAGGTTCCGTTTTTTTATTAATGGGAGCTTTGGGTATCGCTTTATATGGTTCTAATGAACCAAGATTCCATTTTGAAACATCAGCTAATCAATCATATCCTGTGGCGCTAGAAATATTTTTCTATATTGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATCACCGATTATACCCTTACATACATGGTTACCAGACACCCACGGGGAAGCACATTACAGTACTTGTATGCTTCTAGCCGGAATCTTATTAAAAATGGGGGCGTACGGATTGGTTCGAATCAATATGGAATTATTACCTCACGCTCATTCTATTTTTTCTCCCTGGTTGATAATAGTAGGCGTAATGCAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCTGGTCAACGAAATTTAAAAAAAAGAATAGCCTATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTTGCTCTATAAGTGATATGGGACTCAATGGAGCCATTTTACAAATAATATCACATGGATTTATTGGTGCCGCACTTTTTTTCTTGGCAGGAACGGGTTATGATAGAATACGTCGTGTTTATCTTGATGAAATGGGCGGAATGGCTACCTCAATGCCAAAAATATTCACGACATTCAGTATCTTATCACTAGCTTCCCTTGCATTACCAGGCATGAGCGGTTTTTTTGCGGAATTGATAGTATTTTTTGGAATAATTACCGGCCAAAAATATCTTTTAATGTCAAAAATATTAATTACTTTTGTAATGGCAGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTTTTATGGATACAAGCTGTTTAATGCCCCAAACTCTTATTTTTTTGATTCTGGACCGCGGGAGCTATTTGTTTCGATCTCTATCCTTCTGCCTGTAATAGGGATTGGTTTTTATCCGGATTTCGTTTTCTCATTATCAGTTGACCGGGTTGAAGCTATTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718487.1\_72 [gene=psaC] [locus\_tag=MaesCp073] [db\_xref=GeneID:6000033] [protein=photosystem I subunit VII] [protein\_id=YP\_001718487.1] [location=complement(123487..123732)] [gbkey=CDS]

ATGTCACATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGATGTAAATCTAAGCAAATTGCTTCTGCTCCAAGAACAGAGGACTGTGTCGGTTGTAAGAGATGTGAATCCGCCTGTCCAACAGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718488.1\_73 [gene=ndhE] [locus\_tag=MaesCp074] [db\_xref=GeneID:6000075] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4L] [protein\_id=YP\_001718488.1] [location=complement(123984..124289)] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTTGTTTTGAGTGCCTATTTATTTTCTATTGGTATCTATGGATTGATCACGAGTCGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGCCTTGAACTTATACTGAATGCAGTTAATCTAAATTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCAATTAAAAGGAAATATTTTTTCAATTTTTGTTATAGCTATCGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACCAGCTATTGTTTCGGCAATTTATCGTAATAGAAAATCAATCCATATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718489.1\_74 [gene=ndhG] [locus\_tag=MaesCp075] [db\_xref=GeneID:6000007] [protein=NADH dehydrogenase subunit 6] [protein\_id=YP\_001718489.1] [location=complement(124548..125078)] [gbkey=CDS]

ATGGATTTGCCTGGACTAATTCATGATTTTCTTTTAGTCTTTCTGGGGTTAGGTCTTATATTAGGAGGTCTAGGAGTAGTATTACTTACCAACCCAATTTATTCTGCCTTTTCGTTGGGATTGGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTCTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCCGCACAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCTATAAATGTTTTAATTATATTTGCCGTGATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAAGCGGGGTTACTTCCTTAGTTTGTACAAGTATTTTTGTTTCACTAATTACTATTATTCCAGATACGTCATGGTACGGAATTATTTGGACTACAAAAACAAATCAGATTATAGAACAAGATTTGATAAGTAATGGCCAACAAATTGGAATTCATTTATCAACAGATTTTTTTCTTCCATTTGAATTCATTTCAATAATTCTTTTAGTTGCTTTGATAGGTGCGATTGCTGTGGCTCGTCAGTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718490.1\_75 [gene=ndhI] [locus\_tag=MaesCp076] [db\_xref=GeneID:6000073] [protein=NADH dehydrogenase subunit I] [protein\_id=YP\_001718490.1] [location=complement(125518..126015)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCCATGGTAACTGGGTTCATGAATTATGGGCAACAAACCATACGAGCTGCAAGGTACATTGGTCAAGGTTTCATGATTACCTTATCTCATGCAAATCGTTTACCTGTAACTGTTCAATATCCTTATGAAAAATTAATCACATCGGAGCGTTTCCGCGGTCGAATTCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGTGTATGTCCTATAGATCTACCTGTTGTTGATTGGAAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTTAATTACAGTATTGATTTCGGAATCTGTATATTTTGTGGCAACTGTGTTGAGTATTGTCCGACAAATTGTTTATCGATGACTGAAGAATATGAGCTTTCTACTTATGATCGTCACGAATTGAATTATAATCAAATTGCTTTAGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTTGACGATTATACAATTCGAACAATTTTGAATTCAACTCAAAAAAAATAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718491.1\_76 [gene=ndhA] [locus\_tag=MaesCp077] [db\_xref=GeneID:5999995] [protein=NADH dehydrogenase subunit 1] [protein\_id=YP\_001718491.1] [location=complement(join(126097..126636,127760..128311))] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAGTACAAGCTATCAATTCTTTTTCTAGATTAGAATCCTTAAACGAGGTCTATGGAATTATATGGGTGTTTGCCCCGATTTTTATTCTTGTATTGGGAATCACGACAGGCATACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCTGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCTGAATATGCCGGTCCTTTAGGAGTTCTTCAAGCTCTAGCGGATGGGACAAAACTACTTTTCAAAGAGAATCTTTTTCCATCTAGGGGGGATATTCGTTTATTCAGTATCGGACCATCCATAGCAGTCATATCAACTATATTAAGCTATTCGGTAATTCCTTTTGGCTATCACCTTGTTTTAACTGATCTAAATATTGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCAAATAATAAATATTCCTTTTTGGGTGGTTTACGAGCTGCTGCTCAATCGATTAGTTATGAAATACCATTAACTCTTTGTGTGTTATCCATATCTCTATTATCTAATAGTTCAAGTACAGTTGATATAGTTGAGGCACAATCAAAATCTGGTTTTTGGGGGTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGATTTATCATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAATGTGAGAGATTACCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGTTATCAAACCGAATATTCGGGCATCAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGCGGTTGGAATATCTCTATTCCGTATATATTCGTTCCTGAGCTTTTTGAAATAAAAAAAATGAGCGGAGTCTTTGGAACAACAATTGGTATCTTTATTACATTGGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATCACAACAAGATGGACTTTACCTAGACTAAGAATGGACCAACTTTTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATTTCTCTCGGTAATCTATTATTAACAACCTCTTTCGAACTTCTTTCACTATAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718492.1\_77 [gene=ndhH] [locus\_tag=MaesCp078] [db\_xref=GeneID:5999966] [protein=NADH dehydrogenase subunit 7] [protein\_id=YP\_001718492.1] [location=complement(128313..129494)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTACCAGCTACACGAAAAGACCTTATGATAGTTAATATGGGTCCCCACCACCCATCAATGCATGGTGTTCTTCGACTCATCGTTACTCTAGACGGGGAAGATGTTATTGACTGCGAACCAATATTAGGTTATTTACACAGAGGAATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGTTGGGATTATTTGGCTACTATGTTCACAGAAGCAATAACAGTAAATGGTCCAGAACTGTTAGGAAATATTCAAGTGCCTAAAAGAGCTGGCTATATCAGAGTAATTATGTTGGAATTGAGTCGTATAGCTTCTCATTTGTTATGGCTTGGCCCTTTTATGGCAGATATTGGTGCACAGACTCCTTTCTTCTATATCTTTAGAGAAAGAGAGTTAGTATATGATTTATTCGAAGCTGCCACTGGTATGAGAATGATGCATAATTTTTTTCGTATCGGAGGAGTAGCGTCTGATCTACCTCATGGTTGGATAGATAAATGTTTGGATTTTTGCGATTATTTTTTAACAGGAGTTACTGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAGGGGGTAGGTATTGTTGGTACAGAAGAAGCAATAAATTGGGGTTTATCAGGACCAATGCTACGAGCTTCTGGAGTACAATGGGATCTTCGTAAAGTTGATCATTATGAGTGTTACGACGAATTTGATTGGGAAATCCAGTGGCAAAAAGAAGGAGATTCCTTAGCTCGTTATTTAGTCCGGATTGGTGAAATGCTGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTGGAAGGAATTCCGGGGGGGCCCTATGAGAATTTAGAAACCCGACGCTTTGATAGAGAAAGGGATTCGGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCATTAGTAAAAAAACTTCTCCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCACCAAAAGGAGAATTGGGAATTTTTCTGATAGGGGATCAGAGCGGTTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGTCCGCCAGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCTGAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCTGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718493.1\_78 [gene=rps15] [locus\_tag=MaesCp079] [db\_xref=GeneID:6000001] [protein=ribosomal protein S15] [protein\_id=YP\_001718493.1] [location=complement(129592..129864)] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATTCATTCATTTCAGTTATTTCACAAGAAGAAAAAGACGAAAACAAGGGATCTGTTGAATTTCAAATAGTAAGTTTCACTAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTTGAATTGCATAGAAAAGACTATTTATCTCAGAGAGGTTTGCGAAAAATTCTAGGAAAACGACAACGACTGCTGTCTTATTTAGCAAAGAAAAATAGAGTACGTTATAAAGAATTAATTAGCCGGTTGGATATTCGGGAATCAAAAACTCGTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718494.1\_79 [gene=ycf1] [locus\_tag=MaesCp080] [db\_xref=GeneID:5999984] [protein=hypothetical chloroplast RF1] [protein\_id=YP\_001718494.1] [location=complement(130312..135882)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTCAATCTTTTATACCAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGGCCTTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTAGGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAAAAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGATAAAAAAAAGAAAGATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAAAGAAATGTCACAATATTTTTTTTATACATGTCGGAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTACGTATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAAATGATACAAAGAAAGATATCTCCGTTTACAACAGAAAAACTCTCCTCTGATGAATTGTATAATCGTTGGAATTATAAGAATGAACAAAAAAAGAAAACCCTAAATAATGAATTTATAAACAGAGTCCAGGCTCTAGATAAGGGATATCTTACTCTGAATACACTCGAAAAAAGGGCTGGACTATGTAATGATAAAACTAAAAAAGAGTACTTACCTAAAATTTATGATCCTTTTTTGAGTGGGTCCTGCCGCGGGAAAATCCAATTTTTTTCACCCTCATTCCTAAATATCCTAAATAAAACTTCCATAAAAAATTCCATAGAGATGCTTTGGATAAATAAAATTCATCTTATTCTTCTTATTACTAATTATCAAGAATTTGAATCAAAAACAGATATAGCGAATCCAAAAAATAAAACAATTAGAAAAAATTCTACTGGAATAAAAGAAATAAGTAAACAAGTTCCTCGATGGTCATACAAATTAATTAACGATTTGGAACAACAAGAAAAAAACATACCGCAAGATTCTCAAATGCGTTCACGAAAAACCAAACGATTAGAGATTTTTAATAATAAAAATAAAAAAAAAATATATAAATATATGGATACTTATAATAATACCAAAGATACAAAGAATTCTGATAAAATAAAAATAGAAGATAGAATAAAAATAGAAAAAGCGTCTTTGCTATATTATTCACACCAACCGGACTTTCGCCGATGCATAATAAAAGGATCTGTGCGAGCACAAAGACGCAAAATAACTATTTTTGAACTGTTTCGAGCAAATGTGCATTCTCCCCTTTTTTTGGACAGAATAAACAAATATCTTTTTTTTTTTTTTGATATTGTCGAACTGATAAAAAAAATGTTAAAAACAATGTTTATAAATTGGATGTATAAAAACGCAGAATTCATACTTTCGAATATAAAGAAAAAAACAAAAGAAAGTAAGAAAAAAAAAGAGGACAAAAGAGAAGACAACAAAATAGAAGAAGAAGAAGAAGACAACAAAATAGAAGAAGAAGAAGAAGACAACAAAATAGAAGACAACAAAATAGAAGACAACAAAATAGAAGAACCCACAACAGAGACAATCGATCTGGTAGAAATAGCCGAAGCCTGGGATGATATTCTTTTTGCTCAAATAACAAGAGGTTTTATTTTAGTAACCCAATCCATTTTTAGAAAATATATTCTATTACCTTCATTAATAATAATTAAAAATATCATTCGTATACTTTTTTTAAAAACTCCTGAATGGTCCGAGGATTTCAAAGATTGGAGTAGAGAAATACATGTTAAATGCACCTATAATGGAGTTCAATTATCAGAAAAAGAATTTCCGAAAAACTGGTTAATAGAGGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTTTAAAACCTTCGCACAAATCTAAGTTAAAATTCTCTCATAAAGATCAAACGAAAATGAAAAAAAAAGCACAAAAAAATGATTATTTTTTTTTAACAGTTTGGGGAACGGAAGCTGACCTGCCTTTTTCGGCGAGTAGAAAAGAACTTTCACTTTTTAAACCCATCTTTAAAAAACTCAAAAAAAAATTTAGAAAAATGCAAAAAAATGGTTTTCGAGTTATAACAATTTTAGAAGAAAGAAAAAAAATTTTTCTAAATTTCTCAAAAGAAAAAAAAAACTGGATCATACAAAACATTTTTTTTCGAAAAGAAATAATAAACAACCTTTCAAAATCAAAAAGAAATCCAATTCTATTATCTGGATTTAAAGAAGTATATGAATTGAATGAACCTAAAAAAGAAAAAGATTCGATAATCAATAACAATAATGGGACGATTCAAAAATTATCCACCCCAATTCGATCTATGGCTTGGACAAATTATTCACTGACAGAAAAAAAAATGAAAGATCTTTCTGCTAGAAGAAAGATAATCATAAATCAAATAGAAAAAATTAAAAAAGAAAAGGAAAAAAAAATTAGAACCTCGGAAATAAATATAAATATTAGTCCTAACAAAATAAGTTATAATGCTAAAAAATTAAAATCATCAAAAAAGATTTCGCAGATAGTAAAAAAAAGAAATGCTCGATTGGCGCATAAATTCCATTTTTTTATAAAAATTTTGATTGAAAGGATATACATAGATATCTTTTTAGGTATCATTAATATTCCTTTAGGTATCATTAATATTCCAAGGATCAATGCACAACTTTTTCTTGAATCAACAAAAAAAATTATTACTAAATACATTTACAATAATGAAGAAAATCACAAAAAAATTGATAAAACAAATCAAACTACAATTCACTTTATTTCGATTATAAAAAAGTCATGTAATAGTAATGTTGTTGTTATTAATAACAACAACAATTCACAGATTTTTTGTGACATATCCTCCTTGTCACAAGCTTATGTATTTTACAAATTATCACAAATCAAAATTATTAACTTATATAAGTTAAGATCTATCTTTGAATATCATAGCCTTTTTCTGAAGAACGAAATAAAGGATTTTTTTATAGCCCAAGGGCTATTTAATTCCGAATTAAAAGATAAAAATTTTCGAAATTCTGTAATGAATCAATGGAAAAATTGGTTAAGGAGTCATTATCAATATAAATACCATTTATCTCAGATTAGATGGTCTAGATTAACACCACAAAAATGGCGAAATAGAATCAATCAACACCATATGCATATGGTTCAAAATAAAAAATTAAACAAATGGAATTTATATGAAAATGAAAAAGACAGATTAATTCATTACAAAAAAAAAAATGATTTTGAGACAGATTTATTACCGAATCAAAAAGATAATTTTAAAAAACACTATAGATATAATCTTTTAGCATATAAATCTATTAATTATGAAAATAAGAAGGACTTAAATTATCTAGCGGAAGATGATATTATCGATATGGAAAAAAGCGCGGATAGAAAATATTTTGATTGGAGCATTCTCAGTTTTTGTCTTAGAAAGAAGGTTGATATTGAGTCCTGGATCGATACCGGAAGAAAAAATAAAAAAAATACTAAGACTAGGACTAATAAGTATAAAATAATTGATAAAATTGATAAGAAAAAAAAGATTTTTCTTACAATTCACCAAGATCAAGAAGTCAATTCATCCAATCAAAAAAAAAAACCTTTTGACTGGATGGGAATGAATGAAGAAATAAAAAATCGTCTTATATCCGATTTTGAAGTTTGGTTCTTTCAAAAATTTTTGATACTTTACAACACATACAAGATAAAACCATGGGCAATACCCATCAAATTTCTTCTTTTCAATTTTCATTTCTATGAAAATGTTAGTAAAAATAAGAAAATTAACGGGAAAAAAAATAAAAATAGCGATCTTTTTATATCTATATCATCGAATGAAAAAAAAATTATTGAATTAGAGCACGAAGAAAAAGAATACGAAGACCCAGGGGGGGGCTTTGGGTCAGTTTTCCAAAATCAAGAAAAAGATATTGAAGAAGATTATATAGGATTAGATATGAAAAAACATAGAAATGAAAAGCAAAACAAAAGTCATATGGAAGTAGAACTTGATTTCTTCCTAAAACGGTATTTATGTTTTCAATTAGAATGGAATAGTTCTTTAAATAACCAACTAATCGAGAATATCAAATTCTATGGTTTCCTGCTTAAAGTGACAAATCCACGAAAAATTATTATATCTTCTATTCAAAGGCAAGAAATAAATTTGAATATTATGATGGTTCGGAACAGTTTTACTCGTACAGAATTAGTGAAAAGGGGAATATTGATTATCGAACCTGTTCGTCTGTCAGTAAAAAATGATGGACAATTTATTTTGTATCAAATGATAGGTATCTTATTAGTTCATAAAAACAAACAACAAATTAATAAAAAATACAGATATTATGTTGATAAAAAGAATTTTACCGAATTTATTGAAAGACATCAAAGTATAATTGGAAATAGAAAGAAAAATGATTATGATTTACTTGTTCCCGAAAATATTTTATCCCCTAAACGTCGGAGAGAATTAAGAATTCTTTTCAATTTAAAAAATAAAAATGATATTCATATAAATACAGAAATTTTCAACGGCAATAACATAAAAAATTGTAGTCCCATTTTAGGTAAAAGCAAACATTTTGATAGAGATAAAAAGAAACTAATTAAATTACAATTTTTTCTTTGGCCAAATTTTCGATTAGAAGATTTAGCTTGTATGAATCGTTATTGGTTCGATACTAATAATGCCAGTCGGTTCAGTATGGTAAGAATATATATATATCCGCGGTTGAAATTTTGA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718495.1\_80 [gene=rps7] [locus\_tag=MaesCp081] [db\_xref=GeneID:6000063] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_001718495.1] [location=147378..147845] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718496.1\_81 [gene=ndhB] [locus\_tag=MaesCp082] [db\_xref=GeneID:6000058] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_001718496.1] [location=join(148156..148932,149615..150370)] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTCGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCTAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTGTTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718497.1\_82 [gene=rpl23] [locus\_tag=MaesCp084] [db\_xref=GeneID:5999960] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_001718497.1] [location=159379..159660] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_010433.1\_cds\_YP\_001718498.1\_83 [gene=rpl2] [locus\_tag=MaesCp085] [db\_xref=GeneID:6000012] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_001718498.1] [location=join(159679..160077,160751..161185)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGCGAAATCCAATACACGAAATACACGAAAGAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGACATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCAGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCACCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

**5. *Ricinus communis***

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090157.1\_1 [gene=rps12] [locus\_tag=RCOM\_ORF00001a] [db\_xref=GeneID:11542404] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_005090157.1] [location=complement(join(104781..105023,74989..75099))] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATATCACCAAATCCCCCGCTCTCGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTCACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGGACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCGTTGTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090158.1\_2 [gene=psbA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00003] [db\_xref=GeneID:11542408] [protein=photosystem II protein D1] [protein\_id=YP\_005090158.1] [location=complement(641..1702)] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCTTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCAACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCATTGCTGCCCCTCCGGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTTTACTTTATGGAAACAATATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCAGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCGTCTGTTGATGAATGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGCCGTGAGTGGGAGCTTAGTTTCCGTCTGGGTATGCGCCCTTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTACTGCTGTTTTCTTGATCTATCCAATCGGTCAAGGGAGTTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATTTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCTGAACACAACATCCTTATGCACCCATTTCATATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACCTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTATAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCTGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTTACACTTCTTCCTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACCTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATCAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTGTCGAAGCTCCATCTACAAATGGATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090159.1\_3 [gene=matK] [locus\_tag=RCOM\_ORF00005] [db\_xref=GeneID:11542412] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_005090159.1] [location=complement(2387..3907)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGAATATCAAAGATATTTAGAACTAGATAGATCTCGAAAAAATAACTTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATACATTTGCTCATGATCACAGTTTAAATAGATCTACTTTGTTGGAAAATTTAGGTTATGACAATAAATCTAGTCTATTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATGTATCAACAGAACCATTTGATTATTTCTGCTAATGATTCTAATCAAAATCCATTTTTTAAGTACAACAAGAATTTATATTATCAAATGATATCAGAGGGCTTTGCAGTTATTGTGGAAATTCCATTTTCCCTACGATTAGTATCTTCTTTAGAAAGGTCAGAGATAGTAAAATCTCATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTTTTAGAGGACAAATTTCCACATTTAAATTATGTGTCAGATGTATTAATACCTTACCCCATCCATCTAGAAAAATTGGTTCAAATCCTTCGCTATTGGGTGAAAGATCCCTCTTCTTTGCATTTATTACGACTCTTTCTTCATGAGTATTGGAATTGGAACAGTTTTATTATTCCAAAGAAATCAATTTCTATTTTTACAAAAAGTAATCCAAGATTTTTCGTGTTCCTATATAATTCTCATGTATATGAATATGAATCCCTCTTCTTTTTTCTCCGTAACCAATCCTTTCATTTACGATCAACATTTTCTCGAGTACTTCTTGAACGAATTTTTTTCTATGGAAAAATAGAACATTTTGCGGAAGTCTTTGCTAATGATTTTCAGGCCATCCTATGGTTGTTCAAGGACCCTTTCATGCATTATGTTAGATATCAAGGAAAATCTGTTTTGGCTTCAAAAGATGGGCCTCTTCTGATGAAAAAATGGAAATATTACCTTGTCCATTTATGTCAATGTCATTTTTATGTGTGGTTTCAACCGGAAAAGATCTATATAAATTCATTATCTAAGCATTCTCTCAACTTTTTGGGCTATCTTTCAAATGTACAATTTAATCCTTCGTTGGTACGGAGTCAAATGATAGAAAATTCATTTATAATAGATAAAGATAATACTATGAAGAAACTCGATACAATAGTTCCAATTATTCCTTTAATTAGATCATTGGCAAAAATGAAATTTTGTAACGCAGCAGGACATCCCATTAGTAAACCGACCTGGGCGGATTCGGCAGATTCTGAGATTATCGACCGATTTGTGCGTATATACAGAAATCTTTCTCATTATTATAGCGGATCCTCAAAAAAAACGAATTTGTATCGAATAAAATATATACTTCGACTTTCTTGTGTTAAAACTTTGGCTCGTAAACACAAAAGTAGTGTACGCGCTTTTTTGAAAAGATTAGGTTCGGAATTTTTAGAAGAATTTTTTACGGAGGAAGAACAGATTCTTTTTTTGATCTTCCCAAGAGTTTCTTCTATTTCGCGCAGGTTATATAGAGAACGGATTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTGGCCAATCATGAATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090160.1\_4 [gene=rps16] [locus\_tag=RCOM\_ORF00007] [db\_xref=GeneID:11542414] [protein=ribosomal protein S16] [protein\_id=YP\_005090160.1] [location=complement(5267..5419)] [gbkey=CDS]

GTGGGTTTTTATGATCCTTTAAAAAATCAAACCTATTTAAATGTTCCTACTATTCTATATTTCCTTGAAAAAGGCGCTCAACCTACGGGAACTGTTCATGATATTTTAAGCAAGGCGGGGGTTTTTACGGAACTTCGTCTTAATCAAACGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090161.1\_5 [gene=psbK] [locus\_tag=RCOM\_ORF00009] [db\_xref=GeneID:11542416] [protein=photosystem II protein K] [protein\_id=YP\_005090161.1] [location=8059..8244] [gbkey=CDS]

ATGCTTAATATTTTTAGTTTAATTTGTATCTGTCTTAATTCTGCCCTTTATTCAAGCAATTTTTTCTTCACAAAATTGCCCGAAGCCTACGCCTTTTTGAATCCAATCGTAGATGTTATGCCAGTAATCCCTGTACTCTTTTTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAGGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090162.1\_6 [gene=psbI] [locus\_tag=RCOM\_ORF00010] [db\_xref=GeneID:11542402] [protein=photosystem II protein I] [protein\_id=YP\_005090162.1] [location=8679..8789] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTCAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTGATATTCTTTGTTTCTCTATTCATCTTTGGATTTTTATCTAATGATCCAGGACGTAATCCCGGACGTGAAGAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090163.1\_7 [gene=atpA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00014] [db\_xref=GeneID:11542288] [protein=ATP synthase CF1 alpha subunit] [protein\_id=YP\_005090163.1] [location=complement(11342..12865)] [gbkey=CDS]

ATGGTAACCATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATCCGCGAACGTATTGAGCAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACGGGTACCGTACTTCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTTATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACAATAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTCGTTTTAATGGGTGACGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGTTCCGTAAAAGCAACAGGAAGGATTGCTCAGATACCGGTGAGTGAGGCTTATTTGGGTCGTGTTATAAATGCCCTGGCTAAACCTATTGACGGTCGAGGTGAAATTTCAGCTTCTGAATCGCGGTTAATTGAATCTCCCGCTCCTGGTATTATTTCGAGACGTTCCGTATACGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCGATGATCCCCATAGGACGCGGTCAGCGGGAATTGATTATTGGGGACAGACAGACCGGTAAAACAGCAGTAGCCACAGATACAATTCTCAATCAACAAGGACAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAGGTAGTGACTACTTTACAGGAAAGAGGGGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACGGCGGATTCTCCGGCTACATTACAATACCTCGCTCCTTATACAGGAGCAGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGTGAACGACACACCTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCGCTTCTATTACGAAGACCACCTGGTCGTGAAGCTTATCCCGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCTGCTAAATCAAGTTCCCGTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTCGAGACCCAATCAGGAGACGTTTCGGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGATGGACAAATATTCTTATCCGCCGATTTATTCAATGCTGGAATCAGGCCTGCTATTAATGTGGGTATTTCCGTTTCCAGAGTAGGATCCGCTGCTCAAATTAAAGCTATGAAACAAGTAGCTGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCGCAATTCGCAGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCGGATCTTGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGATTACGCGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCAGCTCCTCTCACGGTGGAGGAACAGATAATGACTATTTATACCGGAACGAATGGTTATCTTGATTCATTAGAAATTGGACAAGTAAGGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACCTACTTAAAAACGAATAAACCTCAGTTCCAAGAAATCATATCTTCTACCAAAACATTCACTGAAGAGGCGGAAACCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAACAGAAGGAACGTTTTCTACTTCAGGAACAAGTCTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090164.1\_8 [gene=atpF] [locus\_tag=RCOM\_ORF00015] [db\_xref=GeneID:11542289] [protein=ATP synthase CF0 B subunit] [protein\_id=YP\_005090164.1] [location=complement(join(12926..13396,14113..14256))] [gbkey=CDS]

ATGAAAAATGTAACCGATTCTTTCGTTTCCTTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGATTTAATACCGATATTTTAGCAACAAATCCAATAAATCTAAGTGTAGTCCTTGGTGTATTGATTTTTTTTGGAAAGGGGGTGGTTTGGTTCGGGAAGGGATCATGGAAGTTTTGCAATGAATGGAAAGATAATCTACTTTCATTAACGGATTTATTAGATAATCGAAAACAAAGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAGAACTACGTGAGGGGGCCATTGAACAGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCAGATCAGTTTCGAATGAATGGATACTCTGAGATAGAACGAGAAAAGTTGAATTTGATTAATTCAACTTATAAAACTTTGAAACAATTAGAAAATTACAAAAATGAAACCATTCATTTTGAACAACAAAGAACGATTAATCAAGTCCGACAACGGGTTTTCCAACAAGCCTTACAGGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACCAACGAGTTACATTTACGTACCATCAATGCTAATCTTGGCATGTTTGGGGCGATAAAAGAAATAACTGATTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090165.1\_9 [gene=atpH] [locus\_tag=RCOM\_ORF00016] [db\_xref=GeneID:11542290] [protein=ATP synthase CF0 C subunit] [protein\_id=YP\_005090165.1] [location=complement(14784..15029)] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCCGTTATTGCTGCGGGTTTGGCCGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGCCAAGCTGTAGAGGGTATCGCAAGACAACCTGAGGCGGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACAATTTATGGACTAGTTGTAGCATTAGCACTTTTATTTGCGAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090166.1\_10 [gene=atpI] [locus\_tag=RCOM\_ORF00017] [db\_xref=GeneID:11542291] [protein=ATP synthase CF0 A subunit] [protein\_id=YP\_005090166.1] [location=complement(16029..16715)] [gbkey=CDS]

GTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATAGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAAGTACTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTCCGCCATTGTAGCTGTTCGGAACCCACAAACCATTCCGACTGGCGGTCAGAATTTCTTCGAATATGTTCTTGAATTCATTCGAGATGTGAGCAAAACTCAGATTGGAGAGGAATACGGTCCATGGGTCCCCTTTATTGGAACTATGTTTCTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCGGGGGCGCTTTTACCTTGGAAGATCATAGAATTACCTCATGGGGAGTTAGCCGCACCTACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCATATTTTTATGCGGGCCTTAGCAAAAAAGGATTAGGTTATTTCGGTAAATACATTCAACCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCGCTTAGCTTTCGACTTTTCGGAAATATATTAGCGGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTTAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCTGCGGCTTATATAGGCGAATCCATGGAAGGGCATCATTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090167.1\_11 [gene=rps2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00018] [db\_xref=GeneID:11542292] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_005090167.1] [location=complement(17032..17742)] [gbkey=CDS]

ATGATAAGAAGATATTGGAACATTAATTTGGAAGAGATGATGAAAGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAATCCGAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAGCGTAAGGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAGTTTTTGATGCAGCAAGTAGGAGAAAACAATTCTTAATTGTTGGTACCAAAAATAAAGCGGCGGATTCAGTAGCACGAGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTCGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCAGGGACTTGAGAATGGAACAAAAGACAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGATGCGGCTCGGTTGAAGAGACAGTTAGCTCACTTGCAAACATATCTGGGTGGGATTAAATATATGACGGGGTTACCCGATATTGTAATAATCGTTGATCAGCAAGAAGACTATACGGCTCTTCGGGAATGTATCACTTTGGGAATCCCAACGATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGACCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAGCGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGACTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAGGGTCGTTCTAGCTATATACGAAATCCCTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090168.1\_12 [gene=rpoC2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00019] [db\_xref=GeneID:11542293] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_005090168.1] [location=complement(17988..22205)] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTACTTATGGCCAAACGGGCCAATCTGGTCTTTCACAATAAAGTGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCACACATCCTGGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACTGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTTCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACACTATCATTATGGAAATGTACACGCGGTAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGATATGGTATGCTACAAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAATCTTAATTTTAGGATGACGGAACCCTTTAATCCAGTCCATATAATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATGTATCTCAAGTACACCAATTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGACAAATGATCGATTTACCTATTCAAAGCAATTTACGCGAAGGACTATCTTTAACAGAATATATCATTTCTTGCTACGGAGCCCGCAAAGGGGTTGTCGATACCGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACGCGTAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACACATTGTTGTACGTAGAACAGATTGTGGCACCACCCGAGGGATTTCTGTGAGTCCTCAAAATGGGATGATGTCGGAAAGAATTTTTATTCAAACATTAATTGGTCGTGTATTAGCAGACAATATATATATGGGTCTACGATGCATTGCCATTCGAAATCAAGATATTGGGATTAGACTTGCCAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATCTATTCGAACTCCCTTTACTTGTAGGAGTACGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGCCGGAGTCCTACTCATGGCGATCTAGTGGAATTGGGGGAAGCCGTAGGTATTATTGCAGGTCAATCCATTGGAGAGCCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACATTTCATACCGGCGGAGTATTCACAGGGGGTACTGCAGAACATGTACGAGCCCCCTCTAATGGAAAAATAAAATTTAACGAGGATTTGGTTCATCCCATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCTTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTGAAAGTCACGATATTATACATAACGCTACTATTCCACCAAAGAGTTTCCTTTTAGTTCAAAACAATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTGATTGCTGAAATTCGGGCGGGAACATACACTTTGAATTTTAAAGAGAAGGTTCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTACTGATGTATACCATGCACCTGAATTTACATATAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGTCATTTATGGATATTATCAGGAAATTCGTGCAGATCCAGTATAGTTCCTTTTTCGCTCCATAAGGATCAAGATCAAATGAACGTTCATTCTCTTTCTATCAAAAGAAGATATATTTCTAGTCCTTCCGTAAATTCCGTAAATAATGATCAAGTTAAACCCAAATTCTTTAGTTCAGATTTTTCGGGTAAAAAACCAAGTAGGATTCCTTATTATTCAGAACTTAATCGAATCGTATGTACTGGTCATTGTAATCTCATATATCCCGCGATTCTCTACGAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATCATCCCATTCCAATCAATTCAAGAACAAGAAAAAAAACTAATGACCCGCTCCTCGGCTATCTCGATTGAAATACCGCTAAATGGTATTTTCCGTAGAAATAGTGTTTTTGCTTATTTTGACGATCCCCAATACCGAAGAAAGAGTTCGGGAATTACTAAATATGGGGCTATAGGGGTGCATTCAATCGTCAAAAAAGAAGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAATGAAGGTAGATCGCTTTTTTTTCATTCCCGAAGAAGTGTATATTTTACCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGAACAATAGTATCATTGGAGTAGATACACCAATCACTTTAAATACAAGAAGTCGGGTGGGCGGATTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAAAAAAAAAAATTGAGCTTAAAATCTTTTCTGGAGATATCCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAAATATCCCGACACAGTGGTATCTTGATACCACCAGGAATGGTAAAAACAAATTCTAAGGAATCAAAAAAACAGAAAAACTGGATCTATATCCAACGAATCGCACCTACCAGGAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACTAGTAATCATATATGAGATAGCGAACGGTATAAATTTAGAAACACTTTTCCCCCGGGATTTATTGCAGGAAAAGGATAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTCTGGAAATGGTAAACCGATTCGAGGAATTTCTGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGAAAAAAAAAGTTCTTCTATCGAAGAGGCCCGCGCTTCCTTTGTTGAAGTAAACACAAATGGTCTGATTCGTGATTTCTTAAGAATCAACCTAGTGAAATCCCATATTTCATATATCAGTAGAAAAAGGAATGATCCATCGGGTTCAGGGCCGATCTCTAATAATGGGGCAAATCACACCAATATTAATCCATTTTATCCCATCTATTTCAAGACAAGGATTCAACAATCACTTAAACAAAATCAAGGAACTATTAGTACGTTGTTGAATAGAAATAAGGAATGTCAATCTTTGATAATTTTGTCATCATCTAATTGTTTTCGAATGGATCCCTTCAACGATGTAAAACATCACAATGTAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCCTATAATTCCAATTAGAAATTCGTTGGGCCCTTTAGGAACAGCCCTTCAAATTGCGAATTTGTATTTATTTTACCATTTAAATTTAATAACTCATAATCGGATCTCAGTAACTAAATATTTGAAACTTGACAATTTAAAACAGACTTTTCGAGTACTTAAATATTATTTAATGGACGAAAACGGGAGAGTTGTTAATCCCGATCCATGCAGTAACAGTGTTTTGAATCCATTCAATTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATCATCATAATTATTGTCATAATTATTGTGAAGAAAGCTTCACAATAATTAGCCTGGGACAGTTTATTTGCGAAAATGTCTGTATGGCCAAAAACGGACCACATCTAAAATCGGGTCAAGTTATAATTATTCACATTGGCTCTGTAGTAATAAGATCCGCTAAGCCTTATTTGGCCACTCCGGGAGCAACCGTTCATGGCCATTATGGAGAAATCCTTTACGAAGGAGATACATTAGTTACATTTATATATGAAAAGTCGAGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTAGAACAAGTGTTAGAAGTGCGTTCAATTGATTCAATATCGATAAACCTAGAAAAGAGAGTTGGGGGTTGGAACGAATGTATACCAAGAATTCTTGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTACTGAGCTAACTATAGTGCAAAGTCGCATCTCTTTGGTTAATAAGATCCAAAGGGTTTATCGATCCCAAGGGGTGCAGATCCATAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGTCAAATAACATCAAAAGTATTGGTTTCAGAAGACGGAATGTCTAATGTTTTTTCACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTGCGAGCGGAACGAACGGGACGTGCTTTGGAAGAAGCCATCTGTTACCGAGCCATATTATTGGGAATAACGAGAGCATCCCTGAATACTCAAAGTTTCATATCCGAGGCCAGTTTTCAAGAAACTGCTCGTGTTTTAGCAAAAGCCGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTGAAAGAAAACGTTGTTCTAGGCGGTATGATACCCGTTGGTACCGGATTCAAAGGATTAGTACAAGGTTCAAGGCAATATAAGAACATTCCTTTGAAAACCAAAAAGAATAATTTATTCGGGGGGGAATTTAGAGATAGAGATATTTTATTCCACCACAGAGAGTTATTTTATTCTTGCATTTCAAAAAATTTCTACGATACATCAGAACAATCATTTATAGGATTTAATGATTCCTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090169.1\_13 [gene=rpoC1] [locus\_tag=RCOM\_ORF00020] [db\_xref=GeneID:11542294] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_005090169.1] [location=complement(join(22374..23903,24750..25184))] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATCAGTTTCGCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAAAAAAATCCTACCTAATGGGGAGATTGTTGGAGAAGTGACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGGTGGATTGTTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCTATAAAAAGTGGAATTTGTGCTTGTGGAAATTATCGAGTAATCAGAAATGAAAAAGAAGACCAAAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAATTTGTTGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTGGCATGCCCAGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCAAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCCTAGTATATTGCGATGTGAAATACAGTATTCCACTTTTTTTTACTGCCCAAGGCTTCGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATCCGAGAACAATTAGCCGATCTAGATTTGCGAATTATTATAGATTATTCATCGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCTACGGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTCGACGCGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATAGAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCAGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTAATGAGTTCAGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACGCCAGGAGAATTAGTAATGTGTCAGGAAAAATTAGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGAGACGGTCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCGGATGTAATTGAAGGCAAAGAAGGAAGATTTCGTGAGACTATGCTTGGAAAACGGGTTGATTATTCGGGGCGTTCTGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAAATAGCAATAGAACTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGACAACATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAGCCAATTGTATGGGAAATACTTCAGGAAGTTATGCAGGGGCATCCGGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTTTGCATAGATTAGGCATACAGGCATTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGCGCTATTTGTTTACATCCATTAGTTTGTAAGGGATTCAATGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCTTTATCGTTGGAGGCTCAAGCGGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTCTTATCTCCAGCTATTGGAGATCCCATTTCCGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGGCTCTATGTATTAACAAGCAGGAATCGCCGAGGTATTTGTGCAAATAGGTATAATCCATGTAATCACAGAAATTATCAAAATGAAAGAATTTACGATAATAACAATCAATATACGAAAGAATCCTTTTTTTCTAATTCCTATGATGCAATTGGTGCTTATCGGCAGAAAAGAATCAATTTAGATAGTCCTTTGTGGCTCCGTTGGCAACTAGATCAACGCGCTATTGCTTCAAGAGAAGCTCCCGTCGAAGTTCACTATGAATCTTTGGGTACCTATCATGAGATTTATGAACACTATCTAATAGTAAGAAATATAAAAAAAGAAATTCTTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTCTTTATCGAGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGCCAAGCCGGCTCAGATGGTATCTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090170.1\_14 [gene=rpoB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00021] [db\_xref=GeneID:11542295] [protein=RNA polymerase beta subunit] [protein\_id=YP\_005090170.1] [location=complement(25211..28423)] [gbkey=CDS]

ATGCTCGGGGATGGAAATGAGGGAATGTCTACAATACCTGGATTGAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGTAGGTTCATTGATCAGGGCTTAACAGAAGAACTTTATAAGTTTCCAAAAATTGAAGATACAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTAGTAGAACCGTTGATAAAAGAAGGAGATGCTGTATATGAATCACTTACATATTCTTCTGAATTATATATATCCGCGGGATTAATTTGGAAAACTAGTAGGGATATGCAAGAACAAACTATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTGGGAACTTTTATAATAAATGGAATATACAGAATTGTGATCAATCAAATATTGCAAAGTCCCGGTATCTATTACCGGTCAGAATTGGATCATAACGGAATTTCGGTCTATACCGGCACCATAATATCAGATTGGGGGGGGCGAGTAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCTCGTGTAAGTAGGAAACAGAAAATATCTATTCTAGTTCTATTATCCGCTATGGGTTTGAATCTAAGAGAAATTTTAGAGAATGTGCGCTACCCTGAAATTTTCTTATCTTTCCTGAATGATAAGGAAAAAAAAAAAATTGGGTCAAAGGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCGGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGGATTGGTCGATTAAATATGAACCGGAGACTGAATCTTGATATACCTCATAACAATACATTTTTGTTACCGCGAGATATATTGGCAGCTGCGGATCATTTGATTGGAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCTGTAGCGGATCTTTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTGATTCGTTTAGAAAATGTGGTTAGAGGGACTATATGTGGAGCAATTAGGCATAAATTGATACCGACTCCTCAAACTTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACTTATGAATCTTTTTTCGGGTTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATCGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTGACAGGGCGAACTGCTAGTTTTCGGATACGAGATATCCACCCTAGTCACTATGGGCGGATTTGCCCAATTGACACATCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGATCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGGTCATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGTAATCTCTGAGGAATCAAAAAAAGTACGGATGTTTTATTTATCACCAAATAGAGAGGAATACCATATGGTAGCGGCAGGAAATTCTTTGGCGCTAAATCGAGGTGTTCAGGAAGAACAGGTTGCCCCAGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACAAGTGCATCTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATCGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCTAATATGCAACGTCAAGCAGTTCCACTTTCTCGGTCCGAAAAATGCATTGTTGGGACTGGATTGGAACGCCAAGTGGCTCTAGATTCAGGGGTTCCCGCTATAGCCGAACGCGAAGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAGATCATTTTATCGGGCAATGGGGATACTCTACGCATTCCATTAGTTATGTATCAACGTTCCAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAACCCCAGGTTCCGCGGGGTAAATGCATTAAAAAGGGACAAGTTTTAGCGGATGGTGCCGCTACAATTGGTGGCGAACTCGCCTTGGGCAAAAACGTATTAGTGGCTTATATGCCGTGGGAAGGTTACAATTTTGAGGATGCGGTACTCATTAGCGAACGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGGAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGCCAAGGACCTGAAAGGATCACTAATGAAATACCGCATCTAGAAGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAATGGAATTGTGATGCTAGGATCTTGGGTAGAGACGGGCGATATTTTAGTAGGTAAATTAACGCCTCAAATGGCGAAAGAATCATCGTATGCTCCCGAAGATAGATTATTAAGAGCCATACTTGGTATTCAGGTATCTACTTCAAAGGAAACTTGTCTAAAACTACCTATAGGTGGTAGGGGGCGAGTTATTGATGTGAGATGGGTCCAGAAAAAGGGGGGTTCCAGTTATAATCCGGAAACGATTCGTATATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTCGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCCAAAATTTTGCCTAGACAAGATATGCCTTATTTGCAAGATGGAAGGCCTGTTGATATGGTCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAGCGGGAGGTCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCCTCGAGAAAACTTGTATTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAATATCCGGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACGGGGGATCCCTTTGAGCAGCCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACCCAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGGGGACAACGAGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAAGGATTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAAATGCTTACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTGCTTGGTACTACAATCATCGGAGGAACAATACCTAAACCTGAAGACGCTCCAGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTGGAACTGAATCATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATGAATAGGAAGGAAGCTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090171.1\_15 [gene=petN] [locus\_tag=RCOM\_ORF00023] [db\_xref=GeneID:11542297] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VIII] [protein\_id=YP\_005090171.1] [location=30057..30146] [gbkey=CDS]

ATGGATATAGTAAGTCTCGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCGCTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090172.1\_16 [gene=psbM] [locus\_tag=RCOM\_ORF00024] [db\_xref=GeneID:11542298] [protein=photosystem II protein M] [protein\_id=YP\_005090172.1] [location=complement(31362..31466)] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCGTTTATTGCTACTGCCCTGTTCATTCTAGTTCCTACTGCTTTTTTACTTATAATTTACGTAAAAACGGTTAGTCAAAGTGATTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090173.1\_17 [gene=psbD] [locus\_tag=RCOM\_ORF00029] [db\_xref=GeneID:11542303] [protein=photosystem II protein D2] [protein\_id=YP\_005090173.1] [location=36911..37972] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGTGCCTATTTCGCCGTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCACGGATTGGCCAGTTCCTATTTGGAAGGTTGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCACATTCTTTGTTATTACTATGGGGTCCTGAAGCACAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGTGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTCCACGGTGCTTTCGGGCTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCTGTGCAATTGCGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGGTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCGCCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGAGTTGCCGGCGTATTGGGCGCTGCTCTGCTGTGCGCTATTCATGGTGCTACTGTAGAAAATACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCAAATACATTCCGTGCTTTTAACCCAACTCAAGCTGAAGAAACTTATTCAATGGTCACCGCTAACCGCTTTTGGTCTCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCCGTAACCGGTTTATGGATGAGCGCTCTTGGAGTAGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATTCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACTAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGGGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090174.1\_18 [gene=psbC] [locus\_tag=RCOM\_ORF00030] [db\_xref=GeneID:11542304] [protein=photosystem II 44 kDa protein] [protein\_id=YP\_005090174.1] [location=37920..39341] [gbkey=CDS]

ATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACCACCGGTTTCGCTTGGTGGGCTGGGAATGCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAAACTACTGGGAGCCCATGTAGCCCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTCGAAGTGGCTCATTTCGTACCAGAGAAGCCAATGTATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGCCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCATACTTTGTATCTGGCGTACTTCACTTAATTTCCTCCGCAGTATTGGGCTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGACTCTTGAAGAATCTTTTCCATTTTTTGGTTATGTATGGAAAGATAGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGCGTATATGATACCTGGGCTCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACTAACTTAACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTCGGTTATTTACTAAAATCCCCTTTTGGAGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGAGGGCATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTGGGTGGAATCTGGCATATCTTAACCAAACCCTTTGCATGGGCTCGCCGTGCACTTGTATGGTCTGGAGAGGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACCGCTTACCCTAGTGAGTTTTACGGGCCTACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTCTAGTTCGAGATCAACGTCTTGGGGCTAACGTGGGATCTGCTCAAGGACCTACCGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCGCCTACCGGAGAAGTTATTTTTGGAGGCGAAACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCTCTAAGAGGTCCAAATGGTTTGGACTTGAGTAGGTTGAAAAAAGACATACAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCAGAATATATGACCCACGCGCCTTTAGGTTCGTTAAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAAATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGGTTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCACGCGGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAGGGAATTGATCGTGATTTTGAACCCGTTCTTTCCATGACTCCTCTTAACTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090175.1\_19 [gene=psbZ] [locus\_tag=RCOM\_ORF00032] [db\_xref=GeneID:11542306] [protein=photosystem II protein Z] [protein\_id=YP\_005090175.1] [location=39989..40177] [gbkey=CDS]

ATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGTTACTTCATCAATCTTATTGATTAGTGTACCCGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGTTGGTCGAGTAATAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTTTTTTTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCTTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090176.1\_20 [gene=rps14] [locus\_tag=RCOM\_ORF00035] [db\_xref=GeneID:11542309] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_005090176.1] [location=complement(41268..41570)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGAAAAAGTTTGATTCAGCGGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATTCGTCGATCCTCAAAAAAAGAAATAAGCAAAGTTCCGTCGTTGAGTGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCCACCGCGAAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGCTGTTTTTCGACTGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGACTATCCGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTACCGGGGGCAACAAGATCGAGTTGGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090177.1\_21 [gene=psaB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00036] [db\_xref=GeneID:11542310] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a] [protein\_id=YP\_005090177.1] [location=complement(41687..43891)] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAGAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCACTTCGGACAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACACGTAAGACCTATTGCTCATGCAATTTGGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGGAAGCTTTTACTCGGGGGGGTGCGCCTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATCGGTTTACGTACTAATGAAGATCTTTATATCGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTACTAGCGGGTTGGTTACACCTACAACCAAAATGGAAACCGAGCGTTTCGTGGTTCAAAAATGCTGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGCTCTTTAGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCTATTCCTGGCGCTAGGGGAGAATACGTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTACCACATCCCCAAGGATTAGGCCCACTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCCGGTAATCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGAGCAGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCATTTATTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCACAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCGCATATTCCTCCGGGAGGGCGATTGGGGCGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCACTTCATTTTCAATTAGGCCTTGCTCTAGCTTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTAGTAGCTCAGCACATGTACTCATTACCTGCTTATGCGTTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAATGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGCCTCTTTTTGGGATTCCATACTTTGGGACTTTATGTTCATAATGACGTCATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTGATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGTAAAACTTCATATGGGTTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTCCAGCCTTCAATGCAGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGCTGGTTAAATGCTATTAATGAAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGGCCCGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGATTACATACAACCACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCAAAGTTAATGCCAGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGCGATGGTCCAGGACGCGGCGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCGCAACTTATCAATGGATATAACCCTTTTGGTATGAATAGCTTATCGGTCTGGGCGTGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGTGGATATTGGCAGGAATTGATTGAAACTTTAGCATGGGCCCATGAACGTACACCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090178.1\_22 [gene=psaA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00037] [db\_xref=GeneID:11542311] [protein=photosystem I P700 chlorophyll a] [protein\_id=YP\_005090178.1] [location=complement(43917..46169)] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTAAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCGTCAAAACTTCTTTCGAGGAATGGGCTAGACCGGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAAGGACCAGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTACATGCTGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAGTGATTTGGAGGAGATTTCTCGAAAAGTATTTAGTGCTCATTTCGGCCAACTCTCAATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGCATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAAGTGATCCTACTCACATTGGACCTAGTGCCCAAGTGGTTTGGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAATGGTGATGTGGGGGGGGGGTTCCGAGGAATACAAATAACCTCCGGTTTTTTTCAGATTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACCGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAGCCCTTATGCTTTTTGCCGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCGCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCTATGTTGAATCACCATTTAGCGGGGCTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCAGGGCATCAAGTACATGTCTCTTTACCAATTAACCAGTTTCTAAACGCTGGAGTGGATCCTAAAGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACCTTGAATTGGTCAAAATATTCGGAATTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTGACTGGGGGTCTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGGTAGCTGGTCACATGTATAGGACTAACTGGGGTATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCATAAAGGCCCATTTACAGGTCAGGGCCATAAAGGCCTATATGAGATCCTAACAACGTCGTGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTAGCTATGTTGGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCTCCTTATCCATATCTAGCTACTGACTATGGTACACAACTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTTCTCATAGTTGGTGCTGCTGCGCATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTCCTGAGGCATCGCGATGCAATCATATCACATCTCAATTGGGTATGTATATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGCCCTCAAGATATGTTTTCAGATACTGCTATACAATTACAACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATGCTATTGCACCGGGTGCAACGGCTCCTGGTGCAATAGCAAGCACCAGTTTGACTTGGGGGGGTGGCGATTTAGTGGCAGTGGGTGGCAAGGTTGCTTTGTTACCGATTCCATTAGGAACCGCGGATTTTATGGTACATCACATTCATGCATTTACGATTCATGTGACAGTATTGATACTTCTGAAAGGAGTTCTATTTGCCCGTAGCTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGTGATGGACCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGGCTGTTTTGGATGTACAATTCAATTTCGGTAGTAATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTTGCACAGAGTTCCATTACTGTTAATGGGTGGCTCCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTTTTTTTCCTAGGCGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGTGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATCGTGTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTCGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090179.1\_23 [gene=ycf3] [locus\_tag=RCOM\_ORF00038] [db\_xref=GeneID:11542312] [protein=photosystem I assembly protein Ycf3] [protein\_id=YP\_005090179.1] [location=complement(join(46923..47075,47735..47962,48696..48824))] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCCCGGATAACTGGAAATTTTATTGATAAGACCTTTTCAATTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACTTCGGGAGAAAAAGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGTGTGATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGGCTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAATGGAGAACATACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCCTTCTTACCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACCGAGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAGGCTTGGTTCGATCAAGCCGCAGAGTATTGGAAACAAGCTATAGCGCTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTGAAGATCACAAGGCGTTTTGAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090180.1\_24 [gene=rps4] [locus\_tag=RCOM\_ORF00040] [db\_xref=GeneID:11542314] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_005090180.1] [location=complement(49603..50208)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACGCCGTCTGGGGGCTTTACCGGGACTCACTAGTAAAAGGCCTAGGGCTGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAAAATTACGTTTTCATTATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTCGTATCGCCGCAAAAGCCAAAGGGTCAACAGGTCAGGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATGGCGTCAACTATTCCCCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCGAGGGATGAACAAAAATCCAGAGCTATGATTCAAAATTATCTTGAGTCATCCCCCCAGGAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTGACCCATTTCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAATAAATGGATCGGCTTGAAAATAAACGAATTGCTAGTGGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090181.1\_25 [gene=ndhJ] [locus\_tag=RCOM\_ORF00044] [db\_xref=GeneID:11542318] [protein=NADH dehydrogenase subunit J] [protein\_id=YP\_005090181.1] [location=complement(52943..53419)] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCGTTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACACGGACTGGTTCATAGATCTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGCAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTGCGGTTGCAATGTGCCTATGATGTAGCGCCGGGCGGGCTGTTAGCTAGCGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGGTATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAGGTATTTGCCCCAAGGAAGAATCCTAGAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCAAGAAAGGGAATCTTATGATATGTTGGGAATCCTTTATGATAATCATCCGCGTCTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGATAGGGTGGCCCTTACGTAAAGATTATATTGCTCCTAATTTTTATGAAATACAAGATGCTCATTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090182.1\_26 [gene=ndhK] [locus\_tag=RCOM\_ORF00045] [db\_xref=GeneID:11542319] [protein=NADH dehydrogenase subunit K] [protein\_id=YP\_005090182.1] [location=complement(54239..54418)] [gbkey=CDS]

ATGGGCAATGAGTTTCGATGTATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATAGTTGGTTCAGTTTATGCATGGAGAAAAGGAGCATTAGAGTGGTCTTAGCTCTTGAATATTCTGCAAAAATAATGAAAAAAAAAAAAATAACATTGAGACAGTTATGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090183.1\_27 [gene=ndhC] [locus\_tag=RCOM\_ORF00046] [db\_xref=GeneID:11542320] [protein=NADH dehydrogenase subunit 3] [protein\_id=YP\_005090183.1] [location=complement(54298..54660)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGATTTACGAATATGATATATTCTGGGCATTTCTAATAATATCAAGTGTTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTATCCCCAATTAGCAAAGGGCCGGAGAAACTTTCTAGTTATGAATCGGGGATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTATTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACGGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTCGATGTATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATAGTTGGTTCAGTTTATGCATGGAGAAAAGGAGCATTAGAGTGGTCTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090184.1\_28 [gene=atpE] [locus\_tag=RCOM\_ORF00049] [db\_xref=GeneID:11542323] [protein=ATP synthase CF1 epsilon subunit] [protein\_id=YP\_005090184.1] [location=complement(56256..56657)] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCAAATCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGACAAATTGGCGTATTATCAAATCATGCGCCTATTGCCACAGCAGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTAATGACCAATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGCGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGATTACTATTTTAGTAAACGATGCAGAGAAGGGTAGTAACATTGATCCACAAGAAGCTCAGAAAAATCTTGAAATAGCAGAAGCTAACTTGAGAAAGGCGGAAGGCAGGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGCGTAGAGGCTATCAATGTGATTTCGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090185.1\_29 [gene=atpB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00050] [db\_xref=GeneID:11542324] [protein=ATP synthase CF1 beta subunit] [protein\_id=YP\_005090185.1] [location=complement(56654..58150)] [gbkey=CDS]

ATGAGAATCAATCCTACTACTTCTGGTCCGGGAGTTTCCACACTTGAAAAAAAGAACCTGGGGCGCATCACTCAAATCATTGGGCCGGTGCTAGATGTAGCTTTTCCCCCGGGAAAGATGCCTAATATTTACAACGCTCTGGTAGTTAAGGGCCGGGATACTGTTGGTCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGGGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGACGGTCTAATGAGAGGAATGGAAGTGATTGACACGGGAGGTCCTCTCAGTGTTCCAGTCGGCGGAGCGACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTGTTGATGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGCGCAACATCCCCTATTCATAGATCTGCACCTGCCTTTATACAGTTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAGACAGGAATTAAAGTAGTAGATCTGTTAGCCCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGACTATTCGGGGGAGCTGGAGTAGGTAAAACAGTACTTATTATGGAATTAATCAACAACATTGCGAAAGCTCATGGGGGCGTATCCGTATTTGGCGGAGTAGGCGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTAGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCCCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGCTTAACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAATGAACAGGACGTACTTCTATTTATCGACAATATCTTCCGTTTCGTCCAAGCAGGATCCGAAGTATCCGCCTTATTAGGTAGAATGCCTTCCGCTGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGTTCTTTACAAGAACGAATTACTTCTACAAAAGAAGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCAGTTTATGTACCTGCGGACGATTTGACTGACCCTGCTCCTGCCACGACATTTGCACATTTAGATGCTACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCTAAAGGGATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACGTCAACTATGCTCCAACCTCAGATCGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAAGACATTATAGCTATCCTTGGGTTAGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACTGTAGCAAGAGCACGAAAAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCCTTTTTTGTAGCAGAAGTATTTACGGGTTCCCCGGGGAAATATGTCGGTTTAGCAGAAACTATTAGAGGATTTAAATTGATCCTTTCCGGAGAATTAGATAGTCTACCTGAGCAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATTGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAATTTAGAAATGGAGAACAACTTGAAGAAATGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090186.1\_30 [gene=rbcL] [locus\_tag=RCOM\_ORF00051] [db\_xref=GeneID:11542325] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_005090186.1] [location=58961..60388] [gbkey=CDS]

ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGGTTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCAGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGGCTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACCACATTGAGCCCGTTGCCGGAGAAGAAAATCAATTTATTGCTTATGTAGCTTACCCCTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTACGCGCCCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTCCTGCTTATACAAAAACTTTCCAAGGGCCGCCTCATGGCATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCTCTATTGGGTTGTACTATTAAACCTAAATTGGGGCTATCCGCTAAGAATTACGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAGAACGTGAACTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCTTATTTTGTGCCGAAGCAATTTATAAAGCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGACATTATTTGAATGCTACTGCAGGTACATGCGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTATTTGCCAGAGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGGGGATTCACTGCAAATACTACCTTGGCTCATTATTGCCGAGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCACCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCATTTTCGTGTACTAGCTAAGGCGTTACGTATGTCTGGTGGAGATCATATTCACGCTGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGGGAAAGAGACATCACTCTGGGCTTTGTTGATTTATTGCGTGATGATTTTATTGAAAAAGATCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTCTACCTGGTGTTCTGCCTGTAGCTTCAGGGGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCCGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAGGGACGTGATCTTGCTCGCGAGGGTAATGAAATTATCCGCGAAGCTGGCAAATGGAGTCCTGAATTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAGATTAAATTTGAATTCCCAGCAATGGATACTTTGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090187.1\_31 [gene=accD] [locus\_tag=RCOM\_ORF00052] [db\_xref=GeneID:11542326] [protein=acetyl-CoA carboxylase beta subunit] [protein\_id=YP\_005090187.1] [location=61180..62679] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAACGGCGGTTCAATTCGATCTTATCCAATGTGGAATTAGGATACAGGTGTAGGCTAAGTCAATCGATAGATAGTTTCAGTCCTCTTGAAAATACCAGTGTAAGCGAAGACCCGATTCTAAATGATACAGATAAAAACACCCGTAGTTGGAGTAATAGTGACAGCTCTAGTTACAGTAATGTTGATCGTTTAGTCGGCGCCAGAGACATTCGGAATTTCGGCGCTGATGAAACTTTTTTAGTTAGGGATAATAATAGGGACAGTTATTCCATATATTTTGATATTGAAAATCAAGTTTTTGAGATTGACACTGATCATTCTTTTCTGAGTGAATTAGAAAGTTATTTTTATAGTTATTGGAATTCTAGTTCTCTGAATAATGGGTCTAGGAGTGGCGATTCCTACTATGATCATTATATGTATGATACTAAATATAGTTGGAAGAATTACATCAATAGTTGCATTGACAGTTATCTTCGTTCTCAAGTCTGTATTGATATTTATATTTTAACTGGCAGTTACAATTACGGCGAAAGTTCCATTTATAGTTACATTTGTGGTGAAAGTGGAAATAGTAATGAAAGCGAGAGTTCCAGTCTAAGAACTAGTACGAATGGTAGCGATTTAACTAGAAGAGAAAGTTCTAATGATCTCGATATAACTATAACTCAAAAATACAAGCATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAATTATAAGAAATTTTTTAAGTCAAGAATGAATATTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAGTAGTTCAGATAGAATTGAACTTTCGATTGACCTAGGCACTTGGGATCCTATGGATGAAGATATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAGGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAGAAAGACAGGATTAACCGAGGCCGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAACGGCATTCCCGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATGGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGCGAGAAAATCACTCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATAAATTTTTACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCGCGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCTTTATATGATTATCAATCGAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACATCTCCTACAACAGGCGGGGTGACGGCTAGTTTTGGTATGTTGGGGGATATCATTATTGCTGAACCTAACGCCTATATTGCATTTGCAGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAGACAGTACCTGAAGGTTCACAATCAGCCGAATTTTTATTCCATAAGGGCTTATTCGATTCAATCGTACCACGTAATCCGTTAAAAGGCGTTCTGAATGAGTTACTTCAGCTCCACGATTTCTTTCCTTTGAATCATAAATCAAGTAGAGTCTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090188.1\_32 [gene=psaI] [locus\_tag=RCOM\_ORF00053] [db\_xref=GeneID:11542327] [protein=photosystem I subunit VIII] [protein\_id=YP\_005090188.1] [location=63814..63927] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTCAACAGCTTACCCTCCATTTTTGTGCCTTTAGTAGGCTTAGTATTTCCGGCAATTGCGATGGCTTCCTTATCTCTTCATGTTCAAAAAAACAAGATTTTTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090189.1\_33 [gene=ycf4] [locus\_tag=RCOM\_ORF00054] [db\_xref=GeneID:11542328] [protein=photosystem I assembly protein Ycf4] [protein\_id=YP\_005090189.1] [location=64401..64955] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACGTATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGCAAAACAAGTAATTTCTGCTGGGCCTTTATACTTTTTTTAGGTTCATTGGGATTTTTATTGGTTGGAATTTCCAGTTATCTTGGCAGAAATTGGATATCTTTATTTCCGTCTCAGCAAATAATTTTTTTTCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTCTATTTATTAGTTCTTATTTGTGGTGCACAATTTTGTGGAATGTAGGTAGTGGTTATGATCGATTCGATAGAAAAGAAGGAATAGTGTGTATTTTTCGCTGGGGATTCCCTGGAAAAAATCGTCGCATCTTCCTCCGATTCCTTATGAAGGATATTCAGTCTATTAGAATAGAAGTGAAAGAGGGTATTTTTGCTCGGCGTGTCCTTTATATGGAAACCAGAGGCCGAGGGTCCATTCCTTTGACTCGTACTGATGAGAATTTGACTCCACGAGAGATTGAGCAAAAGGTAGCGGAATTGGCCTATTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTATTTTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090190.1\_34 [gene=cemA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00055] [db\_xref=GeneID:11542329] [protein=envelope membrane protein] [protein\_id=YP\_005090190.1] [location=65796..66482] [gbkey=CDS]

ATGAAAAAAAAAACATTTATTCCCTTTCTATATCTTACAGCTATAGTTTTTTTGCCCTGGTGGATCTCTTTTTTATTTAATAAAAGTTTGGAATCTTGGGTTATTAATTGGTGTAATACTAGTAAATCCGAAACTTTTGTAAATGATATTCAAGAAAAAAGTATTCTAGAAAAGTTCATAGAATTAGAGGAACTCGTTCGCTTGGACGAAATGATAAAGGAATATCCGGAAACACATCTACAAAAGTTTCGTATCGGAATTCACAAAGAAACAATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAGGATTATATCCATACGATTTTGCACTTCTCGACAAATATAATCTGTTTCGTTATTCTAAGTGGTTATTCTATTTTAAGTAATGAAGAACTTATTATTCTTAATTCTTGGGTTCAAGAATTCCTATATAATTTAAGCGACACAATAAAAGCTTTTTTCATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCATTCACCCCATGGTTGGGAACTAATGATTGGCTCGGTCTACAAAGATTTTGGGTTTGCTCATAATGATCAAATTATATCTGGCCTTGTTTCCACTTTTCCAGTCATCCTCGATACAATTTTTAAATATTTGATTTTCCGTTATTTAAATCGCGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090191.1\_35 [gene=petA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00056] [db\_xref=GeneID:11542330] [protein=cytochrome f] [protein\_id=YP\_005090191.1] [location=66745..67707] [gbkey=CDS]

ATGCAAACTAGAAAGACCTTTTCTTGGATAAAGCAAGAGATTACTCGTTCCATTTCCGTATCGCTCATGATATATATAATAACTTGTGCATCCATTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAGCAGGGTTATGAAAATCCGCGCGAAGCAACTGGCCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAACCCGTGGATATTGAAGTTCCACAAGCGGTACTTCCTGATACTGTATTTGAAGCAGTCGTTCGAATTCCTTATGATATGCAACTGAAACAAGTTCTTGCTAATGGTAAAAAGGGGGCTTTGAATGTGGGGGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGGTTTGAATTAGCCCCTCCTAATCGTATTTCGCCAGAGATGAAAGAAAAGATGGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACAAAAAAAAATATTCTTGTGATAGGTCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCTATCCTTTCTCCGGACCCCGCCACTAAGAAAGATGTTCACTTTTTCAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGTAACAATACGGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGTATAGTAAGCAAAATCATACGAAAAGAAAAGGGGGGGTACGAAATAACCATAACGGATGCGTCAGAGGGACGTCAAGTGATTGATATTATACCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATCAAACTTGATCAACCATTAACGAGTAATCCTAATGTGGGTGGATTTGGTCAGGGGGATTCAGAAATAGTACTTCAAGACCCATTACGTGCCCAAGGCCTTTTGTTCTTCTTGGCGTCGGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTCTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090192.1\_36 [gene=psbJ] [locus\_tag=RCOM\_ORF00057] [db\_xref=GeneID:11542331] [protein=photosystem II protein J] [protein\_id=YP\_005090192.1] [location=complement(68433..68555)] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGAAGAATTCCCCTTTGGATAATAGGTACTGTAACTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGATTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090193.1\_37 [gene=psbL] [locus\_tag=RCOM\_ORF00058] [db\_xref=GeneID:11542332] [protein=photosystem II protein L] [protein\_id=YP\_005090193.1] [location=complement(68703..68819)] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAACCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090194.1\_38 [gene=psbF] [locus\_tag=RCOM\_ORF00059] [db\_xref=GeneID:11542333] [protein=photosystem II protein VI] [protein\_id=YP\_005090194.1] [location=complement(68846..68965)] [gbkey=CDS]

ATGACCATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGACTGTTCACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTTTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090195.1\_39 [gene=psbE] [locus\_tag=RCOM\_ORF00060] [db\_xref=GeneID:11542334] [protein=photosystem II protein V] [protein\_id=YP\_005090195.1] [location=complement(68974..69225)] [gbkey=CDS]

ATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATTACCAGTATTCGATATTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTATGATGTATTTGGGAGCCCTCGTCCAAATGAATATTTTACAGAGAGCCGACAGGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090196.1\_40 [gene=petL] [locus\_tag=RCOM\_ORF00061] [db\_xref=GeneID:11542335] [protein=cytochrome b6/f complex subunit VI] [protein\_id=YP\_005090196.1] [location=70789..70884] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTATAACTAGTTATTTCGGTTTTCTACTAGCGGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTATTTATTGGTCTGAGCAAGATACGACTTATTTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090197.1\_41 [gene=petG] [locus\_tag=RCOM\_ORF00062] [db\_xref=GeneID:11542336] [protein=cytochrome b6/f complex subunit V] [protein\_id=YP\_005090197.1] [location=71101..71214] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTTTTCTATTTGGAATCGTCTTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTCATAACTGCATATTTACAATACAGGCGTGGTGATCAGTTGGACCTTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090198.1\_42 [gene=psaJ] [locus\_tag=RCOM\_ORF00065] [db\_xref=GeneID:11542339] [protein=photosystem I subunit IX] [protein\_id=YP\_005090198.1] [location=72122..72256] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATCTATCTGTGGCACCGGTAATAAGTACTCTATGGTTTGCGTCTTTAGCAGGTCTATTGATTGAGATCAATCGTTTTTTCCCGGATGCGTTGACATTCCCCTTTTTTTCATTCTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090199.1\_43 [gene=rpl33] [locus\_tag=RCOM\_ORF00066] [db\_xref=GeneID:11542340] [protein=ribosomal protein L33] [protein\_id=YP\_005090199.1] [location=72734..72934] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGTAAAGATGTCCGAGTAAGGGTTATTTTAGAATGTACTAGTTGTGTTCAAAACAGTGTTAATAAAAAATCAACAGGTATTTCCAGATATATTACTCAAAAGAATCGACATAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCCCTATTGTTACAAACATACAATTCACGGAGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090200.1\_44 [gene=rps18] [locus\_tag=RCOM\_ORF00067] [db\_xref=GeneID:11542341] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_005090200.1] [location=73180..73464] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCCAAACGGCCTTTTCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTCGTTACCTTTTCTTAATAATGAAAAACAATTTGAAAAAAAGCGAGCTGGTCACTATAACTACTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090201.1\_45 [gene=rpl20] [locus\_tag=RCOM\_ORF00068] [db\_xref=GeneID:11542342] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_005090201.1] [location=complement(73797..74150)] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGGAGGCGTAGAACAAAAATTCGTTTATTCGCATCAAGCTTTCGCGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAACTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGGCTTTGGCCCATCGGGATAGAGATAGGCAAAAAAGAAATTTTCGTCGTTTGTGGGTCACTCGGATAAATGCAGTAATTCGTGAGAATAGGGTATCCTATAGTTATAGTATATTAATAAATAATCTGTACAAGAGACAGTTGCTTCTTAATCGTAAAATACTTGCACAAATAGCTATATTAAATAGGAATTGCCTTTATATGATTTCCAATGACATTATCAAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090202.1\_46 [gene=rps12] [locus\_tag=RCOM\_ORF00001b] [db\_xref=GeneID:11542343] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_005090202.1] [location=join(complement(74989..75099),147790..148032)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATATCACCAAATCCCCCGCTCTCGGGGGATGTCCTCAGCGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTCACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGGACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCGTTGTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090203.1\_47 [gene=clpP] [locus\_tag=RCOM\_ORF00069] [db\_xref=GeneID:11542344] [protein=ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit] [protein\_id=YP\_005090203.1] [location=complement(join(75314..75541,76193..76483,77380..77448))] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTCCCTTTTCGAAATCCTGGGGAAGACGATTCCATTTGGATTGACGTAAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGATGTTGATAGCGAGATCTCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAGAGCGAGACTAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCTGGGGGATGGGTAATACCCGGAATAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCAGATGTACAAACAGTATGCATGGGATTAGCTGCTTCAATGGCATCTTTTATCCTAGTTGGAGGAAAAATTACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCTAGGGTAATGATTCATCAACCTATTGCTGGTTTTTATGAGGCCCAAATAGGAGAATTTGTCCTGGAAGCAGAAGAACTACTGAAACTGCGCGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGAAAACCTTTATGGGTTGTATCCGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAGCAGAAGCCCAAGCTCATGGAATTGTTGATCTTGTAGCAGTTGCATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090204.1\_48 [gene=psbB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00070] [db\_xref=GeneID:11542345] [protein=photosystem II 47 kDa protein] [protein\_id=YP\_005090204.1] [location=77996..79522] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTAAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCTTTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCGATGGCTCTTTATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCAATGTGGAGACAAGGTATGTTCGTTATACCCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGTGGTTGGAGTATCACAGGAGGAACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGCGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCTGGCTTGTGCTTCTTGGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGCGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTTGCCAAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGGTGGCTTGCTTTGGGTTTGGCGCTTTTCATGTAACCGGGTTGTATGGTCCTGGAATATGGGTGTCCGATCCTTATGGACTAACTGGAAAGGTACAACCCGTAAGTCCAGCATGGGGTGTGGAAGGGTTTGATCCTTTTGTTCCGGGAGGAATAGCCTCTCATCATATTGCAGCGGGTACATTGGGTATATTAGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTGCGTCCACCCCAACGTTTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACTGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCTGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACTCCGATTGAATTATTTGGTCCCACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAGCAAGAAATATATCGAAGAGTTAGTGCTGGGCTGGCCGAAAATCAAAGTTTATCTGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAGCTTTTTATGATTATATCGGCAATAATCCGGCAAAAGGTGGATTGTTCAGAGCAGGCTCAATGGACAATGGAGATGGAATAGCTGTTGGGTGGTTAGGACATCCTATCTTTAGAGATAAAGAAGGGCGTGAGCTTTTTGTACGTCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCAGTTGTTTTGGTAGACGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCAGAGTCAAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACCATTGAGTTCTATGGTGGCGAACTAAATGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGCGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGCGCTACTTTGAAATCCGATGGTGTTTTTCGTAGCAGTCCAAGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTCGCTCTGCTCTTTTTTTTCGGACACATTTGGCATGGTGCTCGAACTTTGTTCAGAGATGTTTTTGCTGGCATTGATCCAGATTTAGACGTTCAAGTGGAATTTGGAGCATTCCAAAAAATTGGAGATCCGACTACAAGAAGACAGGTAGTCTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090205.1\_49 [gene=psbT] [locus\_tag=RCOM\_ORF00071] [db\_xref=GeneID:11542346] [protein=photosystem II protein T] [protein\_id=YP\_005090205.1] [location=79708..79815] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTCTCAACTTTAGGAATCATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGCGAACCACCTAAAGTTCCAACTAAAAAGATAAAATGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090206.1\_50 [gene=psbN] [locus\_tag=RCOM\_ORF00072] [db\_xref=GeneID:11542347] [protein=photosystem II protein N] [protein\_id=YP\_005090206.1] [location=complement(79876..80007)] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACCCTAGTCGCCATCTTTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCTCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090207.1\_51 [gene=psbH] [locus\_tag=RCOM\_ORF00073] [db\_xref=GeneID:11542348] [protein=photosystem II protein H] [protein\_id=YP\_005090207.1] [location=80116..80337] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGCGTAGAGGGTAGTTCTAGATCTGGTCCAAGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTAGCTCCTGGATGGGGAACTACTCCTTTGATGGGTGTCGCAATGGCTCTATTTGCGGTATTCCTATCTATTATTTTGGAGATTTATAATTCTTCCGTTTTACTAGACGGAATCTCAATGAATTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090208.1\_52 [gene=petB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00074] [db\_xref=GeneID:11542349] [protein=cytochrome b6] [protein\_id=YP\_005090208.1] [location=81211..81897] [gbkey=CDS]

ATACGGTTCTCGGAGGGGGAGGCCCTCTGGTTTACCTATCTCAATAAAGTTTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCGATTGCAGATGATATAACTAGTAAATATGTTCCTCCCCACGTCAACATATTTTATTGTTTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGGCTTTTGCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAAGCTAACTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCATCGATGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTGTATCTCACTGGTGGCTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGTGTGGTTCTTGCTGTATTGACCGCATCTTTTGGCGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTAAAAATTGTAACAGGCGTGCCAGAAGCTATTCCTGTAATAGGATCGCCTTTGGTAGAGTTATTACGTGGAAGTGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTTCCAATGATACGTAAGCAAGGTATTTCAGGCCCTTTATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090209.1\_53 [gene=petD] [locus\_tag=RCOM\_ORF00075] [db\_xref=GeneID:11542350] [protein=cytochrome b6/f complex subunit IV] [protein\_id=YP\_005090209.1] [location=82868..83392] [gbkey=CDS]

ATGTCCGGTTCCTTCGGAGGATGGATTTATAAGAATTCACCTATCCCAATAACAAAAAAACCTGACTTGAATGATCCTGTATTAAGGGCTAAATTGGCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTACGGAGAACCCGCATGGCCCAATGATCTTTTATATATTTTTCCGGTAGTAATTCTAGGTACTATTGCATGTAATGTAGGATTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCTGCGGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCTGAATGGTATTTCTTTCCTGTATTTCAAATACTTCGTACAGTACCCAATAAGTTATTGGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCTGCAGGATTATTAACAGTACCCTTTTTGGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGTCCAGTTGCGACAACCGTCTTTTTGGTTGGTACTGCAGTAGCCCTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTGCCTATTGATAAATCCCTAACTTTAGGTCTTTTTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090210.1\_54 [gene=rpoA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00076] [db\_xref=GeneID:11542351] [protein=RNA polymerase alpha subunit] [protein\_id=YP\_005090210.1] [location=complement(83515..84513)] [gbkey=CDS]

ATGATTCGAGAGAAAGTAACAATATCTACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTGTTGAATCAAGAACTGACAATAAGCGTCTTTTTTATGGACGCTTTATTCTGTCACCACTTATGAAAGGCCAAGCCGACACAATAGGCATTGCGACGCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATCGAAGGAACATGTATCACACGTGCAAAATCTGAGAAAATACCACACGAATTTTCGACTATAGCAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTAATGAATTTGAAAGAAATTGTATTGAGAAGCAATTTGTATGGAACTTGTGACGCGTCTATTTGTGTCAAGGGTCCTGGATATATAACTGCTCAAGACATCATTTTACCACCTTTTGTAGAAATCATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAACGGAACCAATTGATTTGTGTATTGGATTACAAATCGAGAGAAATCGCGGCTATCGTATAAAACCGACAAATAACTTTCACGAGGGAAGTTATCCTATAGATGCTGTATTTATGCCTGTTCGAAATGCGAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGGAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAATGGGAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCATGAAGCCTCCCGGAATTTGATTGATTTATTTATTCCTTTTCTACATGCAGAAGAAGAAAACTTCCATTTAGAAAAAAATCAACACAAGGTTACTTTACCTCTTTTTACCTTTTATGATAGATTGACTAAATTAAGAAAAAATCAAAACGAAATAACATTAAAATACGTTTTTATTGACCAATCAGAATTGACTCCTAAGATCTATAATTGCCTCAAAAGATCCAATATACATACATTATCGGACCTTTTGAATAAGAGTCAAGAAGATCTTATGAAAATTGAACATTTTCGTATAGACGATGTAAAACATATATTGGGTATTCTAGAAATAGAAAAAAATTTCGCAATTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090211.1\_55 [gene=rps11] [locus\_tag=RCOM\_ORF00077] [db\_xref=GeneID:11542352] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_005090211.1] [location=complement(84579..84995)] [gbkey=CDS]

ATGGCAAAACCTTTACCAAGAATTGGTTCACGCAGGAATGGACGTATTGGTTCACGTAAGAGTGCGCATAAAATACCAAAAGGAGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTCAACAATACTATTGTGACCGTTACAGATGTACGGGGTCGAGTGATTTCTTGGTCCTCCGCCGGCACTTGTGGATTCAGGGGCACAAGAAGAGGAACGCCATTTGCAGCTCAAACCGCAGCAGGAAATGCTATTCGAACAGTAGTGGATCAAGGTATGCAACGGGCAGAAGTCATGATAAAAGGTCCTGGTCTCGGGCGAGATGCAGCATTAAGAGCTATTCGCAGAAGTGGTATATTATTAAGCTTCGTCCGGGATGTAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCAGGCCCCCTAAAAAAAGGCGTGTGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090212.1\_56 [gene=rpl36] [locus\_tag=RCOM\_ORF00078] [db\_xref=GeneID:11542354] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_005090212.1] [location=complement(85129..85242)] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCTGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGTCGACTGATACGTAGACGGGGGCGAATTATAGTAATTTGCTTTAACCCGAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090213.1\_57 [gene=rps8] [locus\_tag=RCOM\_ORF00079] [db\_xref=GeneID:11542355] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_005090213.1] [location=complement(85739..86143)] [gbkey=CDS]

ATGGGCAGGGATCCTATTGCTGAGATAATAACCTCTATACGAAATGCTGACATGAATAGAAAAGGAACCGTTCGAATAGCATTCACTAACATCACTGAAAACATTATTAAAATACTTTTACGAGAAGGTTTTATTGAAAATGTCAGGAAACACCAGGAAGGCAACAAAAAATTTTTGGTTTTAACCCTACGACATAGAAGGAAGAGGAAGGGACCCTATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGGATTAGCCGACCTGGTCTACGAATCTATTCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGTATTGTAATTCTTTCTACTTCTCGGGGTATAATGACCGACCGAGAAGCTCGACTAGAAAGAATCGGTGGAGAAATCTTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090214.1\_58 [gene=rpl14] [locus\_tag=RCOM\_ORF00080] [db\_xref=GeneID:11542356] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_005090214.1] [location=complement(86413..86781)] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAGACCCATTTGAATGTAGCAGATAACAGCGGAGCCCGAGAATTAATGTGTATTCGAATCATAGGGACTAGTAATCGCCGATATGCTCATATTGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCGGCACCAAATTCACCTCTAGAAAGATCAGAAGTAATCAGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTCAAACGTGATAACGGTATGATAATACGATATGATGACAATGCTGCAGTTGTCATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAGGGAACTCGAATTTTTGGTGCAATCGCCCGAGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCGCCTGAAGTATTATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090215.1\_59 [gene=rpl16] [locus\_tag=RCOM\_ORF00081] [db\_xref=GeneID:11542357] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_005090215.1] [location=complement(86916..87275)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGAATAGCTTTTCGAGGTAATCGTATTTGTTTCGGCAAATATGCTCTTCAGGCACTTGAACCCGCTTGGATTACATCTAGACAAATAGAAGCGGGACGACGGGCAATGACACGAAATGCACGCCGCGGTGGAAAAATATGGGTACGCATATTTCCCGACAAACCAGTTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGATCTCCTGAATATTGGGTGGCTGTCGTTAAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGAGTGGAGTAGCAGAAAATATAGCAAGAAGGGCTATTTCAATAGCAGCATCAAAAATGCCTATACGAACTCAATTCATTATTTCGGGATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090216.1\_60 [gene=rps3] [locus\_tag=RCOM\_ORF00082] [db\_xref=GeneID:11542358] [protein=ribosomal protein S3] [protein\_id=YP\_005090216.1] [location=complement(88530..89186)] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTAGGTTTCCGACTTGGTACAACCCAAAGTCATTATTCTCTTTGGTTTGCTCAACCAAAAAATTACTCTGAGGGTCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAGAATTATGTAAAAAACAATACAAAAATATCTTCTGGTGTTGAGGGAATTGCATGTATAGAGATTCAAAAAAGAATTGATGTGATTCAAGTAATAATATATATGGGATTCACAAAATTATTAATAGAAAGTAAACCTAAACGAATCGAGAAATTACAGATAAATGTACAAAAAGAACTAAATTGTGTGAACCGAAAACTCAATATTGCTATTACAAGAATTTCAAACCCTTATGGGCACCCTAATATTCTTGCAGAATTTATAGCCGGACAATTAAAGAATAGAGTTTCATTTCGCAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACTGAACAGGCGGATACAAAAGGAATTCAAGTACAAATTGCGGGGCGTCTTGACGGAAAAGAAATTGCACGCGTCGAGTGGATTAGAGAGGGTAGGGTTCCTCTACAAACCATTCGGGCTAAAATTGATTATTGTTCATATACAGTTAGAACCATTTATGGGGTATTAGGCATAAAAATTTGGACATTTCTAGACAAAAAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090217.1\_61 [gene=rpl22] [locus\_tag=RCOM\_ORF00083] [db\_xref=GeneID:11542359] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_005090217.1] [location=complement(89196..89678)] [gbkey=CDS]

ATGATAAATAAAAGAAAGAAAAAGAGAGATCCATATACGGAAGTATATGCTTTAGGCCAACATATATGTATGTCCACTCACAAAGCACGAAGAATAATTGATCAGATTCGTGGACGTTCTTATGAAGAAACACTTATGATACTCGAGCTTATGCCTTATCGAGCATGTTATCCCATTTTAAAATTAATTTATTCTGCAGCAGCAAACGCTCGCCACAATATGGGTTTCAACGAAGCCAATTTAATCATTAGTAAAGCCGAAGTCAACGAAGGTGCTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGGCGGGGTTATCTGATAAAAAGATCGACCTGTCATATAACTATTGTATTAAAAAATATATCTTTATATGAAGAATATGAAGAATATGAAGAATATAACATATGCTTAAAAAACCGGGGGTGGATAAAAAAAACGAAATCCACAGATGCGACATTTCATGATATGTATAGTAAGTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090218.1\_62 [gene=rps19] [locus\_tag=RCOM\_ORF00084] [db\_xref=GeneID:11542360] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_005090218.1] [location=complement(90146..90424)] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCGTATGGTGGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTCTAAATTTCCGGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090219.1\_63 [gene=rpl2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00085] [db\_xref=GeneID:11542361] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_005090219.1] [location=complement(join(90498..90968,91598..91999))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAACGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGGAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACATTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090220.1\_64 [gene=rpl23] [locus\_tag=RCOM\_ORF00086] [db\_xref=GeneID:11542362] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_005090220.1] [location=complement(92018..92299)] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACTCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090221.1\_65 [gene=ycf2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00088] [db\_xref=GeneID:11542364] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_005090221.1] [location=92627..99487] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCCGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCTAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTTGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATATCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTCGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATTCGCACGAATCGGATTTTTTTAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGTAAGGCACGGAATATGTCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTTCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCACCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCGCGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCGGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTTGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCCAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAACCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGCCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATTCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCCACTCTGCAATCAGCTGTTAGAATCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTTTTTCTCAATGATATCCCAGGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTTATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGGTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCATAGAGCGATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAGCGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCGACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACGTCGACAGGGTACAAATTTCTAAATTTGCTATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTTCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAGTGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGGACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCAAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGAAAAAGAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCAATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGACGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCTTGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAAGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGAAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGCTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATAATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAGCCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCCTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCAGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCCTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACGGATCCTCCTACATCTATATATAAATGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCGAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090222.1\_66 [gene=ndhB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00090] [db\_xref=GeneID:11542366] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_005090222.1] [location=complement(join(101168..101923,102606..103382))] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAATCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGGGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAATTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCAATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090223.1\_67 [gene=rps7] [locus\_tag=RCOM\_ORF00091] [db\_xref=GeneID:11542367] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_005090223.1] [location=complement(103705..104172)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAACCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCGTTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090224.1\_68 [gene=ycf1] [locus\_tag=RCOM\_ORF00101] [db\_xref=GeneID:11542377] [protein=hypothetical chloroplast RF1] [protein\_id=YP\_005090224.1] [location=115822..117018] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTTGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGGCCCTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGAGCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAACAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGCGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAAGTGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAACAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCGGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAACGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGAAAAAAAAAAGAAAAATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCGAAACGTTGGAATCGTCCATTACGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGGAATGCTATATAAATGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090225.1\_69 [gene=ndhF] [locus\_tag=RCOM\_ORF00102] [db\_xref=GeneID:11542378] [protein=NADH dehydrogenase subunit 5] [protein\_id=YP\_005090225.1] [location=complement(117322..119571)] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATACCTTTTGTTACATTCCCAGCTCCTATGTTAATAGGAGCGGGACTCCTACTTTTTCCGGCGGCAACAAAAAAACTTCGTCGTATGTGGGCTTTTCCAAGCCTTTTCTTGTTAAGTATAGTCATGATTTTTTCAATCGACTTGTCTATTCACCAAATAAATAGCAGTTTTATTTATCAATATATATGGTCGTGGACTATCAATAATGATTTTTCTTTAGAATTCGGACACTTGATTGACCCACTTACTTCTATTTTGTCAGTATTAATTACTACAGTTGGAATTATGGTTCTTTTTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGCTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCAATACTTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTCTAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAGTTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGGGTTTTGGTTCACACGACCTATTGCATCGAATGCTTGTCAAAAAGCCTTTGTAACTAATCGTGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTGGGAATTTTGGGCATTTATTGGATAACGGGCAGTTTCGAATTTCGGGATTTGTTCAAAATATTGAATAACTTGATTTCTAATAATCAGGTTCATTTTTTATTTGTTACTTTGTGTGCCTTTCTAGTATTTTCTGGCGCAATTGCTAAATCGGCGCAATTTCCTCTCCATGTATGGTTACCGGATGCCATGGAAGGGCCTACTCCTATTTCGGCTCTAATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCAGGAATTTTTCTTGTAGCTCGACTTTTTCCTCTTTTTGTAGTCATACCTTACATAATGAATCTAATAGCTTTGATAGGTATAATAACAGTATTTTTAGGAGCTACTTTAGCTCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTAGGTTATATGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGAGTCGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAAGCATTATTGTTTTTAGGATCTGGATCCATTATTCATTCAATGGAAGCTATTGTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGATTCTTATGGGTGGTTTAACAAAACATATTCCAATTACAAAAACTGCTTTTTTTTTAGGAACACTTTCTCTTTGTGGTATTCCACCCTTCGCCTGTTTTTGGTCCAAAGATGAAATTCTTAACGATAGTTGGTTGTATTCACCGGTTTTCGCAATAATAGCTTGTTTCACGGCCGGATTAACTGCATTTTATATGTTTCGGGTTTATTTACTTACTTTTGAAGGACATTTAAATGTTCATTTAAAAAATTACAGTGGTAAAAAAAACAGTTCATTTTATTCAATATCTTTATGGGGTAAAGAAGGATCAAAAATGCTTAACGAAAGTTTGGGTTTATTACCTTTCTTAACAACGAATAATAACGAAAGGGCTTCTTTTTTTTGGAAGAACACATATCAAATTGATGGTAATGTAAGAAAGATGATGTGGCCTTTTATTACTATTAAAAATTTTAACACTAAAAGGATTTTTGCCTATCCTCATGAATCGGATAATACTATGTTATTTCCTATGCTTGTCTTGGTACTATTTGCTTTGTTTATTGGAGCCATAGGAATTCCTTTCAATCAAATTCCTTTCAATCAAAAAGGAATGGAGGTGGATATATTGTCAAAACTGTTAACTCCGTCTTTAAACCTTTTGCATCAAAATTCAAAGAATTCTGTGGATTGGTATGAATTTGTAACAAATGCAATTTTTTCAGTCAGTATAGCTTTTTTCGGAATATTTATAGCGTCCTCTTTATATAAGCCTGTTTATTCATCGTTACAAAATTTGAATTTCTTGAATTCGCTCGCTAAAAAAGGTTCTAAGAGAATTCTTTGGGACAAAATAATAAACGTCATATATAACTGGTCCTATAATCGAGGTTACATAGATGCTTTTTATGAAATATCTTTTATTGGAGGTATAAGAAAATTAGCTGAATTAATTCATTTTTTTGATAAACGAATAATTGATGGAATTACCAATGGAGTTGGTGTTACCAGTTTCTTTGTAGGAGAGGGTATAAAATATGTAGGAAGCGGTCGCATCTCTTCTTATCTCTTATTATATTTATTTTATGCATTAATCTTTTTATTAATTTATTCTTTTTACAATTTGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090226.1\_70 [gene=rpl32] [locus\_tag=RCOM\_ORF00103] [db\_xref=GeneID:11542379] [protein=ribosomal protein L32] [protein\_id=YP\_005090226.1] [location=120596..120769] [gbkey=CDS]

ATGGCAGTTCCAAAAAAGCGCACTTCTAGATCAAAAAAGCGTATTCGAAAAAATATTTGGAAAAAAAAGGGATATTGGGCAGTATTGAAAGCTTTTTCATTAGCGAAATCTCTTTCTACAGGTAATTCAAAAAGTTTTTTTGTGCAACAAATAAAAAATAAAAGGTTGGAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090227.1\_71 [gene=ccsA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00105] [db\_xref=GeneID:11542381] [protein=cytochrome c biogenesis protein] [protein\_id=YP\_005090227.1] [location=121903..122883] [gbkey=CDS]

ATGATATTTTCAACTTTAGAACATATATTAACTCATATATCTTTTTCAGTCGTGTCACTTGTAATTACAATTCATTTGATAACTTTAGTAGTCGATGAATTCGTTGAACTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGATAACCACTTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTTCTGGGGGACATTTACCATTAAGCGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCATGGGCTTTTTCCATTATTCATATGGTTCCGTATTTTAAAAAACATAAAAATTATTTAAGCGCAATAACCGCCCCAAGTACTTTTTTTACCCAAGGGTTTGCTACTTCAGGCCTTTTAACTAACACGCATCAATCCAAAATCTTAGTGCCTGCTCTCCAATCCCAGTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATATTGGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTATCAGTAGCATTTCTAGTAATCACATTTCGAAAAATCATAAGAATTGTTGATGTTGATAAAAGCAATAATTTATTAAATGATTCATTTTCCTTTAGCTTTAGTGGGATACAATATATGATGGAAAGAAAGAATGTTTTAAAAAATATTTCTTTTCTTTCTTCTAGGAATTATTACAGGTTTCAATTGATTCAACAATTAGATGACTGGGGTTATCGTATTATAAGTATAGGGTTTATCTTTTTAACCATAGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCATGGGGATCATATTGGAATTGGGACCCCAAGGAAACTTGGGCATTTATTACGTGGACCATATTCGCAATTTATTTTCATACTCGAACAAATAAAAATTTTGAGGGTTTAAATTCCGCAATTGTCGCTTCTATTGGTTTTCTTATAATTTGGATATGCTATTTTGGAGTTAATTTATTAGGAATAGGACTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACAATTAACATCTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090228.1\_72 [gene=ndhD] [locus\_tag=RCOM\_ORF00106] [db\_xref=GeneID:11542382] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4] [protein\_id=YP\_005090228.1] [location=complement(123195..124715)] [gbkey=CDS]

ATGTATCTTGCCTTTACCACGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAATATTTGTAGTTTTACCGATATCTGCGGGTTCCTTAATTTTCTTTTTCCCCCATAGAGGAAATAAGGTAATTAGGTGGTATACTTTGTTTATATGTATTTTAGAACTCCTTTTAATGACTTATGCGTTCTCTTATTATTTCCAATTGGACGACCCATTAATCCAATTAACAGAAGATTATAAATGGATCCAATTTTTTGATTTTTACTGGAGATTGGGAATAGATGGATTTTCTTTAAGCCCTATTTTACTGACAGGATTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGGCCAATTACTCGTGATTCCCGCTTATTTAATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTTCTCAAGATCTTTTGCTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCATTTATCTACTTCTATCCATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCCGGGGGTTCCGTTTTTTTATTAATGGGAGCTTTGGGTATCGCTTTATATGGTTCCAATGAACCAAGATTCAATTTTGAAACATCAGCCAATCAATCATATCCTGTGGCGCTAGAAATATTTTTTTATATTGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATTACCGATTATACCCTTACATATATGGTTACCAGACACCCATGGGGAAGCACATTACAGTACTTGTATGCTTCTAGCCGGAATCTTATTAAAAATGGGGGCGTATGGGTTGGTTCGAATCAATATGGAATTATTACCTCATGCTCATTCTATCTTTTCTCCCTGGTTGATAATAGTAGGCGTCATGCAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCTGGTCAACGAAATTTAAAAAAAAGAATAGCCTATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTTGCTCTATAAGTGATATGGGACTCAATGGAGCCATTTTACAAATAATATCACATGGGTTTATTGGCGCTGCACTTTTTTTCTTAGCAGGAACGGGTTATGATAGAATACGTCGTGTGTATCTTGATGAAATGGGCGGAATGGCTACACTAATGCCAAAAATATTCACGACATTCAGTATCTTATCACTAGCTTCCCTTGCATTACCAGGCATGAGCGGTTTTTTTGCGGAATTGGCAGTATTTTTTGGAATAATTACCGGCCAAAAATATCTTTTAATGTCAAAAATAGTAATTACTTTTGGAATGGCAGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTTTTATGGATACAAGCTGTTTAATGCTCCAAACTCTTATTTTTTTGATTCTGGACCGAGGGAGTTATTTGTTTCGATCTCTATCCTTCTGCCTGTAATAGGTATTGGTATTTATCCGGATTTCCTTTTTTCATTATCAGTTGACAGGGTCGAAGCTCTTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090229.1\_73 [gene=psaC] [locus\_tag=RCOM\_ORF00107] [db\_xref=GeneID:11542383] [protein=photosystem I subunit VII] [protein\_id=YP\_005090229.1] [location=complement(124845..125090)] [gbkey=CDS]

ATGTCGCATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGGTGTAAATCTAAGCAAATCGCTTCTGCTCCAAGAACAGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAATCCGCCTGTCCAACTGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACCCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090230.1\_74 [gene=ndhE] [locus\_tag=RCOM\_ORF00108] [db\_xref=GeneID:11542384] [protein=NADH dehydrogenase subunit 4L] [protein\_id=YP\_005090230.1] [location=complement(125340..125645)] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTCGTTTTGAGTGCCTATTTATTTTCTATCGGTATCTATGGATTGATCACGAGTAGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGCCTTGAACTTATACTGAATGCAGTTAATATAAATTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCAATTAAAGGGAAATATTTTTTCAATTTTTGTTATAGCTATTGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACCAGCTATCGTTTCGTCAATTTATCGTAACAGAAAATCAATCCGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090231.1\_75 [gene=ndhG] [locus\_tag=RCOM\_ORF00109] [db\_xref=GeneID:11542385] [protein=NADH dehydrogenase subunit 6] [protein\_id=YP\_005090231.1] [location=complement(125895..126428)] [gbkey=CDS]

ATGGATTTGCCTGGACTAATACATGATTTTCTTTTATTTTTTATGGGATTAGGTCTTATATTAGGAGGTCTAGGAGTGGTATTACTTACCAACCCAATTTATTCTGCCTTTTCATTGGGATTGGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTCTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCTGCGCAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCCATAAACGTTTTAATTATATTTGCCGTGATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAACCGGAGTTACTTCCTTAATTTGTACAAGTATTTTTGTTTCACTAATTACTATTATTCCAGATACGTCATGGTACGGGATTATTTGGACTACAAAAACAAATCAGATTATAGAACAAGATTTAATAAGTAATGGTCAACAAATTGGAATTCATTTATCAACAGATTTTTTTCTTCCGTTCGAATTCATTTCAATAATTCTTTTAGTTGCTTTGATAGGTGCGATTGCTGCGGCTCGTCAGCAATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090232.1\_76 [gene=ndhI] [locus\_tag=RCOM\_ORF00110] [db\_xref=GeneID:11542386] [protein=NADH dehydrogenase subunit I] [protein\_id=YP\_005090232.1] [location=complement(126805..127317)] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCCATGGTAACTGGGTTCATGAATTATGGGCAACAAACCATACGAGTTGCACGGTATATTGGTCAAAGTTTCATGATTACCTTATCCCATGCAAATCGTTTACCTGTAACTATTCAATATCCTTATGAAAAATTAATCACATCGGAGCGTTTCCGCGGTCGAATCCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGGGTATGTCCTATAGATCTACCTGTTGTTGATTGGAAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTTAATTACAGTATTGATTTCGGAATCTGTATATTTTGTGGCAACTGTGTTGAGTATTGTCCAACAAATTGTTTATCAATGACTGAAGAATATGAACTTTCCACTTATGATCGTCACGAATTGAATTATAATCAAATTGCTTTAGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTCGACGATTATACAATTCGAACAATTTTGAATTCAACTAGAAACAAAAAAGATAACCCGCTTTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090233.1\_77 [gene=ndhA] [locus\_tag=RCOM\_ORF00111] [db\_xref=GeneID:11542387] [protein=NADH dehydrogenase subunit 1] [protein\_id=YP\_005090233.1] [location=complement(join(127416..127955,129120..129671))] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAGTACACGCTATCAATTCTTTTTCTAGATTAGAATCCTTAAACGAGGTCTATGGAATTATATGGGTGTTTGTCCCTATTTTGATTCTTGTATTGGGAATCACGACAGGCATACTGGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCTGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCTGAATATGCCGGTCCTTTAGGAATTCTTCAAGCTCTAGCGGATGGCACAAAACTACTTTTTAAAGAGAATCTTTTTCCCTCTAGGGGGGATACTCGTTTATTCAGTATCGGACCATCCATAGCAGTCATATCAACTCTATTAAGCTATTCAGTAATTCCTTTTGGCTATCACCTTGTTTTAACTGATCTAAATATTGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCCATTGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCAAATAATAAATATTCTTTTTTGGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCGATTAGTTATGAAATACCATTAACTCTTTGTGTGTTATCCATATCTCTATTATCTAACAGTTCAAGTACAGTTGATATAGTTGAGGCACAATCAAAATCGGGTTTTTTGGGGTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGATTTATCATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAATGTGAGAGATTACCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGTTATCAAACCGAATATTCAGGTATCAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGCGGTTGGAATATCTCTATTCCATATATATTCGTTCCTGAGCCTTTTGAAACAAATAAAATAGGTGGAGTTTTTGGAACAACAATCGGTATCTGTATTACATTGGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATCACAACAAGATGGACTTTACCTAGACTAAGAATGGACCAACTTTTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATTTCTCTCGGCAATCTCTTATTAACAACCTCTTTCCAACTCCTTTCGCTATAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090234.1\_78 [gene=ndhH] [locus\_tag=RCOM\_ORF00112] [db\_xref=GeneID:11542388] [protein=NADH dehydrogenase subunit 7] [protein\_id=YP\_005090234.1] [location=complement(129673..130848)] [gbkey=CDS]

ATGAATGTATCAGCTACACGAAAAGACCTTATGATAGTCAATATGGGTCCCCACCACCCATCAATGCATGGTGTTCTTCGACTCATCGTTACTCTAGACGGTGAAGATGTTATTGACTGCGAACCAATTTTAGGTTATTTACACAGAGGGATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGCTGGGATTATTTGGCTACTATGTTCACAGAAGCAATAACAGTAAATGGTCCAGAACTGTTAGGAAATATTCAAGTGCCTAAAAGAGCTAGCTATATCAGAGTAATTATGTTGGAATTGAGTCGTATAGCTTCTCATTTGTTATGGCTTGGTCCGTTTATGGCGGATATTGGTGCACAGACTCCTTTCTTTTATATTTTTAGAGAAAGAGAGTTAGTATATGATTTATTCGAAGCTGCCACCGGTATGAGAATGATGCATAATTATTTTCGTATCGGGGGAGTAGCGGCCGATCTACCTCATGGATGGATAGATAAATGTTTGGATTTTTGCGATTATTTTTTAACAGGAATTGCTGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAAGGAGTAGGTATTGTTGGTGCAGAGGAAGCAATAAATTGGGGTTTATCCGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAGTACAATGGGATCTTCGTCAAGTTGATCATTATGAGTGTTACGACGAATTTGATTGGGAAGTCCAGTGGCAAAAAGAAGGAGATTCATTAGCTCGTTATTTAGTCCGAATCGGTGAAATGATGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTGGAAGGAATCCCGGGGGGGCCCTATGAGAATTTAGAAACCCGACGTTTTGAAAGGGATCCAGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCATTAGTAAAAAAACTTCTCCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCCCCAAAAGGAGAATTGGGGATTTTTCTGATAGGGGATCAGAGTGGTTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGCCCGCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCCGAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCCGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090235.1\_79 [gene=rps15] [locus\_tag=RCOM\_ORF00113] [db\_xref=GeneID:11542389] [protein=ribosomal protein S15] [protein\_id=YP\_005090235.1] [location=complement(130947..131219)] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATTCATTCATTTCAGTTATTTCACAAGAAGAAAAAGACGAAAACAAAGGATCTGTTGAATTTCAAATAGTAAGTTTCACTAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGCATAGAAAAGACTATTTATCTCAGAGAGGTTTGCGGAAAATTCTAGGAAAACGGCAACGACTGCTGTCTTATTTAGCAAAGAAAAATAGAGTACGTTATAAAGAATTAATTAGCCGGTTGGATATTCGGGAGTCAAAAACTCGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090236.1\_80 [gene=ycf1] [locus\_tag=RCOM\_ORF00114] [db\_xref=GeneID:11542390] [protein=hypothetical chloroplast RF1] [protein\_id=YP\_005090236.1] [location=complement(131574..136991)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTTAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTTGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGGCCCTCTTATCTCTTCCTTCTCCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTCATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGAGCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAACAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGCGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAAGTGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAACAACTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGGATCCACCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCGGGACAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAACGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGAAAAAAAAAAGAAAAATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCGAAACGTTGGAATCGTCCATTACGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAATGAAATGTCACAATATTTTTTTTATACATGTCGAAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTCACGTATCCGCCCAGCTTGTCAACTTTTTTTGAAATGGTACAGAAAAAGATTTTTCTGTTCACAACAACAACAGAGAAACTCTCCTCTGATGAATTGTATAATCATTGGAATTATAAGAATGAACAAAAAAAGAAAAATCTAAGTAATGAATTTATAAACAGAGTCCAGGCTCTAGATAAGGGATATCTTGTTCTGAATACACTCGAAAAAAGGACTAGATTATGTAATGATAAAACGAAAAAAGAGTACTTACCAAAAATATATGATCCCTTATTGAGTGGGTCCTACCGTGGAAGAACAAAATTTTTTTTTTCACCCTCAACACTAAATATAAATAAAACTTCTATAAAAAATTCCACGGAGATGGTTTGGATAAATAAAATTCATCTTATTCTTCTTATTAGTAATTATATAGAATTTGAACCAAAAACAGATAGAAAATCATTTTCAACAGAAATTGCTTATTTCTTAAACTTAATTAATGAATTTGCCGGAAAATCGACATCAAGTTTCAATTTTAAGGGACTCCCTTTATTTCCAGATTACAAAGAAGAAAAAATGGATTTAGAACTCTTACAAATTCTAAAATTTGTATTTGATCCAGTTCTAGCGAATTCAAAAAATAAAACAATTAAAAATAATTCTCTTGGAATAAAAGAAATAAATAAACAAGTTCCTCATTGGTCATACAAATTAATTGACGATTTGGAACAACAAGAGGGAGAAAATGAAGAAAACATGGCGGAAGATTATGAAATTCGTTCACGAAAAGCCAAACGTGTAGTAATTTTTACCGATAATCAAGAAAATACAGCTACTTATAATAATACCAAAGATACGACAGATTTTGACCAAATAGACGAAGTTACTTTGATCCGTTATTCGCAACAATCAGACTTTCGTCGAGACATAATAAAAGGATCCACGCGAGCACAAAGACGCAAAATAGCTATTTTTGAACTGTTTCAAGCAAATGCGCATTCGCCCCTTTTTTTGGACAGAATAGACAAATCTCTTTTTTTTTCTTTTGATATTTTCGAACTGATAAAAACAATGTTTATAAATTGGATGTGTAAAAACGCAGAATTCACAATTTCAGATTATACTTATACAGAGAAAAAAACAAAAGAAAGTAAGAAAAAAGACGAGGACACAAGAGAAGACGACAAAAGAGAGGAAAGAACTCGGATAGAAATAGCTGAAGCCTGGGATAGCATTCTTTTTGCTCAAATAATAAGAGGTTGTATTTTAGTAACCCAATCGATTCTTAGAAAATATATTATATTACCTTTATTAATAATAGCTAAAAATTGCATTCGTATACTATTTTTTCAAATTCCCGAATGGTCGGAGGATTTAAAGGATTGGAGTAGAGAAATGCATATTAAATGCACTTATAATGGAGTTCAATTATCAGAAAAAGAATTTCCGAAAAACTGGTTAACAGACGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTCTAAAACCTTGGCACAGATCTAAGTTAAAATTCCCTCATAAAGATCCAATGAAAAAGAAAGTACAAAGAAATGATTTTTGTTTTTTAACAGTTTTGGGGATGGAGGCTGAACTGCCTTTTGGTTTTCCCCGAAAACGGCTTTCACTTTTTGAACCCATCTTTAAAAAACTTGAAAAAAAAATTATAAAAATGAAAAAAAAGGGTTTTCGAATTAGAAGAACTTTAGAAGAAAGAAGAAAATTATTTCTAAATTTATCAAAAGAAAAAGCAAACTGGGTCATCCAAAACTCTTTTTTTCGAAAAGACATAATAAACAAAATAAACAAATTTGAAAAATCAAAAAGAAACCGAATTCTATTATCTGGAGTTAAAGAAGTATATGAATTGAATGCAACTAAAAAAGAAAAAGATTCGCTAATCAATAAGAATAATCGGGCGAGTCAGAAAATGTCCACCTCAACGCGATCTATGGTTTGGACAAATTTTTCACTGACAGAAAAAAAAATGAAAGATCTTTCTGCTAGACGAAAGATAATCTTAAATCAAATAGAAAAAATTTCAAAAGAAAAGGAAAAAAAAATTATAACCTCGGAGATAAATATTAGTCCTAACAAAATAAGTTATAATGCTAAAACATTAAAATTAAAATCATCAAAAAATATTTCACAGATATTAAAAAGAAGAAATGCGCAATTAGCGCATAAATTCCATTTTTTTATAAAAATTTTGATTGAAAGGATATACATAGATATCTTTTTAGGTATCATTAATATTCCGAGGATCAATGCACAGCTTTTTCTTGAATCAACAAAAAAAATTGTTACTAAATACATTTACAATAATGAAGAAAATAAAAAAAAAATTGATAAAACAAACCAAAATACAATTCACTTTATTTCGATTATAAATATCAAAAAGTCACTTAATAATAGCAATATTGATGTTATTAATAAGAATTCACAGATTCTTTGCGACATATCCTCCTTGTCACAAGCATATGTATTTTACAAATTATCACAAATCAAAATTATTAACTTATATAAGTTAAGATCTATCCTTCAATATCATGGACTTTTTTTAAAGAATGAAATAAAGGATTATTTTAGAGTCCAAGGGCTATTTAATTTCGAATTAAAAGAAAAAAATGTTAGAAATTCTGTAATGAATCAATGGAAAAACTGGTTAAGGAGTCATTATCAATATAAATACGATTTATCTCAGATTAGATGGTCTAGATTAATACCACAAAAATGGCGAAATAGAATCAATCAATACCAACACCCTATGGTTCAAAACAAAAAATTAAACAAATGGAATTTATATGAAAAAGACAAATTAATTCATTACGAAAAAAAAAAGGATTTTGAGGCAGACTCATTACCGAATCAAAAAGATAATTTTAAAAAACACTATAAATATAATCTTTTATCATATAAATCTATTAATTATGAAAATAAGAAGGACTCATATATTTATGGATCACCATTACAAATAAATAATAAACAAAAGATTTCTTATAATTACAACACAAATAAAAGTAACTTTTTCGACATGTTAGAAGGTATTCCTATCAATAATTATCTAGCGGAAGATGATATTATCGATATGGCGAAAAGCCCAGATAGAAAATATTTTGATTGGAAAATTCTCAATTTTTGTCTTAGAGAGAAGGTCGAGATTGAATCCTGGATCGATACCGGAAGCGAACATAAAAAAAATACTAAGACTACTAAGTATCAAATAATTGAGAAAATGGATAAAAAAAAGATTTTTTTTATTACAATTCACCAAGATCAAGAAGTCAATTCATCCAATCAAAAAAAAGATATTGAAAAAGATTATATGGAATTAGATATGAAAAAACATAGACATAAAAAGAAAAACAAAAGTCATACGGAAGTAGAACTTGATTTCTTTCTAAAACGATATTTATATTTTCAATTAAGATGGAATGGTTCTTTAAATCAAAAAATAATCAATAATATCAAAGTATATTGTCTCCTGCTTAAACTGACAAATCCACGCGAAATTATTATATCTTCTATTCAAAGGCAAGAAATAAGTCTGAATATTTTGATGATTCAGAAGGATTTAACTCTTACAGAATTGATGAAAAAGAGAATATTTACTATCGAACCTATTCGTCTATCGGTAAAAAATAATGGACAATTTCTTTTGTATCAAACCATAAGTATCTTATTATTTCATAAGAACAAACAACAAATAAATCAACAATACAGAGATAAAATCGATTCTATTTCTATTGAAAGGCAGCAAGGTATAATTGGAAATAGAGACAAAAATGGTTATGATTTACTTGTTCCCGAAAATGTTTTATCCCCGAAACGTCGTAGAGAATTAAGAATTCTAATTTCTTTCAATTTAAAAAATAAAAACAATATTAATATTTATATAAATACCAAAATTTGCACTGGTAATAACAAAAAAAACTGTGGTCCCGTTTTTGATAAAAGCAAAGATTTTGATAAAGAGAAAAATAAACTAATTAAATTCAAATTTTTTCTTTGGCCCCATTTTCGATTAGAAGATTTAGCTTGTATGAATCGTTATTGGTTCGACACTAATAATTCCAGCCGGTTCGGTATGGTAAGGATATGTATCTATCCGCGGTTGAAATTTTGTAATGGTAAGGGTGCATTTTTCCTATATCCCATAGGATACTTGATCTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090237.1\_81 [gene=rps7] [locus\_tag=RCOM\_ORF00124] [db\_xref=GeneID:11542400] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_005090237.1] [location=148641..149108] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTACTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAACCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGACGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCGTTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090238.1\_82 [gene=ndhB] [locus\_tag=RCOM\_ORF00125] [db\_xref=GeneID:11542401] [protein=NADH dehydrogenase subunit 2] [protein\_id=YP\_005090238.1] [location=join(149431..150207,150890..151645)] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAATCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGGGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAATTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCAATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090239.1\_83 [gene=ycf2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00127] [db\_xref=GeneID:11542405] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_005090239.1] [location=complement(153326..160186)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCCGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGTGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCTAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTTGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACTAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCAAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTCTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATATCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCTCGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATTCGCACGAATCGGATTTTTTTAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGTAAGGCACGGAATATGTCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTTCACTAGAGATCAGAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCACCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCGCGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCGGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCTTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTTGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTACCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCCAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAACCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGCCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATTCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCCACTCTGCAATCAGCTGTTAGAATCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTTTTTCTCAATGATATCCCAGGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTTATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGGTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCGTATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCATAGAGCGATTTATTCGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCAATTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTGATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAGCGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCGACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACGTCGACAGGGTACAAATTTCTAAATTTGCTATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCATGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTCCTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTTCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTCTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAGTGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTGAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTAGTGATAGGTTCTATAGGGACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGTTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCGTGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCAAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGAAAAAGAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCAATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGACGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCTTGTAACGAAGGGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAAGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAGAAGTCCCTTAGATATGATGCAAAATGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGCTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATAATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAGCCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCCTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCAGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCCTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACGGATCCTCCTACATCTATATATAAATGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCGAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCCTATCTAACGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090240.1\_84 [gene=rpl23] [locus\_tag=RCOM\_ORF00129] [db\_xref=GeneID:11542409] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_005090240.1] [location=160514..160795] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACTCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090241.1\_85 [gene=rpl2] [locus\_tag=RCOM\_ORF00130] [db\_xref=GeneID:11542411] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_005090241.1] [location=join(160814..161215,161845..162315)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAACGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGGAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACATTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_016736.1\_cds\_YP\_005090242.1\_86 [gene=rps19] [locus\_tag=RCOM\_ORF00131] [db\_xref=GeneID:11542413] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_005090242.1] [location=162389..162667] [gbkey=CDS]

GTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAATGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCGTATGGTGGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTCTAAATTTCCGGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA

**6. *Vernicia fordii***

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371036.1\_1 [gene=rpl22] [locus\_tag=CCM79\_pgp001] [db\_xref=GeneID:32891969] [protein=ribosomal protein L22] [protein\_id=YP\_009371036.1] [location=128..592] [gbkey=CDS]

ATGATAAATAAAAGAAAGAGAAAGAGAGACCCATATACGGAAGTATATGCTTTAGGCCAACATATATGTATGTCCACTCACAAAGCACGACGAATAATTGATCAGATTCGTGGACGTTCTTACGAAGAAACCCTTATGATACTTGAACTCATGCCTTATCGAGCATGTTATCCCATTTTTAAATTGATTTATTCTGCAGCAGCAAACGCCAGTCACAATATGGGTTTCAACGAAGCCAATTTAATCATTAGTAAAGCCGAGGTCAACGAAGGGGCTACTGTGAAAAAATTAAAACCTCAGGCTCGAGGGCGGGGCTATCTGATAAAAAGAGCGACTTGTCATATAACTATTGTAGTAAAAGATACATCCTTATATGAAGAATATAACATATGCTTAAAAAACCCTAGATGGATAAAAAAAATGAAATCCACAGATATGAGATTTCATGATATGTATAGGAAGTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371037.1\_2 [gene=rps3] [locus\_tag=CCM79\_pgp002] [db\_xref=GeneID:32891840] [protein=ribosomal protein S3] [protein\_id=YP\_009371037.1] [location=602..1261] [gbkey=CDS]

ATGGGACAAAAAATAAATCCACTTGGTTTCAGACTTGGTACAACCCAAAATCACCACTCTCTTTGGTTTGCACAACCAAAAAATTACTCTGAAGGTCTACAAGAAGATCAAAAAATAAGAAACTGTATCAAAAATTATGTAAAAAAAAATACGAAAATATCTTCTGGTGTTGAGGGAATTGCACGTATAGAGATTCAAAAACGAATCGATGTGATTCAGGTCATAATATATATGGGATTCCCAAAATTATTAATAGAAAGTCGCCCTAAACGAATCGAAGAATTACAGATGAATGTACAAAAAGAACTTAATTTTGTGAACCGAAAACTCAATATTGCTATTACAAGAATTTCAAATCCTTATGGGCACCCTAATATTCTTGCAGAATTTATAGCCGGACAGTTAAAAAATAGGGTTTCATTTCGCAAAGCAATGAAAAAAGCTATTGAATTAACTGAACAGGCAGATACAAAAGGAATTCAAGTACAAATTGCGGGGCGCCTTGACGGAAAAGAAATTGCACGCGTCGAATGGATTAGAGAGGGTAGGGTTCCTCTACAAACCATTCGAGTTAAAATTGAGTATTGCTCGTATACTGTTAGAACTATTTATGGGGTATTGGGCATAAAAATTTGGACATTTTTAGACAAGAAAGAATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371038.1\_3 [gene=rpl16] [locus\_tag=CCM79\_pgp003] [db\_xref=GeneID:32891841] [protein=ribosomal protein L16] [protein\_id=YP\_009371038.1] [location=join(1429..1437,2328..2729)] [gbkey=CDS]

ATGCTTAGTAACCCCAAAAGAACCCGATTCCGTAAACAACATAGAGGACGAATGAAAGGAATAGCTTTTCGAGGTAATCGTATTTGTTTCGGCAGATATGCCCTTCAGGCACTTGAACCCGCCTGGATTACATCTAGACAAATAGAAGCGGGACGGCGAGCAATGACACGAAATGCACACCGCGGTGGAAAAATATGGGTACGTGTATTTCCCGACAAACCAGTTACTTTAAGACCTACGGAAACACGTATGGGTTCGGGGAAAGGATCTCCCGAATATTGGGTAGCTGTCGTTAAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGGGCGGAGTAGCCGAAAATATAGCGAGAAAAGCTATTTCAATAGGAGCATCCAAAATGCCTATACGAACTCAATTCATTATTTCGGGATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371039.1\_4 [gene=rpl14] [locus\_tag=CCM79\_pgp004] [db\_xref=GeneID:32891842] [protein=ribosomal protein L14] [protein\_id=YP\_009371039.1] [location=2865..3233] [gbkey=CDS]

ATGATCCAATCTCAGACCCATTTGAATGTAGCAGATAACAGCGGAGCCCGAGAATTGCTGTGTATTCGAATCATAGGAACTAGTAATCGACGATATGCTCATATTGGTGACGTTATTGTTGCTGTGATCAAGGAAGCAGCACCAAATTCACCTCTAGAAAGATCAGAAGTAATCAGGGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAAGAACTCAAACGTAATAACGGTATAATAATACGATATGATGACAATGCTGCAGTTGTCATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACTCGAATTTTTGGTGCAATCGCCCGGGAATTGAGACAGTTAAATTTTACTAAAATAGTTTCATTAGCACCTGAAGTATTATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371040.1\_5 [gene=rps8] [locus\_tag=CCM79\_pgp005] [db\_xref=GeneID:32891843] [protein=ribosomal protein S8] [protein\_id=YP\_009371040.1] [location=3530..3934] [gbkey=CDS]

ATGGGTAGGGATCCTATTGCTGACATAATAACCTCTATACGAAATGCTGACATGAATAGAAAAGGAACCGTTCGAATAGCATCTACTAATATCACCGAAAACATTATTAAAATACTTTTACGAGAAGGTTTTTTTGAAAATGTTAGAAAACATCAGGAAGGCAACAAAAATTTTTTGGTTTTAACCCTACGACATAGAAGGAGGAGGAAAGTACCATATAGAACTAGTCTAAATTTAAAACGGATCAGTCGACCGGGTCTACGAATCTATTCTAACTATCAAAAAATTCCTAGAATTTTGGGCGGGATGGGCATTGTAATTCTTTCCACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGACGCTCGACTAGAAAGAATCGGTGGAGAAATCCTGTGTTATATATGGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371041.1\_6 [gene=rpl36] [locus\_tag=CCM79\_pgp007] [db\_xref=GeneID:32891845] [protein=ribosomal protein L36] [protein\_id=YP\_009371041.1] [location=4389..4502] [gbkey=CDS]

ATGAAAATAAGAGCTTCCGTTCGTAAAATTTGTGAAAAATGTCGGCTGATACGTAGACGGGGACGAATTATAGTAATTTGCTTCAACCCGAGACATAAACAAAGACAAGGATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371042.1\_7 [gene=rps11] [locus\_tag=CCM79\_pgp008] [db\_xref=GeneID:32891846] [protein=ribosomal protein S11] [protein\_id=YP\_009371042.1] [location=4635..5051] [gbkey=CDS]

ATGACAAAACCTTTACCAAAAATGGGTTCACGCAGGAATGGACGTATTGGCTCACGCAAGAATGCACGTAAAATACCAAAAGGAGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTCAACAACACTATTGTGACCGTTACAGATGTACGGGGTCGAGTGATTTCTTGGTCCTCCGCCGGCACTTGTGGATTCGGGGGCACAAGAAGAGGAACGCCATTTGCTGCTCAAACTGCAGCGGGCAATGCTATTCGGACAGTAGTGGATCAAGGTATGCAACGAGCAGAAGTCATGATAAAGGGCCCTGGTCTTGGACGAGATGCGGCATTACGAGCTATTCGCAGAAGTGGTATACTATTAAGTTTCGTCCGTGATGTAACCCCTATGCCACATAATGGCTGCAGGCCCCCTAAAAAAAGGCGTGTGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371043.1\_8 [gene=rpoA] [locus\_tag=CCM79\_pgp009] [db\_xref=GeneID:32891847] [protein=RpoA] [protein\_id=YP\_009371043.1] [location=5119..6138] [gbkey=CDS]

ATGGTTCGGGAGAAAGTAACGATATCGACTCGGACACTGCAGTGGAAATGTGTTGAATCACGAACCGACAATAAACGTCTTTATTATGGACGCTTTATTCTATCTCCACTTATGAAAGGCCAAGCCGACTCAATAGGCATTGCGATGCGAAGAGCTTTGCTTGGAGAAATAGAAGGAACATGTATTACACGCGCAAAATCTGAGAAAATACCACACGAATTTTCTACTATAGCAGGTATTCAAGAATCAATACATGAAATTTTAATGAATTTGAAAGATATTGTATTGAGAAGCAATTTGTATGGAACTTGCGACGCGTCTATTTGTGTCAAGGGTCCTGGATATGTAACTGCCCAAGACATCATCTTACCGCCTTTTGTGGAAATCATTGATAATACACAGCATATCGCTAGCCTAGCGGAACCAATTGATTTGTGTATTGGATTACAAATCGAGAGGAATCGGGGCTATCGTATAAAACCGACAAATAACTTTCAAAACGGACGTTATCCTATAGATGCTGTATTCATGCCTGTTCGAAATGCGAATCATAGTGTTCATTCTTATGGAAATGGGAATGAAAAGCAAGAGATACTTTTTCTCGAAATATGGACAAATGGAAGTTTAACTCCTAAAGAAGCACTTCATGAAGCCTCCCGGAATTTGATCGATTTATTTATTCCCTTTCTACATGCAGAAGAAGAAAACTTACATTTAGAAAAAAATCAACACAAGATTACTTTACCCCTTTTTACTTTTCATGATAGATTGACTAAATTAAGAAAAAATAAAAAAGAAATAGCATTAAAATACATTTTTATTGACCAATTAGAATTGACTCCTAAGATCTATAATTGCCTCAAAAGGTCCAATATACATACATTATCAGACCTTTTGAATAAGAGTCAAGAAGATCTTATGAAAATGGAACATTTTCGCATAGACGACGTAAAAAATATATTGGGTATTCTAGAAATAGAAAAACATTTCGCAATTGCTTTACCAAAGAATAAAATATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371044.1\_9 [gene=petD] [locus\_tag=CCM79\_pgp010] [db\_xref=GeneID:32891848] [protein=PetD] [protein\_id=YP\_009371044.1] [location=complement(join(6318..6825,7674..7681))] [gbkey=CDS]

ATGGGAGTAACAAAAAAACCCGACTTAAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGTCTAAGGGAATGGGTCATAATTATTACGGAGAACCCGCATGGCCCAATGATCTTTTATATATTTTTCCAGTAGTAATTCTAGGTACTATTGCATGTAATGTAGGATTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCCGCGGATCCATTCGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCTGAGTGGTATTTCTTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTACCCAATAAGCTTTTGGGTGTTCTTTTAATGGTTTCAGTACCCGCAGGATTATTAACAGTGCCTTTTTTGGAGAATGTTAATAAATTCCAAAATCCATTTCGTCGTCCAGTTGCGACAACCGTCTTTTTGATTGGTACTGCAGTAGCCCTTTGGTTAGGTATTGGAGCAACATTACCTATTGATAAATCCCTAACTTTAGGTCTTTTTCAATTTCCATTCAATTTCAAATTGATTCAATTGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371045.1\_10 [gene=petB] [locus\_tag=CCM79\_pgp011] [db\_xref=GeneID:32891849] [protein=PetB] [protein\_id=YP\_009371045.1] [location=complement(join(7869..8510,9307..9312))] [gbkey=CDS]

ATGAGTAAAGTTTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTCGAGATTCAGGCGATTGCAGATGATATAACTAGTAAATATGTTCCTCCCCATGTCAACATATTTTATTGTTTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTATTACCGTCCGACCGTTACCGAGGCTTTTGCTTCTGTTCAATACATAATGACTGAAGCTAACTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCACCGGTGGTCGGCAAGTATGATGGTTTTAATGATGATCCTGCACGTATTTCGTGTGTATCTCACTGGTGGCTTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGCGTGGTTCTTGCTGTATTGACCGCATCTTTTGGTGTAACTGGGTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTAAAAATTGTAACAGGCGTGCCGGAAGCTATTCCTGTAATAGGGTCACCTTTGGTAGAGTTATTACGTGGAAGTGCTAGTGTAGGACAATCCACTTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTGCTGTATTTATGTTAATGCACTTTCCAATGATACGTAAGCAAGGTATTTCAGGCCCTTTATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371046.1\_11 [gene=psbH] [locus\_tag=CCM79\_pgp012] [db\_xref=GeneID:32891850] [protein=PsbH] [protein\_id=YP\_009371046.1] [location=complement(9437..9658)] [gbkey=CDS]

ATGGCTACACAAAGCGTAGAGGGTAGTTCTAGATCTGGTCCAAGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTAGCTCCTGGATGGGGAACCACTCCTTTGATGGGTGTTGCAATGGCTCTATTTGCGGTATTTCTATCTATTATTTTGGAGATTTATAATTCTTCCGTTTTACTAGATGGAATTTCAATGAATTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371047.1\_12 [gene=psbN] [locus\_tag=CCM79\_pgp013] [db\_xref=GeneID:32891851] [protein=PsbN] [protein\_id=YP\_009371047.1] [location=9762..9893] [gbkey=CDS]

ATGGAAACAGCAACTCTAGTCGCCATCTCTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGGCAACCCTCTCAACAACTAAGAGATCCATTCGAGGAACACGGGGACTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371048.1\_13 [gene=psbT] [locus\_tag=CCM79\_pgp014] [db\_xref=GeneID:32891852] [protein=PsbT] [protein\_id=YP\_009371048.1] [location=complement(9960..10067)] [gbkey=CDS]

ATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTTTTAGTCTCAACTTTAGGAATCATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGAGAACCGCCTAAAGTTCCAACTAAAAAGGTAAAATGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371049.1\_14 [gene=psbB] [locus\_tag=CCM79\_pgp015] [db\_xref=GeneID:32891853] [protein=PsbB] [protein\_id=YP\_009371049.1] [location=complement(10236..11762)] [gbkey=CDS]

ATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTCGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTGTCTGTCCATATAATGCATACAGCCTTGGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCGATGGCTCTATATGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGACCCCGTTCTCGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTCGTTATACCCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCGTGGGGTGGCTGGAGTATCACAGGAGGAACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTATGAAGGCGTGGCTGGGGCGCATATTGTGTTTTCCGGCTTGTGCTTCTTGGCAGCTATTTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGCGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTTGCCCAAGATCTTTGGAATTCATTTATTTCTTTCAGGGGTGGCTTGCTTCGGGTTTGGTGCTTTTCATGTAACCGGATTGTATGGTCCTGGAATATGGGTGTCCGATCCTTATGGACTAACTGGAAAGGTACAACCAGTAAGTCCAGCATGGGGTGTGGAAGGTTTTGATCCTTTTGTTCCGGGAGGAATAGCCTCTCATCATATTGCAGCGGGGACATTGGGCATATTGGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTCCGGCCGCCCCAACGTTTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACTGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTCTTTTTTGCAGCTTTTGTTGTTGCGGGAACTATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAATTATTTGGGCCTACTCGTTATCAATGGGATCAAGGATACTTCCAACAAGAAATATATCGAAGAGTTAGCGCTGGGCTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCCGAAGCTTGGTCTAAAATTCCCGAAAAATTAGCTTTTTATGATTACATCGGCAATAATCCGGCAAAAGGTGGATTGTTCAGAGCAGGCTCAATGGACAACGGGGATGGAATAGCCGTTGGGTGGTTAGGGCATCCTATCTTTAGAGATAACGAAGGGCGTGAACTTTTTGTACGTCGTATGCCTACTTTTTTTGAAACATTTCCAGTTGTTTTGGTAGACGGAGATGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCCTTTTCGAAGGGCCGAGTCAAAGTATAGTGTCGAACAAGTAGGTGTAACTGTTGAGTTCTATGGTGGCGAACTAAATGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGTGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTGAAATCAGATGGTGTTTTTCGTAGCAGTCCAAGGGGTTGGTTTACTTTTGGACATGCTTCGTTTGCTCTGCTCTTTTTCTTCGGACACATTTGGCACGGTGCTCGAACTTTGTTCAGAGATGTTTTTGCTGGTATTGATCCAGATTTAGACGCTCAAGTAGAATTTGGAGCATTCCAGAAACTCGGAGATCCGACTACAAGAAGACAAGTAGTTTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371050.1\_15 [gene=clpP] [locus\_tag=CCM79\_pgp016] [db\_xref=GeneID:32891854] [protein=ClpP] [protein\_id=YP\_009371050.1] [location=join(12253..12321,13175..13465,14112..14339)] [gbkey=CDS]

ATGCCTATTGGTGTCCCAAAAGTCCCTTTTCGAAATCCTGGGGAAGACGATTCAATTTGGATTGACGTAAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGTCAAGATGTTGATAGTGAAATCTCGAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATAGAGAGCGAGACAAAAGATTTGTATTTGTTTATAAACTCTCCTGGAGGATGGGTAATACCCGGAATAGCTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCGACCAGATGTACAAACAGTATGTATGGGATTAGCTGCTTCAATGGGATCTTTTATCCTGGTCGGAGGAAAAATTACCAAACGTTTAGCATTCCCTCATGCTAGGGTAATGATTCATCAACCTATTGCTGGTTTTTATGAGGCACAAATAGGAGAATTTATCCTGGAAGCAGAAGAACTACTGAAACTGCGCGAAATCCTCACAAGGATTTATGCACAAAGAACGGGAAAACCCTTATGGGTTGTATCCGAAGACATGGAAAGAGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGCCCAAGCTCATGGAATTGTTGATCTTGTAGCAGTTGCCTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371051.1\_16 [gene=rps12] [locus\_tag=CCM79\_pgp017] [db\_xref=GeneID:32891855] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_009371051.1] [location=join(14541..14654,146606..146848)] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATAAGAAATGTCACTAAATCCCCCGCTCTTGAGGGATGTCCTCAACGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTCACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGCAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCGTTGTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371052.1\_17 [gene=rps12] [locus\_tag=CCM79\_pgp018] [db\_xref=GeneID:32891973] [protein=ribosomal protein S12] [exception=trans-splicing] [protein\_id=YP\_009371052.1] [location=join(14541..14654,complement(103813..104055))] [gbkey=CDS]

ATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGACAGCCAATAAGAAATGTCACTAAATCCCCCGCTCTTGAGGGATGTCCTCAACGCCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAAACCAAACTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGATTAACCTCTGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTCACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGCAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCGTTGTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371053.1\_18 [gene=rpl20] [locus\_tag=CCM79\_pgp019] [db\_xref=GeneID:32891972] [protein=ribosomal protein L20] [protein\_id=YP\_009371053.1] [location=15493..15846] [gbkey=CDS]

ATGACCAGAATTAGACGAGGATATATAGCTCGGAGGCGTAGAACAAAAATCCGTTTATTTGCATCAAGCTTTCGCGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAACTATTATTCAACAAAAAATAAGAGCTTTGATTTCGGCCCATCGGGATAGAGATAGGCAAAAAAGAAATTTTCGTCGTTTATGGATCACTCGGATAAATGCAGTAATTCGCGAAAACGGGGTATCCCATAGTTATAGTAAATTAATAAACAATCTGTACAAGAGACAGTTGCTTCTTAATCGCAAAATACTTGCACAAATAGCTATATTAAATAAGAATTGTCTTTATATGATTTCCAATGACATTCTAAAATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371054.1\_19 [gene=rps18] [locus\_tag=CCM79\_pgp020] [db\_xref=GeneID:32891856] [protein=ribosomal protein S18] [protein\_id=YP\_009371054.1] [location=complement(16141..16431)] [gbkey=CDS]

ATGGATAAATCAAAACGACTTTTTCTTAAGTCCAAGCGATCTTTTCGTAGGCGTTTGCCCCCGATCCAATCGGGGGATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACGGGTGAATAGATTGAGTTTAAAACAACAACGATTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTCGTTACCTTTTCTTAATAATGATAATGAAAAACAATTTGAAAAAAAGCGAGTTGGTCACTATAACTACTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371055.1\_20 [gene=rpl33] [locus\_tag=CCM79\_pgp021] [db\_xref=GeneID:32891857] [protein=ribosomal protein L33] [protein\_id=YP\_009371055.1] [location=complement(16733..16933)] [gbkey=CDS]

ATGGCCAAGGGTAAAGATGTCCGAGTAAGGGTTATTTTAGAATGTACCGGTTGTGTTCGAAACAGTGTTAATAAGAAATCAACAGGCATTTCCAGATATATTACTCAAAAGAATCGACACAATACGCCTAGTCGATTGGAATTGAGAAAATTCTGTACCTATTGTTACAAACATACAATTCACGGGGAGATAAAGAAATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371056.1\_21 [gene=psaJ] [locus\_tag=CCM79\_pgp022] [db\_xref=GeneID:32891858] [protein=PsaJ] [protein\_id=YP\_009371056.1] [location=complement(17433..17561)] [gbkey=CDS]

ATGCGAGATCTAAAAACATATCTATCCGTCGCACCGGTAATAAGTACTCTATGGTTTGGGTCTTTAGCAGGTCTATTGATAGAGATCAATCGTTTTTTCCCAGATGCGTTGACATTCCCTTTTTTTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371057.1\_22 [gene=petG] [locus\_tag=CCM79\_pgp091] [db\_xref=GeneID:32891861] [protein=PetG] [protein\_id=YP\_009371057.1] [location=complement(18369..18482)] [gbkey=CDS]

ATGATTGAAGTTCTTCTATTTGGAATTGTCTTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCCGGATTATTCGTAACCGCATATTTACAATACAGACGGGGCGATCAATTGGACCTTTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371058.1\_23 [gene=petL] [locus\_tag=CCM79\_pgp090] [db\_xref=GeneID:32891862] [protein=PetL] [protein\_id=YP\_009371058.1] [location=complement(18668..18763)] [gbkey=CDS]

ATGCCTACTATAACTAGTTATTTCGGTTTTCTACTAGCAGCTTTAACTATAACCTCAGTTCTTTTTATTGGTCTGAGCAAGATACGACTTATTTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371059.1\_24 [gene=psbE] [locus\_tag=CCM79\_pgp089] [db\_xref=GeneID:32891863] [protein=PsbE] [protein\_id=YP\_009371059.1] [location=20032..20283] [gbkey=CDS]

ATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATTACCAGTATTCGATATTGGATCATTCATAGCATTACTATACCTTCCCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATGTATTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAATATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGATCCTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAAATCTTTTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371060.1\_25 [gene=psbF] [locus\_tag=CCM79\_pgp088] [db\_xref=GeneID:32891864] [protein=PsbF] [protein\_id=YP\_009371060.1] [location=20292..20411] [gbkey=CDS]

ATGACCATAGATCGAACCTATCCAATTTTTACAGTACGATGGTTGGCTGTTCACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTCTTTTTTGGGGTCAATATCAGCAATGCAGTTCATCCAACGATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371061.1\_26 [gene=psbL] [locus\_tag=CCM79\_pgp087] [db\_xref=GeneID:32891865] [protein=PsbL] [protein\_id=YP\_009371061.1] [location=20438..20554] [gbkey=CDS]

ATGACACAATCAAACCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTCTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCTAATTATTTCTTCAATTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371062.1\_27 [gene=psbJ] [locus\_tag=CCM79\_pgp086] [db\_xref=GeneID:32891866] [protein=PsbJ] [protein\_id=YP\_009371062.1] [location=20696..20818] [gbkey=CDS]

ATGGCCGATACTACTGGACGAATTCCTCTTTGGATAATAGGTACTGTAACTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAATAGGCATTTTCTTTTATGGTTCATATTCCGGATTGGGTTCATCCCTGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371063.1\_28 [gene=petA] [locus\_tag=CCM79\_pgp085] [db\_xref=GeneID:32891867] [protein=PetA] [protein\_id=YP\_009371063.1] [location=complement(21515..22483)] [gbkey=CDS]

ATGCAAACTAGAAAGACCTTCTCTTGGATAAAGGAAGAGATTACTCGTTCCATTTCCGCATCGCTCATGATATATATAATAACTTGGGCATCCATTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAGCAGGGTTATGAAAATCCACGTGAAGCTACTGGCCGTATTGTATGTGCCAATTGTCATTTAGCTAATAAACCCGTGGATATTGAGGTTCCACAAGCGGTACTTCCGGATACTGTATTTGAGGCAGTTGTTCGAATTCCTTATGATATGCAACTGAAGCAAGTCCTTGCTAATGGTAAAAGGGGGGCTTTGAATGTGGGGGCTGTTCTTATTTTACCTGAGGGATTTGAATTAGCCCCTCCCAATCGCATTTCGCCAGAGATGAAAGAAAAGATAGGAAATCTGTCTTTTCAGAGTTATCGCCCCACTAAAAAAAATATTCTTGTGATAGGTCCTGTTCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATTACCTTTCCTATTCTGTCTCCGGATCCCGCCACTAAGAAAGATGTTCACTTTTTTAAATATCCCATATATGTAGGCGGAAACAGAGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGCAAGAGTAACAATACGGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGTATAGTAAGCAAAATCATACGAAAAGAAAAAGAAAAGGGGGGGTACGAAATAACCATAACGGATGCGTCAGAGGGACGTCAAGCGATTGATATTATACCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCAGAAGGCGAATCCATCAAACTTGATCAACCATTAACGAGTAATCCTAATGTGGGTGGATTTGGTCAGGGGGATGCAGAAATAGTACTGCAAGACCCATTACGTGTCCAAGGCCTTTTGTTCTTCTTGGCATCCGTTATTTTGGCACAAATCTTTTTGGTTCTTAAAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTCTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371064.1\_29 [gene=cemA] [locus\_tag=CCM79\_pgp084] [db\_xref=GeneID:32891868] [protein=CemA] [protein\_id=YP\_009371064.1] [location=complement(22792..23481)] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAAAAAAAAACATTTATTCCCCTTCTATATCTTACATCTATAGTTTTTTTGCCCTGGTGGATCTCTGTTTTATTTAATAAAAGTTTTGAATCTTGGGTTATTAATTGGTGTAATATTAGTAACTCCGAAACTTTTTTAACTGATATCCAAGAAAAAAGTATTCTAGAAAAATTCATAGAATTAGAGGAACTCGCTCGCTTGGACGAAATGATAAAGGAATACCCGGAAACATATTTACAAAAGTTTCCTATCGGAATCCACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAACGAGGATCGTATCCATACGATTTTACACGTCTCGACAAATATAATCTGTTTCGTTATTCTAAGTGGTTATTCTATTCTACGTAATGAAGAACTTATTATTCTTAATTCTTGGGTTCAAAAATTCCTATATAACTTAAGCGACACAATAAAAGCTTTTTCGATTCTTTTATTAACCGATTTATGTATAGGATTCCATTCACCCCACGGCTGGGAACTAATGATCGGCTCTGTCTACAAAGATTTTGGATTTGCTCATAATGATCAAATTATATCTGGTCTTGTTTCCACTTTTCCAGTCATTCTCGATACAATTTTTAAATATTGGATTTTTCGTTATTTAAATCGTGTATCTCCGTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371065.1\_30 [gene=ycf4] [locus\_tag=CCM79\_pgp083] [db\_xref=GeneID:32891869] [protein=Ycf4] [protein\_id=YP\_009371065.1] [location=complement(24222..24776)] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGGCGATCAGAACGTATATGGATAGAACTTATAGCGGGGTCTCGAAAAACAAGTAATTTCTGCTGGGCCTTTATACTTTTTTTAGGTTCAGTGGGATTTTTATTGGTTGGAATTTCCAGTTATCTTGGCAGAAATTTGATATCTTTATTTCCGTCTCAGCAAATAATTTTTTTTCCACAAGGGATCGTGATGTCTTTCTATGGGATCGCCGGTCTATTTATTAGTTCTTATTTGTGGTGCACAATTTTGTGGAATGTAGGTAGTGGTTATGATCGATTCGATAGAAAAGAAGGAATAGTGCGTATTTTTCGCTGGGGATTTCCTGGAAAAAATCGTCGCATCTTACTCCGATTCCTTATGAAGGATATTCAGTCTATTAGAATAGAAGTTAAAGAGAGTATTTACGCTCGGCGTGTCCTTTATATGGAAATCAGGGGCCGGGGGTCCATTCCTTTGACTCGTACTGATGAGAATTTGACTCCACGAGAAATTGAGCAAAAAGTAGCTGAATTGGCCTACTTTTTGCGTGTACCAATTGAAGTGTTTTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371066.1\_31 [gene=psaI] [locus\_tag=CCM79\_pgp082] [db\_xref=GeneID:32891870] [protein=PsaI] [protein\_id=YP\_009371066.1] [location=complement(25227..25340)] [gbkey=CDS]

ATGACAATTCTCAGCAATTTACCCTCCATTTTTGTGCCTTTAGTGGGCTTAGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATCTCTTCATGTTCAAAAAAACAAGATTTTTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371067.1\_32 [gene=accD] [locus\_tag=CCM79\_pgp081] [db\_xref=GeneID:32891871] [protein=AccD] [protein\_id=YP\_009371067.1] [location=complement(26101..27606)] [gbkey=CDS]

ATGGAAAAACGGCGGTTCAATTTGATCTTATCCAATGTGGAATTAGGATACAGGTGTAGGCTAAGTAAATCAATGGATAGTTTCAGTCCTCTCGAAAATACCAGTATAAGCGAAGACCCGATTCTAAATGATACAGATACAGATAAAAACACCCATTGTTGGAGTAATAGTGACAGCTCTAGTTACAGTAATGTTGATCATTTAGTCGGCGTCAGGGACATTCGGAATTTCAGCGCTGATGAAACTTTTTTAGTTAGGGATAGTAATAGGGACAGTTATTCCATATATTTTGATATTGAAAATCAAGTTTTTGAGATTGACACTGATCATTCTTTTCTGAATGAACTAGAAAGTTCTTTTTATAGTTATTGGAATTCTAGTTATCTGAATAATGGGTCTAGGAGTGGCGACTCCCACTATGATCATTATAAGTATGATACTAAATATAGTTGGAATAATTACATCAATAGTTGCATTGACAGTTATCTTCGCTCTCAAGTCTGTATTGATAGTTATATTTTTAGTGGTAGTAACAATTACAGTGAAAGTTACATTTATAGTTACATTTGTGGTGAAAGTGGAAATAGTAGTGAAAGCCAGAGTTCCAGTCTAAGAACTAGCACGACTGGTAGCGATTTAACTATAAGAGAAAGTTCTAATGATCTCGATATAACTCAAAAATACAAGCATTTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGGTTAAATTATAAGAAATTTTTTAAGTCAAGAATGAATATTTGTGAACAATGTGGATATCATTTGAAAATGAATAGTTCAGATAGAATTGAACTTTCGATTGACCCAGGCACTTGGGATTCTATGGATGAAGACATGGTATCTCTGGATCCCATTGAATTTCATTCAGAAGAAGAACCTTATAAAGATCGTATTGATTCTTATCAAAAAAAGACAGGATTAACCGAGGCTGTTCAAACAGGCACAGGTCAACTAAATGGCATTCCCATAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATGGGGGGTAGTATGGGATCTGTAGTAGGGGAGAAAATCACTCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATAAATTTTTACCTCTTATTTTAGTGTGTGCTTCCGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGTTTGATGCAAATGGCTAAAATATCTTCTGCTTTATATGATTATCAATCGAATAAAAAGTTATTTTATGTATCAATCCTTACATCTCCTACGACTGGTGGGGTGACAGCTAGTTTTGGCATGTTGGGGGATATCATTATTGCTGAACCTAACGCCTATATTGCATTTGCAGGTAAAAGAGTAATTGAACAAACATTGAATAAGACAGTACCTGAAGGTTCACAATCGGCCGAATTTTTATTCCATAAGGGCTTATTCGATCCAATCGTACCACGTAATCTTTTAAAAGGCGTTCTGGATGAGTTACTTCAGCTCCACGTTTTCTTTCCTTTGAATCATAAATCAAGTGGAGTCTTAAGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371068.1\_33 [gene=rbcL] [locus\_tag=CCM79\_pgp080] [db\_xref=GeneID:32891872] [protein=ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit] [protein\_id=YP\_009371068.1] [location=complement(28374..29822)] [gbkey=CDS]

ATGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAGGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGACTATCAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCTGGAGTTCCGCCTGAGGAAGCAGGAGCTGCGGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACTGTGTGGACCGATGGGCTTACCAGTCTTGATCGTTATAAAGGACGATGCTACGACATCGAGCCCGTTGCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTACCCCTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGGTTCAAAGCCCTACGCGCCCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTACTGCTTATATTAAAACTTTCCAAGGGCCGCCTCATGGAATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCGCCCCCTATTGGGTTGTACTATTAAACCTAAATTGGGACTATCCGCTAAGAATTACGGTAGAGCGGTTTATGAATGTCTTCGCGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAGAACGTGAACTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCTTATTTTGTGCCGAAGCACTTTATAAAGCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGACATTATTTGAATGCTACTGCGGGTACATGTGAAGAAATGATCAAAAGGGCTGTTTTTGCCAGAGAATTAGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGGGGATTCACTGCAAATACTTCCTTAGCTCATTATTGCCGAGATAATGGTTTACTTCTTCACATTCATCGCGCAATGCATGCAGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCATTTTCGTGTACTAGCTAAGGCCTTACGTATGTCTGGTGGAGATCATATTCACGCCGGTACCGTAGTAGGTAAACTTGAAGGGGAAAGAGAGATCACTTTGGGCTTTGTTGATTTACTGCGTGATGATTTTATTGAAAAAGATCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTCTCTCTACCAGGTGTTTTGCCTGTAGCTTCAGGAGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTGACCGAGATCTTTGGAGATGATTCCGTACTACAATTCGGTGGAGGAACTTTAGGGCACCCTTGGGGAAATGCACCCGGTGCCGTAGCTAATCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAATGAGGGACGTGATCTTGCTCGTGAGGGTAATGAAATTATCCGTGAGGCTAGCAAATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAGATTAAATTCGAATTCGAAGCAATGGATACTTTGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371069.1\_34 [gene=atpB] [locus\_tag=CCM79\_pgp079] [db\_xref=GeneID:32891873] [protein=AtpB] [protein\_id=YP\_009371069.1] [location=30575..32071] [gbkey=CDS]

ATGAGAATCAATCCTACTACTTCTGGTCCGGGAGTTTCCGCGCTTGAAAAAAAGAACCTAGGGCGTATCGCTCAAATCATTGGGCCAGTACTAGATGTAGCTTTTCCCCCGGGGAAGATGCCTAATATTTACAACGCTCTGATAGTTAAGGGTCGAGATACTGTCGGTCAAGAAATTAATGTGACTTGTGAAGTACAACAATTATTAGGAAATAATCGAGTTCGGGCTGTAGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAACGAGAGTAATGGAAGTGATTGACACAGGAGCTCCTCTAAGTGTTCCGGTTGGTGGGGCGACTCTAGGACGAATTTTCAACGTGCTTGGAGAACCTGTTGATGATTTAGGTCCTGTAGATACTCGCGCAACATCCCCTATTCATAGATCTGCACCTGCCTTTATACAGTTAGATACAAAATTATCTATTTTTGAAACAGGAATTAAAGTAGTAGATCTTTTAGCTCCTTATCGCCGTGGAGGAAAAATCGGACTATTCGGGGGAGCTGGAGTGGGTAAAACAGTACTTATTATGGAATTAATCAACAACATTGCGAAAGCGCATGGGGGTGTATCCGTATTTGGCGGAGTAGGCGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAAAGAATCTGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTATGGTCAGATGAACGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTAACTGCCCTAACTATGGCAGAGTATTTCCGAGATGTTAATGAACAAGACGTACTTCTATTTATCGACAATATCTTCCGTTTCGTCCAAGCAGGATCCGAAGTATCCGCCTTATTGGGTAGAATGCCTTCCGCTGTGGGTTATCAACCTACCCTTAGTACCGAAATGGGTTCTTTACAAGAAAGAATTACTTCTACCAAAGAGGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCAGTTTATGTGCCTGCGGACGATTTGACTGACCCTGCGCCTGCCACGACATTTGCACATTTAGATGCGACTACTGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCTAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACGTCAACTATGCTCCAACCTCAGATCGTTGGTGAGGAACATTATGAAACTGCGCAAAGAGTTAAGCAAACTTTACAACGTTACAAAGAACTTCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACTGTAGCAAGAGCACGAAAAATTGAGCGTTTCTTATCCCAACCCTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCTCCGGGGAAATATGTCGGTCTAGCAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTGATCCTTTCCGGAGAATTAGATAGTCTCCCTGAACAGGCCTTTTATTTGGTAGGTAATATTGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAACGGAGAACAACTTGAAGAAATGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371070.1\_35 [gene=atpE] [locus\_tag=CCM79\_pgp078] [db\_xref=GeneID:32891874] [protein=AtpE] [protein\_id=YP\_009371070.1] [location=32068..32469] [gbkey=CDS]

ATGACCTTAAATCTTTGTGTACTGACCCCGAATCGAATTGTTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTATCTACTAATAGTGGACAAATTGGCGTATTACCAAATCATGCGCCTATTGCCACAGCAGTCGATATCGGTATTTTGAGAATACGCCTTACTGACCAATGGTTAACGATGGTTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGATTACTGTTTTAGTAAATGATGCAGAGAAGGGTAGTGACATTGATCTACAAGAAGCTCAGCAAACTCTTGAAATAGCAGAAGCTAACTTGAGAAAAGCGGAAGGCAGGAGACAAATAATTGAGGCAAATCTAGCTCTCAGACGAGCTAGGGCACGCGTAGAGGCTATCAATGAAATTTCGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371071.1\_36 [gene=ndhC] [locus\_tag=CCM79\_pgp077] [db\_xref=GeneID:32891877] [protein=NdhC] [protein\_id=YP\_009371071.1] [location=34548..34910] [gbkey=CDS]

ATGTTTCTGATTTACGAATATGATATATTCTGGGCATTTCTAATAATATCAAGTGTTATTCCTATTTTAGCATTTCTAATTTCCGGAGTTTTAGCCCCGATTAGCAAAGGGCCGGAGAAACTTTCTAGTTATGAATCGGGTATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGTTACAATTTCGAATCCGTTATTATATGTTTGCTCTAGTTTTTGTTGTTTTTGATGTTGAAACTGTTTTTCTTTATCCATGGGCAATGAGTTTTGATGTATTGGGGTTATCCGTATTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATTGTTGGTTTAGTTTATGCATGGAGAAAAGGAGCATTAGAATGGTCTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371072.1\_37 [gene=ndhK] [locus\_tag=CCM79\_pgp076] [db\_xref=GeneID:32891878] [protein=NdhK] [protein\_id=YP\_009371072.1] [location=34963..35640] [gbkey=CDS]

ATGAATTCTATTGAGTTTCCCTTACTTGATCAAACAACTCCAATTTCAGTTATTTCAACTACATCAAATGATCTTTCAAATTGGTCAAGACTCTCCAGTTTATGGCCACTTCTCTATGGTACCAGTTGTTGCTTCATTGAATTTGCTTCATTAATAGGCTCACGATTCGACTTTGATCGTTATGGACTAGTACCAAGATCTAGTCCTAGACAAGCGGACCTGATTTTAACAGCCGGCACAGTAACCATGAAAATGGCTCCTTCTTTAGTGAGACTATATGAACAAATGCCAGAACCAAAATATGTTATTGCCATGGGGGCATGTACAATTACAGGGGGGATGTTTAGTACCGATTCTTATAGTACTGTTCGGGGAGTCGATAAACTAATTCCTGTAGATGTCTATTTGCCAGGCTGTCCGCCTAAACCGGAGGCGGTTATAGATGCTATAACAAAACTTCGTAAAAAAATATCTCGAGAAATTTATGAAGATCGAATTAGGTCTCAACCGAGGAATCGGTGTTTTACTACCAATCACAAGTTTAATATTGAACGCACTACTCATACTGGAAATTATGATCGAGGATTACTCTATCAACCGCCGTCTACTTCAAAGATCCCTCCTGAAACATTTTTCAAATATAAAAATTCAGTATCGTCCCACGAATTAGTAAATTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371073.1\_38 [gene=ndhJ] [locus\_tag=CCM79\_pgp075] [db\_xref=GeneID:32891879] [protein=NdhJ] [protein\_id=YP\_009371073.1] [location=35754..36230] [gbkey=CDS]

ATGCAGGGTCATTTGTCTGCTTGGCTAGTCAAACATGGACTAGTTCATAGATCTTTGGGTTTTGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGAAGATTGGCATTCCATTGCTGTCATTTTATATATATATGGTTACAATTATCTGCGTTCGCAATTTGCCTATGATGTAGCACCGGGCGGGCTGTTAGCTAGTGTATATCATCTTACGAGAATAGAGTATGGTATAGATCAACCAGAAGAAGTATGTATAAAAGTATTTGCCCCAAGGAAGAATCCTAGAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCAAGAAAGGGAATCATATGATATGCTGGGAATCTTTTATGATAATCATCCACGTCTGAAACGTATCTTAATGCCGGAAAGTTGGGTAGGGTGGCCCTTACGTAAGGATTATATTGCTCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCTCATTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371074.1\_39 [gene=rps4] [locus\_tag=CCM79\_pgp074] [db\_xref=GeneID:32891883] [protein=ribosomal protein S4] [protein\_id=YP\_009371074.1] [location=38853..39458] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTTACCGAGGGCCTCGTTTCAAAAAAATACACCGTCTGGGGGCTTTACCGGGACTAACTAGTAAAAGGCCTAGAGCCGGGAGCGATCTTAGAAATCAATCACGCTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAAAATTGCGTTTTCATTATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTCGTATCGCCGCAAAAGCCAAAGGGTCAACAGGTCTTGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGGATGGCGTCAACTATTCCTCGAGCCCGCCAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTCGTATAGTAGATATACCAAGTTATCGCTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCGAAGGATGAACAAAAATCTAGAGCTATGATTCAAAATTATCTTGATGCATCCCCCCAGGAGGAATTGCCAAAACATTTGATTCTTCACCCATTCCAATATAAAGGATTGGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGTTGGCTTGAAAATAAATGAATTGCTAGTGGTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371075.1\_40 [gene=ycf3] [locus\_tag=CCM79\_pgp073] [db\_xref=GeneID:32891885] [protein=Ycf3] [protein\_id=YP\_009371075.1] [location=join(40267..40392,41118..41345,42017..42169)] [gbkey=CDS]

ATGCCTAGATCCCGGATAACTGGAAATTTTATTGATAAGACCTTTTCAATTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACTTCGGGAGAAAAAGAGGCATTTACTTATTACAGAGATGGTATGTCTGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCAGAAGCTTTACAGAATTATTATGAAGCTTTGCGGCTAGAAATTGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAATATAGGCCTTATTCACACAAGTAATGGAGAACACACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCCTTCTTGCCACAAGCTTTAAATAATATGGCCGTGATCTGTCATTACCGAGGAGAACAGGCCATTCGGCAGGGAGATTCTGAAATTGCGGAGGCTTGGTTCGATCAAGCCGCGGAGTATTGGAAACAAGCTATAGCACTTACTCCCGGAAATTATATTGAAGCGCAGAATTGGTTAAAGATCACAAGGCGTTTCGAATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371076.1\_41 [gene=psaA] [locus\_tag=CCM79\_pgp072] [db\_xref=GeneID:32891886] [protein=PsaA] [protein\_id=YP\_009371076.1] [location=42840..45092] [gbkey=CDS]

ATGATTATTCGTTCGCCGGAACCAGAAGTCAAAATTTTGGTAGATAGGGATCCCATCAAAACTTCTTTCGAGGAATGGGCCAGACCCGGTCATTTCTCAAGAACAATAGCTAAAGGACCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTACATGCCGATGCTCACGATTTCGATAGCCATACCAGTGATTTGGAGGAGATTTCTCGAAAAGTATTTAGTGCTCATTTCGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGCGGCATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAACTATGAAGCATGGCTAAGTGATCCTACTCACATTGGACCTAGCGCCCAAGTGGTTTGGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAATGGTGATGTGGGCGGGGGTTTCCGAGGAATACAAATAACCTCCGGGTTTTTTCAGATTTGGAGAGCATCTGGAATAACTAGTGAATTACAACTGTATTGTACCGCAATTGGTGCATTGGTCTTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTCCATTATCACAAAGCTGCTCCAAAATTGGCTTGGTTCCAAGATGTAGAATCTATGTTGAATCACCATTTAGCGGGGCTACTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGACATCAAGTACATGTATCTTTACCAATTAACCAATTTCTAAACGCTGGAGTGGATCCGAAAGAAATCCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCTCAACTTTATCCCAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACCTTGAATTGGTCAAAATATTCGGAATTTCTTACTTTTCGTGGAGGATTAGATCCAGTAACTGGGGGTCTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACTAACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTTACAGGTCAGGGCCATAAGGGCCTATATGAGATCCTAACAACGTCATGGCATGCTCAATTATCTCTTAACCTCGCTATGTTAGGTTCTTTAACCATTGTTGTAGCTCACCATATGTATTCCATGCCCCCTTATCCATATCTAGCTACTGACTATGGTACACAACTGTCATTGTTCACACATCACATGTGGATTGGTGGATTTCTCATAGTTGGTGCTGCTGCACATGCAGCCATTTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACTACTCGATACAACGATCTATTAGATCGTGTCCTTAGGCATCGCGATGCAATCATATCACATCTCAACTGGGTATGTATATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTATATATTCATAATGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGTCCTCAAGATATGTTTTCAGATACTGCTATACAATTACAACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATGCTTTAGCACCTGTTGCAACGGCTCCTGGTGCAACAGCAAGTACCAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGTGGCAAGGTTGCTTTGTTACCGATTCCATTAGGAACCGCGGATTTTTTGGTACATCACATTCATGCATTTACGATTCATGTGACGGTATTGATACTTCTGAAAGGGGTCCTATTTGCCCGTAGCTCTCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGTGATGGACCTGGAAGAGGGGGAACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGGCTATTTTGGATGTACAATTCCATTTCGGTTGTAATATTCCATTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTATAAGTGATCAAGGGGTGGTAACTCATATCACGGGAGGAAACTTTGCACAGAGTTCCATTACTATTAATGGATGGCTCCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCCGCATATGGCCTTTTTTTCCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTCAGTGGTCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCAATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTATACAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCATTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTAGGATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371077.1\_42 [gene=psaB] [locus\_tag=CCM79\_pgp071] [db\_xref=GeneID:32891887] [protein=PsaB] [protein\_id=YP\_009371077.1] [location=45118..47322] [gbkey=CDS]

ATGGCATTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAGAGTCATGATGATATTACGGAGGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCACTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACACGTAAGACCTATTGCTCATGCGATTTGGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGGAAGCTTTTACTCGAGGGGGTGCCCCTGGCCCAGTGAATATTGCTTATTCTGGTGTTTATCAATGGTGGTATACAATTGGTTTACGTACTAATGAAGATCTTTATATTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTTCTGCCCTAGCCTTATTAGCGGGTTGGTTACACCTACAACCGAAATGGAAACCGAGTGTTTCGTGGTTCAAAAATGCCGAATCTCGCCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGCTCTTTGGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCTATTCCTGGCTCCAGGGGGGAATACGTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGCATTACCACATCCTCAAGGATTAGGCCCACTTTTTACAGGGCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAATCCCGATTCAGGTAGTCATTTATTTGGTACCTCCCAAGGAGCAGGAACTGCCATTCTAACCCTTCTCGGGGGGTTCCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTGTTGCATTTATTTTTCTCGTTGCCGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGGCACAGTATAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCTCCGGGGGGACGATTGGGGCGTGGACATAAGGGTCTTTATGACACAATCAACAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGCCTTGCTCTAGCTTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTAGTAGCTCAACACATGTACTCATTACCTGCTTATGCATTCATAGCGCAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACTCATCACCAATACATCGCAGGATTCATCATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCGGAACAGAATGAGAATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGTCTCTTTTTGGGATTCCATACTTTGGGACTTTATGTTCATAATGATGTTATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAGAAACAAATCTTGATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATACAATCTGCTCACGGTAAAACTTCATATGGGTTCGATGTACTTTTATCTTCAACGAATAGTGCAGCTTTCAATGCAGGTCGAAGCATATGGTTGCCCGGCTGGTTAAATGCTGTTAATGAAAATAGTAATTCATTATTCTTAACAATAGGACCTGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTCTAGGTTTACATACAACCACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCGAAGTTAATGCCAGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCCTTGCGATGGTCCGGGACGCGGTGGTACTTGTGATATTTCGGCTTGGGACGCATTTTATTTGGCGGTTTTCTGGATGTTAAATACTATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCATTGGAAACACATCACATTATGGCAGGGTAATGTTTCACAGTTTAATGAATCCTCCACTTATTTAATGGGGTGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAACCCTTTTGGTATGAATAGCTTATCCGTCTGGGCGTGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGATTTATGTTTTTAATTTCTTGGCGTGGATATTGGCAGGAATTGATTGAAACTTTAGCGTGGGCTCATGAACGTACACCTTTGGCTAATTTGATTCGATGGAGAGATAAACCAGTAGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTGGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATCTTCACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGTAAATTTGGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371078.1\_43 [gene=rps14] [locus\_tag=CCM79\_pgp070] [db\_xref=GeneID:32891888] [protein=ribosomal protein S14] [protein\_id=YP\_009371078.1] [location=47440..47742] [gbkey=CDS]

ATGGCAAGGAAAAGTTTGATTCAGCGGGAGAAGAAAAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATTCGTCGATCTTCAAAAAAAGAAATAAGCGAAATTCCGTCGTTGAGCGATAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCCACCGCGAAATAGTGCACCGACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTCGACTGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTATCCGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCATGTTTGTTACCGGGGGCAACAAGATCAAGTTGGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371079.1\_44 [gene=lhbA] [locus\_tag=CCM79\_pgp069] [db\_xref=GeneID:32891891] [protein=LhbA] [protein\_id=YP\_009371079.1] [location=complement(49225..49413)] [gbkey=CDS]

ATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTTGCATTAATTGCTACTTCATCAATCTTGCTGATTAGTGTACCCGTTGTTTTTTCTTCTCCTGATGGTTGGTCGAGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTCTTTCTGGTAGGTATCCTTAATTCTCTCATCTCGTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371080.1\_45 [gene=psbC] [locus\_tag=CCM79\_pgp068] [db\_xref=GeneID:32891893] [protein=PsbC] [protein\_id=YP\_009371080.1] [location=complement(50112..51533)] [gbkey=CDS]

ATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAATGGAACTTTATCTTTAGCCGGTCGTGACCAAGAAACTACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGAAATGCCCGACTTATCAATTTGTCCGGTAAACTACTGGGAGCTCATGTATCTCATGCTGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTCGTACCCGAGAAACCAATGTATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTCTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCATACTTTGTATCTGGCGTACTTCACTTAATTTCCTCTGCCGTATTGGGCTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGTCCTGAGACTCTTGAAGAATCTTTTCCATTTTTTGGGTATGTATGGAAAGATAGAAATAAAATGACAACAATTTTAGGTATTCACTTAATCTTGCTAGGTCTAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAGGCTCTTTATTTTGGGGGCGTATATGATACCTGGGCTCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATTTTTGGTTATTTACTAAAATCCCCCTTTGGAGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAATTGGAGGGCATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAATCTGGCATATTTTAACCAAACCCTTTGCATGGGCTCGTCGTGCACTTGTATGGTCTGGAGAGGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCCGTTTTTGGTTTCATTGCTTGTTGCTTTGTCTGGTTCAATAATACTGCTTATCCTAGTGAGTTTTACGGGCCTACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCTTTTACTTTTTTAGTTAGAGATCAACGTCTTGGGGCTAACGTGGGATCCGCTCAAGGACCTACCGGGTTAGGTAAATATTTAATGCGTTCGCCTACCGGAGAAGTTATTTTTGGAGGAGAAACTATGCGTTTTTGGGATCTACGTGCTCCTTGGTTGGAACCTCTAAGAGGTCCAAATGGTTTGGACTTGAGTAGGTTGAAAAAAGACATACAACCTTGGCAAGAACGCCGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCGCCTTTAGGTTCGTTGAATTCTGTAGGTGGCGTAGCTACCGAGATCAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTTCTAGGTTTCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCACGCGGGAAGGGCTCGCGCAGCTGCAGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTTTCCATGACTCCTCTTAACTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371081.1\_46 [gene=psbD] [locus\_tag=CCM79\_pgp067] [db\_xref=GeneID:32891894] [protein=PsbD] [protein\_id=YP\_009371081.1] [location=complement(51481..52542)] [gbkey=CDS]

ATGACTATAGCCCTTGGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTTGATATTATGGATGACTGGTTAAGGAGGGACCGTTTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGCGCCTATTTCGCCTTAGGGGGTTGGTTCACAGGTACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCATGGATTGGCTAGTTCCTATTTGGAGGGCTGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCTACTCCTGCTAATAGTTTAGCACATTCTTTGTTATTCCTATGGGGTCCTGAAGCACAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTCAGTTAGGTGGTTTGTGGACTTTTGTTGCTCTCCACGGTGCTTTCGGACTAATAGGTTTTATGTTACGTCAATTTGAACTTGCTCGATCCGTGCAATTGCGACCTTATAATGCAATCGCATTCTCTGGTCCAATTGCTGTTTTTGTTTCTGTATTCCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTTTTTTGCACCTAGTTTTGGTGTAGCAGCTATATTTCGATTCATCCTCTTTTTCCAAGGGTTTCATAACTGGACGCTGAACCCATTTCATATGATGGGAGTTGCCGGCGTATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACTGTAGAAAATACTTTATTTGAAGATGGTGATGGTGCAAATACATTCCGTGCTTTTAACCCAACTCAAGCCGAAGAAACTTATTCAATGGTTACCGCTAACCGCTTTTGGTCTCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACCGGTTTATGGATGAGTGCTCTTGGAGTAGTCGGTCTGGCTCTGAATCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTACACCAAAAATATTCTTTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCACGTGGAAACGCTCTTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371082.1\_47 [gene=psbM] [locus\_tag=CCM79\_pgp066] [db\_xref=GeneID:32891899] [protein=PsbM] [protein\_id=YP\_009371082.1] [location=57055..57159] [gbkey=CDS]

ATGGAAGTAAATATTCTTGCATTTATTGCTACTGCACTGTTCATTCTAGTTCCTACTGCTTTTTTACTTATAATATACGTAAAAACGGTTAGTCAAGGTGATTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371083.1\_48 [gene=petN] [locus\_tag=CCM79\_pgp065] [db\_xref=GeneID:32891900] [protein=PetN] [protein\_id=YP\_009371083.1] [location=complement(58554..58643)] [gbkey=CDS]

ATGGATATAATAAGTCTCGCTTGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCCCTTTCGCTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTCTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371084.1\_49 [gene=rpoB] [locus\_tag=CCM79\_pgp064] [db\_xref=GeneID:32891902] [protein=RpoB] [protein\_id=YP\_009371084.1] [location=60952..64164] [gbkey=CDS]

ATGCTCGGGGATGGAAATGAGGGAATGTCTACAATACCTGGATTTAATCAGATACAATTTGAAGGATTTTGTAGGTTCATTGATCAGGGCTTAAGAGAAGAATTTTCTAAGTTTCCAAAAATGGAAGATGCAGATCAAGAAATTGAATTTCAATTATTTGTGGAAACATATCAATTATTAGAGCCGTTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCACTTACATATTCTTCTGAATTATATGTATCCGCGGGATTAATTTGGAAAACCAGTAGGGATATGCAAGAACAAACAATTTTTATTGGAAACATTCCTCTAATGAATTCCCTGGGAACTTTTCTAATAAATGGAATATACAGAATTGTGATCAATCAAATATTGCAAAGTCCCGGTATCTATTACCGGTCAGAATTGGATCATAACGGAATTTCGGTCTATACCGGCACCATAATATCAGATTGGGGGGGAAGAGTAGAATTAGAGATTGATAGAAAAGCAAGGATATGGGCTCGTGTGAGTAGGAAACAGAAAATATCTATTCTAGTTTTATCATCAGCTATGGGTTTGAATCTAAGAGAAATTTTAGAGAATGTGTGCTACCCCGAAATTTTCTTATCTTTCCTAAATGATAAGGAAAAAAAAAAAATTGGGTCAAAGGAAAATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAGTTTACTTGTGTAGGCGGAGATCCAGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAGGAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGGATTGGCCGATTAAATATGAACCGGAGACTGAATCTTGATATACCTCATAACAATACATTTTTGTTACCGCGAGATATATTGGCAGCTGCAGATCATTTGATTGGAATGAAATTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTAAAAAATAAACGTATTCGTTCTGTAGCGGATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTGATTCGTTTGGAAAATGTGGTTAGAGGGACTATATGTGGAGCAATTAGGCATAAATTGATACCGACCCCTCAAAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACTTATGAATCTTTTTTCGGATTACACCCATTATCTCAAGTTTTGGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTCATGGGAGAAAATCGAGTTATTTGGGTCCTGGAGGATTAACAGGACGAACTGCTAGTTTTCGAATACGAGATATCCACCCTAGTCACTATGGGCGCATTTGCCCCATTGATACATCTGAAGGAATCAATGTTGGACTTATTGGGTCTTTAGCAATTCATGCCAAGATTGGTCATTGGGGGTCTTTAGAAAGCCCATTTTATGAAATCTCTGAGGGATCAAAAAAAGTACGGATGTTTTATTTATCACCAAATAAAGAGGAATACTATATGGTAGCGGCAGGAAATTCTTTGGCGCTGAATCGAGGTGTTCAGGAAGAACAGGTTGCTCCAGCTCGATATCGTCAAGAATTCCTGACTATTGCATGGGAACAGGTACATTTTCGAAGTATTTTTCCCTTCCAATATTTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCCTTTTATCGAGCATAATGATGCGAATCGGGCTTTAATGAGTTCTAATATGCAACGTCAAGCAGTTCCACTTTCTCGATCCGAAAAATGCATTGTTGGAACTGGATTGGAACGCCAAGTGGCTCTAGATTCCGGGATTCCTGCTATAGCCGAACACGAGGGAAAGATAATTTATACTGATATTGACAAGATCATTTTATCGGGTAATGGGTATACTCTATGCATTCCATTAGTTATGTATCGACGTTCCAACAAAAATACTTGTATGCATCAAAAAACCCAGGTTCGGCGGGGTAAATGCATTAAAAAGGGACAAGTTTTAGCGGATGGTGCCGCTACAGTTGGTGGCGAACTCGCCTTGGGCAAAAACATATTAGTAGCTTATATGCCATGGGAAGGTTACAATTTTGAGGATGCGGTACTCATTAGCGAACGTCTGGTATATGAAGATATTTATACTTCTTTTCACATACGGAAATATGAAATTCAGACTCATGTGACAAGTCAAGGACCGGAAAGGATCACTAACGAAATACCGCACCTAGAAGCCCATTTACTCCGAAATTTAGACAAAAATGGAATTGTGATGCTGGGATCTTGGGTAGAGACGGGCGATGCTTTAGTAGGTAAATTAACGCCTCAAATGGCGAAAGAATCATCGTATGCCCCAGAAGATAGATTATTAAGAGCCATACTTGGTATTCAGGTATCGACTTCAAAGGAAACTTGTCTAAAACTACCTATAGGCGGTAGGGGTCGAGTTATTGACGTGAGATGGATCCAGAAAAAGGGGGGTTCCTGTTATAATCCGGAAACGATTCGTGTATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTGGGTGATAAAGTAGCTGGAAGACATGGAAATAAAGGCATCATTTCCAAAATTTTGCCTAGACAGGATATGCCTTATTTACAAGATGGAAAAACTGTTGATATGGTCTTCAACCCATTAGGAGTACCTTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAATGCTCACTCGGGTTAGCGGGAGGTCTGCTAGATAGACATTATCGAATAGCACCCTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCGAGAAAACTAGTGTTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCAAATCCGTGGGTATTTGAACCCGAGTATCCAGGAAAAAGTAGAATATTTGATGGAAGAACGGGGGATCCTTTTGAACAGCCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAATTAATTCATCAAGTTGATGATAAAATACATGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACAACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGGGGACAACGGGTCGGAGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAGGGATTTGGTGTTTCTCATATTTTACAAGAGATGCTTACTTATAAATCTGATCATATTAGAGCTCGCCAAGAAGTGCTTGGTACTACGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAAGATGCTCCAGAATCTTTTCGATTGCTCGTTCGAGAACTACGATCTTTGGCTCTGGAACTGAATAATTTCCTTGTATCTGAGAAGAACTTCCAGATTAATAGGAAGGAAGCTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371085.1\_50 [gene=rpoC1] [locus\_tag=CCM79\_pgp063] [db\_xref=GeneID:32891903] [protein=RpoC1] [protein\_id=YP\_009371085.1] [location=join(64191..64622,65418..67028)] [gbkey=CDS]

ATGATTGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATCAGTTTCGCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAATCCTACCTAATGGAGAGATTGTTGGAGAGGTGACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGATTATTTTGTGAAAGAATTTTTGGGCCTATAAAAAGTGGAATTTGTGCTTGTGGAAATTATCGAGTAATCAGAAATGAAAAAGAAGACCCAAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAGTTTGTTGATTCTCGGAGACGAAGATATCAAATGGGCTACATCAAACTGGCATGCCCAGTAACTCATGTGTGGTATTTGAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCAAATCTTTTAGATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCCTAGTATACTGCGATTTTTCTTTTGCTAGGCCCATAGCTAAAAAACCTACTTTTTTACGATTACGAGGTTCATTCGAATATGAAATCCAATCCTGGAAATACAGTATTCCACTTTTTTTTACTACCCAAGGCTTTGATACATTTCGAAATCGAGAAATTTCTACAGGAGCTGGTGCTATTCGAGAACAATTAGCCGATCTGGATTTGCGAATTATTATAGATTATTCGTCGGTAGAATGGAAAGAATTAGGGGAAGAAGGGCCTACAGGGAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAAGATTTTTTGGTTAGACGCGTGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATAGAACCAGAATGGATGGTTTTATGTCTATTGCCAGTTCTTCCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAAACTAATGAGTTCAGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATCTATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACAAGTAGATCTACGCCAGGGGAATTAGTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGACGGTCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCAGATGTAATTGAGGGCAAAGAAGGACGATTTCGTGAGACTATGCTTGGCAAACGGGTTGATTATTCGGGGCGTTCGGTCATTGTCGTAGGCCCCTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCCCGCGAAATAGCAATAGAGCTTTTCCAGATATTTGTAATTCGTGGTCTAATTAGACAACATCTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGGAAAATTCGAGAAAAAGAGCCAATTGTATGGGAAATACTTCAGGAAGTTATGCAGGGGCATCCGGTATTACTGAATAGAGCGCCGACTCTGCATAGATTAGGCATACAAGCATTCCAACCCATTTTAGTGGAAGGCCGTGCTATTTGTTTACATCCATTAGTTTGTAAGGGATTCAATGCAGACTTTGATGGGGATCAAATGGCTGTTCATGTACCCTTATCGTTGGAGGCTCAAGCGGAGGCTCGTTTACTTATGTTTTCTCATATGAATCTCTTGTCTCCAGCTATTGGAGATCCCATTTCCGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGGCTCTATGTATTAGCAAGCGGCAATCGTCAAGGTATTTGTGCAAATAGGTATAATCCATGTAATCGCAGAAATTATCAAAATGAAAGAATTGACGAGAATAACAATAAATATACGAAAGAACCCTTTTTTTCTAATTCCTATGATGCAATTGGCGCTTATCGGCAGAAAAGAATCAATTTAGATAGTCCTTTGTGGCTCCGGTGGCAACTAGATCAACGCGCTGTTGCTTCAAGAGAAGTTCCCATCGAAGTTCACTATGAATCTTTGGGTACCTATCATGAGATTTATGAACATTATCTAATAGTAAGAAATATAAAAAAAGAAATTATTTGTATATACATTCGAACTACTGTTGGTCATATTTCTCTTTATAGAGAAATCGAAGAAGCTATACAAGGGTTTTGTCGAGCCTGCTCAGATGGTATCTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371086.1\_51 [gene=rpoC2] [locus\_tag=CCM79\_pgp062] [db\_xref=GeneID:32891904] [protein=RpoC2] [protein\_id=YP\_009371086.1] [location=67196..71398] [gbkey=CDS]

ATGGAGGTACTTATGGCCGAACGGGCCAATCTGGTCTTTCACAATAAAGTGATAGATGGAACTGCCATTAAACGACTTATTAGCAGATTAATAGATCATTTTGGAATGGCATATACATCACACATCCTGGATCAAGTAAAGACTCTGGGTTTCCAGCAAGCCACTGCTACATCCATTTCATTAGGAATTGATGATCTTTTAACAATACCTTCTAAGGGATGGCTAGTCCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACACTATCATTATGGAAATGTACACGCGGTAGAAAAATTACGCCAATCTATTGAGATATGGTATGCTACAGGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAATCTTAATTTTAGGATGACGGAACCCTTTAATCCAGTCCATATGATGTCTTTTTCGGGAGCTAGGGGAAATGCATCTCAAGTACACCAATTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCGGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTGCCCATTCAAAGCAATTTACGCGAAGGACTGTCTTTAACAGAATATATAATTTCTTGCTATGGAGCCCGAAAAGGGGTTGTCGATACTGCTGTACGAACATCAGATGCTGGATATCTTACGCGGAGACTTGTTGAAGTAGTTCAACACATTGTTGTACGTAGAACAGATTGTGGCACCACCCGAGGGATCTCCGTGAGTCCTCGAAATGGGATGATGTCGGAAAGAATTTTTATTCAAACATTAATTGGTCGTGTATTAGCAGACAATATATATATGGGTACACGATGCATTGCCGTTCGAAATCAAGATATTGGGATTGGACTTGCCAATCGATTCATAACCTTTCGAACACAAACAATATCTATTCGAACTCCCTTTACCTGTAGGAGTACGTCTTGGATCTGTCGATTATGTTATGGTCGGAGTCCTACTCATGGCGATCTAGTGGAATTGGGAGAAGCCGTAGGTATTATTGCGGGTCAATCCATTGGAGAGCCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACGTTTCATACTGGCGGAGTATTCACGGGGGGTACTGCAGAACATGTACGAGCCCCCTCTAATGGAAAAATCAAATTTAATGGGGATTTGGTTCATCCGATACGTACACGTCATGGGCATCCTGCTTTTCTATGTTATATAGACTTGTATGTAACTATTGAGAGTCAAGATATTCTACATAACGTGACTATTCCACCAAAAAGTTTCCTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCCGAACAAGTGATTGCTGAAATTCGGGCGGGAACATACACTTTGAATTTTAAAGAGAAGGTTCGAAAACATATTTATTCCGATTCAGAAGGGGAAATGCACTGGAGTACTGATGTATACCACGCACCTGAGTTTACATATAGTAATGTCCATCTCTTACCAAAAACAAGTCATTTATGGATATTATCAGGAAGTTCGTGCAGATCCAGTATAGTTCCTTTTTCACTACACAAGGATCAAGATCAACTGAACGTTCATTCTCTTTCTGTCAAAAGAAGATATATTTCTAGTCCTTCCGTAAATAATGATCAAGTTAAACACAAATTCTTCAGTTCAGATTTTTCGGGTAAAAAAGAAAGTGGGATTCCTAATTATTCAGAACTTAATCGAATCATATGTACTGGTCATTGTAATCTCATATATTCTGCTATTCTCTACGAGAATTCTGATTTATTGGCAAAGAGGCGAAGAAATAAATTCATCATCCCATTCCAATCAATTCAAGAACGAGAGCGAGAGAAAGAACTAATGACCCACCCCGCTATCTCGATTGAAATACCTATAAATGGTATTTTCTGTAGAAATAGCGTTTTTGCTTATTTCGACGATCCCCAATACCGAAGAAAGAGTTCAGGAATTACTAAATATGGGGCTATAGGGGTGCATTCAATCGTCAAAAAAGAGGATTTGATTGAGTATCGGGGAGTCAAAGAATTTAAGCCAAAATACCAAATGAACGTGGATCGCTTTTTTTTCATTACCGAGGAAATGTATATTTTACCCGAATCTTCTTCCCTAATGGTACGGGACAATAGTATCATTGGAGTAGATACACAAATCGCTTTAAATACAAGAAGTCGAGTGGGCGGGTTGGTCCGAGTGGAGAGAAAAAAAAAAAAAATTGAACTTAAAATCTTTTCTGGAGATATTCATTTTCCGGGAGAGACAGATAAGATATCCCGACACAGTGGTATCTTGATACCACCAGGAACGGTAAAAACAAATGCTAAGGAATCAAAAAAAGTGAAAAATTGGATCTATATCCAACGAATCACACCTACCAAGAAAAAGTATTTTGTTTTGGTTCGACCAGTAATCATATATGAGATAGCGAACGGTATAAATTTAGAAACGCTTTTCCCCCAGGATCTGTTGCAGGAAAAAGATAATCTGAAACTTCGAGTTGTCAATTATATTCTTTATGGAAATGGTAAACCAAGTCGGGGAATTTATGACACAAGTATTCAATTAGTTCGTACTTGTTTAGTGTTGAATTGGGACCAAGACAAAAAAAGTTCTTCTATCGAAGAGGCCAGCGCCTCTTTTGTTGAAGTAAGCACAAATGGTCTGATTCGTGATTTCCTAAGAATCAACCTAGTGAAATCCCATATTTCATATATCAGTAGAAAAAGGAATGATCCATCGGGTTCAGGACCGATCTCTAATAATGGGTCAGATCGCATCAATATTAATCCATTTTATCCCATTTATTCCAAGACAAGGATTCAACAATCACTAAAAAAAAATCAAAGAACTATTAGTACGTTGTTGAATAGAAATAAGGAATGTCAATCTTTGATAATTTTATCATCATCTAATTGTTTTCGAATGGATCCATTCCGCGATGTAAAACATCACAATGGAATAAAAGAATCAATTAAAAGAGATCTTATAATTACAATTCGAAATTCATTGGGCCCTTTAGGAACAGCCCTTCAAATTGAGAATTTTTATTTATTTTACCATTTAATAATATTAATAACTCATAATCAGATCTCGGTAACTAAATATTTGAAACTTGACAATTTAAAACAGACTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGACGAAACCGGGCGAATTGTTAATCCTGATTCATGCAGTAACAGCGTTTTGAATCCATTCAATTTGAATTGGTATTTTCTCCATCATAATTATCACCATAATTTTTGTGAAGAAAGATTTACAATAATTAGTCTGGGACAGTTTATTTGTGAAAATGTATGTATGGCCAAAAACGGACCACATCTAAAATCGGGTCAAGTTCTAATTGTTCGCATGGACTCTGTAGTAATAAGATCAGCTAAACCTTATTTGGCCACTCCAGGAGCAACCGTTCATGGCCATTACGGAGAAATCCTTTACGAAGGAGATACATTAGTTACGTTTATATATGAAAAATCGAGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTGGAACAAGTGTTAGAAGTGCGTTCAGTTGATTCAATATCGATAAACCTAGAAAAGAGAGTTGAGGGTTGGAACGAGTGTATAACAAGAATTCTTGGAATTCCTTGGGGATTCTTGATTGGTGCTGAGCTAACTATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTGGTTAATAAGATCCAAAAGGTTTATCGATCTCAAGGGGTGCAGATCCACAATAGGCATATAGAAATTATTGTACGTCAAATAACATCAAAAGTCTTGGTTTCAGAAGACGGAATGTCTAATGTTTTTTCACCCGGAGAACTAATTGGATTGTTGCGAGCGGAACGAACGGGACGCGCTTTGGAAGAAGCCATCTGTTACCGAGCCATATTATCGGGAATAACGAGAGCATCTCTGAATACTCAAAGTTTCATATCCGAGGCCAGTTTTCAAGAAACTGCTCGCGTTTTAGCAAAAGCTGCTCTCCGCGGTCGTATCGATTGGTTGAAAGGCCTGAAAGAAAACGTTGTTCTAGGCGGTATGATACCCGTTGGTACCGGATTCAAAGGATTAGTCCAAGGCTCAAGGCAACATAATAGCATTTCTTTGAAAGCTAAAAAGACGAATTTCTTCGAGGGGGAATTTAGAAATAGAGATATTTTATTCCACCACAGAGAGTTATTTGATTCTTGCATTTCAAAAAATTTCTATGATACAGCAAAACAATCATTTATAGGATTTAATGATTCCTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371087.1\_52 [gene=rps2] [locus\_tag=CCM79\_pgp061] [db\_xref=GeneID:32891905] [protein=ribosomal protein S2] [protein\_id=YP\_009371087.1] [location=71657..72367] [gbkey=CDS]

ATGATAAGAAGATATTGGAACATTAATTTGGAAGAGATGATGAAAGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGAAAATGGAATCCGAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAGCGTAAAGGTATTCATATTACAAATCTTACTAGAACTGCTCGTTTTTTATCAGAAGCTTGTGATTTAGTTTTTGATGCAGCAAGTAGGAGAAAACAATTCTTAATTGTTGGTACCAAAAATAAAGCAGCGGATTCAGTAGCGCGGGCTGCAATAAGGGCTCGGTGTCATTATGTTAATAAAAAATGGCTTGGCGGTATTTTAACGAATTGGTCCACTACAGAAACTAGACTTCAAAAGTTCATGGACTTGAGAATGGAACAAAAGACAGGTAGACTCAACCGTCTTCCGAAAGGAGACGCAGCTCGATTGAAGAGACAGTTAGCTCACTTGCAAACATATCTGGGCGGAATTAAATATATGACGGGGTTACCGGATATTGTAATAATCGTTGATCAGCAAGAAGAACATACGGCTCTTCGGGAATGTATCACTTTGGGAATTCCAACGATTTGTTTAATTGATACAAACTGTGACCCGGATCTCGCAGATATTTCGATTCCAGCGAATGATGACGCTATAGCTTCAATCCGATTAATTCTTAATAAATTAGTATTTGCAATTTGTGAGGGTCGTTCTAGCTATATACGAAATCCCTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371088.1\_53 [gene=atpI] [locus\_tag=CCM79\_pgp060] [db\_xref=GeneID:32891906] [protein=AtpI] [protein\_id=YP\_009371088.1] [location=72616..73359] [gbkey=CDS]

ATGAATGTTCTATCATGTTCCACCAACACACTAAAAGGGTTATATGATATATCCGGTGTGGAAGTAGGCCAGCATTTCTATTGGAAAATCGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAGGTACTTATTACGTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTCAGCCATTGTAGCTGTTCGGAATCCACAAACCATTCCGACTGGCGGTCAGAATTTCTTCGAATATGTCCTTGAATTCATTCGAGATGTGAGCAAAACTCAGATTGGAGAGGAATATGGCCCATGGGTCCCCTTTATTGGGACTATGTTTCTATTTATTTTTGTTTCTAATTGGGCGGGGGCGCTTTTGCCTTGGAAGATCATAGAGTTACCTCATGGGGAGTTAGCCGCACCTACGAATGATATAAATACTACCGTTGCTTTAGCTTTACTTACGTCAATAGCATATTTTTATGCGGGCCTTAGTAAAAAAGGATTAAGTTATTTCAGTAAATACATTCAACCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATTTTAGAAGATTTCACAAAACCTTTATCACTTAGCTTTCGACTTTTCGGAAATATATTAGCAGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTTAGTGGTTCCTATACCTGTCATGTTCCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTATTTTTGCAACTTTAGCTGCGGCTTATATAGGCGAATCCATGGAGGGGCATCATTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371089.1\_54 [gene=atpH] [locus\_tag=CCM79\_pgp059] [db\_xref=GeneID:32891907] [protein=AtpH] [protein\_id=YP\_009371089.1] [location=74480..74725] [gbkey=CDS]

ATGAATCCATTGATTTCTGCCGCTTCCGTTATTGCTGCAGGGTTGGCTGTTGGGCTTGCTTCTATTGGACCTGGGGTTGGTCAAGGTACTGCCGCGGGCCAAGCTGTAGAAGGTATCGCAAGACAGCCCGAGGCGGAGGGAAAAATACGAGGTACTTTATTGCTTAGTCTGGCTTTTATGGAAGCTTTAACAATTTATGGACTGGTTGTAGCATTAGCACTTTTATTTGCAAATCCTTTTGTTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371090.1\_55 [gene=atpF] [locus\_tag=CCM79\_pgp058] [db\_xref=GeneID:32891908] [protein=AtpF] [protein\_id=YP\_009371090.1] [location=join(75117..75261,75975..76384)] [gbkey=CDS]

ATGAAAAACGTAACCGATTCTTTCGTTTCCTTGGGTCACTGGCCATCCGCCGGGAGTTTCGGGTTTAATACCGATATTTTAGCAACAAATCCAATAAATCTAAGTATAGTCCTTGGTGTATTAATTTTTTTTGGAAAGGGGGTGTTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAAAGGATTTTGGATACTATTCGAAATTCAGAAGAACTACGCGAGGGGGCCATTGAACAGCTGGAAAAAGCCCGGGCCCGCTTACGGAAAGTGGAAATAGAAGCAGATCAGTTTCGAATGAATGGATACTCTGAGATAGAACGAGAAAAATGGAATTTGATTAATTCAACTTATAAGACTTTAGAACAATTAGAAAATTATAAAAATGAAACCATTCATTTTGAACAACAAAGAACGATTAATCAAGTCCGACAACAGGTTTTTCAACAAGCCTTACAAGGGGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACCAACGAGTTACATTTACGTACCATCAATGCGAATCTTGGCATGTTTGGGGCGATAAAAGAAATAACGGATTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371091.1\_56 [gene=atpA] [locus\_tag=CCM79\_pgp057] [db\_xref=GeneID:32891909] [protein=AtpA] [protein\_id=YP\_009371091.1] [location=76442..77965] [gbkey=CDS]

ATGGTAACTATTCGAGCCGACGAGATTAGTAATATTATCCGCGAACGTATTGAACAATATAATAGGGAAGTAAAGATTGTAAATACCGGTACTGTACTTCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTCATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACAATAGGCATTGCTCTGAATTTGGAATCAAATAATGTCGGTGTTGTATTAATGGGTGGCGGTTTAATGATACAAGAGGGAAGCTCCGTAAAAGCAACAGGAAGAATTGCTCAGATACCGGTGAGTGAGGCTTATTTGGGTCGTGTTATAAATGCCTTGGCTAAACCTATTGACGGTCGCGGTGAAATTTCAGCTTCTGAATCTCGGTTAATTGAATCTCCCGCTCCAGGTATTATTTCTAGACGTTCCGTATATGAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCGATTGATTCGATGATTCCTATAGGACGTGGTCAACGAGAATTAATTATTGGGGATAGACAGACCGGTAAAACAGCAGTATCCACAGATACAATTCTCAATCAACAAGGGCAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGGCAAAAAGCGTCTTCTGTGGCTCAGGTAGTGACTACTTTACAGGAAAGACGAGCAATGGAGTACACTATTGTGGTAGCCGAAACGGCGGATTCTCCGGCTACATTACAATACCTCGCTCCTTATACAGGAGCAGCTCTGGCTGAATATTTTATGTACCGTGAACAACACACTTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCGCAGGCTTATCGCCAAATGTCTCTTCTATTACGAAGACCACCTGGTCGTGAAGCTTATCCAGGAGATGTCTTTTATTTGCATTCACGCCTTTTGGAAAGAGCCGCTAAATTAAGCTCTCGTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTCGAGACCCAATCAGGAGACGTTTCGGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACAGATGGACAAATATTCTTATCTGCGGATCTATTCAATGCTGGAATCAGGCCTGCTATTAATGTGGGTATTTCCGTTTCCAGAGTAGGATCTGCAGCTCAAATTAAAGCTATGAAACAAGTAGCTGGTAAGTTAAAATTGGAATTGGCGCAATTCGCAGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCTGATCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGATTACGCGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCAGCTCCTCTCACGGTGGAGGAACAGATAATGACTATTTATACCGGAACAACCGGTTATCTTGATTCATTAGAAATTGGACAAGTAAGGAAATTTCTCGTTGAGTTACGTACCTACTTAAAAACGAATAAACCTCAGTTCCGAGAAATCATATCTTCTACCAAAACATTCACCGAAGAAGCAGAAAGCCTTTTGAAAGAAGCTATTCAGGAACTGAAGGAGCGTTTTCTACTTCAGGAACAAGTATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371092.1\_57 [gene=psbI] [locus\_tag=CCM79\_pgp056] [db\_xref=GeneID:32891912] [protein=PsbI] [protein\_id=YP\_009371092.1] [location=complement(80562..80672)] [gbkey=CDS]

ATGCTTACTCTCAAACTCTTTGTTTACACAGTAGTGATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATCTTTGGATTTTTATCTAATGATCCAGGACGAAATCCTGGGCGTGAAGACTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371093.1\_58 [gene=psbK] [locus\_tag=CCM79\_pgp055] [db\_xref=GeneID:32891913] [protein=PsbK] [protein\_id=YP\_009371093.1] [location=complement(80893..81078)] [gbkey=CDS]

ATGCTTAATATTTTTAGTTTAATTTGCATCTGTCTTAATTCTGCTCTTTATTCAAGCAATTTTTTCTTCACAAAATTGCCCGAAGCCTACGCCTTTTTGAATCCAATCGTAGATGTTATGCCATTAATCCCTGTACTCTTTTTTCTATTAGCCTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGTTTTCGATGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371094.1\_59 [gene=matK] [locus\_tag=CCM79\_pgp053] [db\_xref=GeneID:32891917] [protein=maturase K] [protein\_id=YP\_009371094.1] [location=85238..86764] [gbkey=CDS]

ATGGAGGAAAGATATTTAGAACTAGATAGATCTCGAAAAAATGACTTCCTATACCCATTTATCTTTCGGGAGTATATTTATACATTTGCTCATAATCATAGTTTAAATAGATCTATTTTGTTGGAAAATGTAGGTTATGACAATAAATCTAGTTTATTAATTGTAAAACGTTTAATTACTCGAATGTATCAACAGAATCATTTGATTATTTCTGCTAATGATTCTAACCAAAATCCACTTTTTAGGTACAACAGGTATTTGTATTATCAAATGATATCAGAGAGCTTTGCTGTTATTGTGGAAATTCCACTTTCTCTAAGATTAGTATCTTCTTTAGAAAGGTCAAAGATAGTAAAATCTCATAAATTACGATCAATTCATTCAATATTTCCTTTTTTCGAGGACAAATTTCCACATTTAAATTATGTGTTAGATATATTAATACCTTACCCCATCCATCTAGAAAAATTAGTTCAAACCCTTCGCCATTGGATGAAAGATCCCTCTTCTTTGCATTTATTACGACTCTTTCTTCATGAGTATTGGAATTGGAACAGTCTTATTATTCCAAAGAAATCCCCAAAGAATTCTATTTCTGTTTTTACAAAAAGTAATCCAAGATTTTTCTTTTTCCTATATAATTCTCATGTATATGAATACGAATCAATCTTCTTTTTTCTCTGTAACCAATCCTTTCATTTACGATCAACATTTTCTCGAGTCCTTCTTGAACGAATTTCTTTCTATGGAAAAATAGAACATTTTTCAGAAGTCTTTGCTAATGATTTTCAGGCCATCCTAGGGTTGTTCAAGGATCCGTTCATGCATTATGTTAGATATCAAGGAAAATCCATTCTGGCTTCAAAAGATAGACCTCTTCTGATGAAAAAATGGAAATATTACCTTGTCAATTTATGTCAATGTCATTTTTATGTGTGGTTTCAACCAGAAAAGATCTATATAAATTCATTATCTAAGGGTCCTCTCCGCTTTTTGGGCTATCTTTCAAATGTAAAATTTAATCCTTCGGTGGTGCGGAGTCAAATGCTAGAAAATCCATTTATAATAAATAAAGATAATACTATGAAGAAACTCGATACAATAGTTCCAATTATTCCTTTGATTGGATCATTGGCAAAAACGAAATTTTGTAACGCAGTAGGACATCCCATTAGTAAACCGGTCTGGGCTGATTCATCGGATTCCGATATTATCGACCGATTTGTGCGTATATGCAGAAATCTTTCTCATTATTATAGTGGATCTTCAAAAAAAAAGAGTTTGTATCGAATAAAATATATACTTCGACTTTCTTGTGTTAAAACTTTGGCTCGTAAACACAAAAGTACTGTACGTGCTTTTTTGAAAAGATTAGGCTCGGAATTATTAGAAGAATTTTTTACGGAGGAAGAACAGATTCTTTCTTTGATCTTTCCGAGAGTTTCTTCTATTTCGCGCAGGTTATATAGAGGACGGGTTTGGTATTTGGATATTATTTCTATCAATGATTTTGCCAATCATGAATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371095.1\_60 [gene=psbA] [locus\_tag=CCM79\_pgp052] [db\_xref=GeneID:32891918] [protein=PsbA] [protein\_id=YP\_009371095.1] [location=87365..88426] [gbkey=CDS]

ATGACTGCAATTTTAGAGAGACGCGAAAGCGAAAGCCTATGGGGTCGTTTCTGTAACTGGATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTGGTGTTTTGATGATCCCTACTTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATCGCTTTCATTGCTGCCCCTCCGGTCGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTCTACTTTATGGAAACAATATTATTTCTGGTGCCATTATTCCTACTTCTGCGGCTATAGGTTTGCATTTTTACCCAATATGGGAAGCGGCATCTGTTGATGAATGGTTATACAATGGCGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCTTGTTACATGGGTCGTGAGTGGGAACTTAGTTTCCGCCTGGGTATGCGCCCTTGGATTGCTGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCGGCTACTGCTGTTTTCTTGATCTACCCAATCGGTCAAGGAAGCTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCTGGTACTTTCAACTTTATGATTGTATTCCAGGCCGAGCACAACATCCTTATGCACCCATTTCACATGTTAGGCGTAGCTGGTGTATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGTAACTTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAAACTTATAATATCGTAGCCGCTCATGGTTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTTACATTTCTTCTTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATTTGGTTCACTGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCCTTCAACCTAAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGATATTATTAACCGTGCTAACCTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCATAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTGTTGAAACTCCATCTATAAATGGATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371096.1\_61 [gene=rps19] [locus\_tag=CCM79\_pgp051] [db\_xref=GeneID:32891920] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_009371096.1] [location=complement(89141..89419)] [gbkey=CDS]

GTGGCACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAGTGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCATATGGTAGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTCTAAATTTCCGGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371097.1\_62 [gene=rpl2] [locus\_tag=CCM79\_pgp050] [db\_xref=GeneID:32891921] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_009371097.1] [location=complement(join(89488..89958,90588..90980))] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371098.1\_63 [gene=rpl23] [locus\_tag=CCM79\_pgp049] [db\_xref=GeneID:32891922] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_009371098.1] [location=complement(90999..91280)] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCCACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371099.1\_64 [gene=ycf2] [locus\_tag=CCM79\_pgp048] [db\_xref=GeneID:32891924] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_009371099.1] [location=91600..98505] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTGCTATTTGTAGTAGTGGTTCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACGAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCCAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTTTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCCGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGGGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGACTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCGTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTGCCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAACTGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGAAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCTCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCATATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTTGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCCCTTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTAATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACCTATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCACGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTACTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTTTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTAAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTATTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGCTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGCTAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGCTAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCATGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAAGAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCGAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGAGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCGCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAAGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAACGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGGTTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCGGTTCCTATCTAATGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371100.1\_65 [gene=ndhB] [locus\_tag=CCM79\_pgp046] [db\_xref=GeneID:32891926] [protein=NdhB] [protein\_id=YP\_009371100.1] [location=complement(join(100211..100966,101649..102425))] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGTCACTCGACTTTTTGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTTTTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGGTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371101.1\_66 [gene=rps7] [locus\_tag=CCM79\_pgp045] [db\_xref=GeneID:32891927] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_009371101.1] [location=complement(102736..103203)] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTATTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGGCGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371102.1\_67 [gene=ycf1] [locus\_tag=CCM79\_pgp043] [db\_xref=GeneID:32891938] [protein=Ycf1] [protein\_id=YP\_009371102.1] [location=114730..120411] [gbkey=CDS]

ATGATTTTGAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGGCCCTCTTATTTCTTCCTTCTTCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTTATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTGGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAACAATTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCGCCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCCTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGGCAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGATAAAAAAAATAAAGATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAAAGAAATGTCACAATATTTATTTTATACATGTCGAAGTGATGGAAAAGAAAGAATATCTTTTACATATCCACCCAGTTTGTCAACTTTTTTGGAAATGATACAAAAAAAAATGTCTCTGTTCACAACCGAAAAACTATCCTCTGATGAATTGTATAATAATTGGAATTCTAAAAATGAACAAAAAAAGAAAAACCTAAGTAATGAATTTCGAAAAAGAGTCCAGACTCTAGATAAGGAATATCTTACTCTGAATACACTCGAAAAAAGGACTAGATTGTGTAATGATAAAACTAAAAAAGAGTACTTACCTAAAACATATGATCCCTTATTGAGTGGGTCCTACCGTGGTAAAATCAATTTTTTTTTTTCACCCTCAATTTTAAAGAAAACTTCTATAAAAAATTCCATAGAAAAGGTTCGGATAAATAAAATTCATCTTTTTCTTTTTATTCTTATTACAAATTATCAAGAATTTAAACCAAAAATGGATGTAAAATCAATTTCAGCAGAAATTGCTTATTTCTTAAACTTAATTAATGAATTTGCTCGAAAATCAAGATCGAGTTTAAATTTTAAGGGACTCCCCTTTTTTCCAGATCACAAAGAAGAAAAAATGGATATGGATTCAGAAAATCGAATAAAAATTTTCAAATTTTTATTTGATATAGTTATCGCGAATCCAAAAAATAAAACAATTAGAAATAATTCTATTGGAATAAAAGAAATAAGTAAACAAATTCCTCGATGGTCATATAAATTAATTGATGATTTGGAACAACAAGAGGGAGAAAATGAAGAAAACATGGCGGAAGATCATGAAATTCGTTCACGAAAAGCCAAACGTGTAGTGATTTTTACTGATAATCAACAAAATACTGATACTTATAATAATACCAAGGATACAACAAATTCGGATCAAATAGACGAAGTGACTTTGATACGTTATTCACAACAATCAGACTTTCGTCGAGACATAATAAAAGGATCCATGCGAGCACAAAGACGCAAAACCCCTATTTTGGAACTGTTTCAAGCAAATGTGCATTCTCCCCTTTTTTTGGACAGAATAGACAAATCTCTTTTTTTTTCTTTTGGTATTTCCGAATTGATGAAAACAATATTTATAAATTGGATGTGTAAAAACGCAGAATTCACAATTTCGGATTATACTTATACAGAGAAAAAAACAAAAGAAAGTAAGAAAAAAGAAGAGGACAAAAGAGAAGACGACAAAAGAGAAGACGACAAAAGAGAGGAAACAACTCGGATAGAAATAGCCGAAGCCTGGGATAGCATTCTTTTTGCTCAAGTAATAAGAGGTTGTGTTTTAGTAACCCAATCGATCCTTAGAAAATATATTATATTACCCTCATTAATAATAACTAAAAATATAATTCGTATACTATTTTTTCAAATTCCCGAATGGTCCGAGGATTTAAAAGATTGGAGTAGAGAAATGCATGTTAAATGCACCTATAACGGAGTTCAATTATCAGAAAAAGAATTTCCGAAAAACTGGTTAACAGACGGGATTCAAATAAAGATCCTATTTCCTTTTCGTCTAAAACCTTGGCACAGATCTAGGTTAAAATTCCCTCACAAAGATCAAATGAAAAAGAAAACACAAAAAAATGATTTTTGTTTTTTAACGGTTTGGGGAATGGAAGCTGAACTGCCTTTTTGTTCTCCCCGAAAACGGCTTTCCCTCTTTGAACCTATCTTTAAAAAACTCGAAAAAAAAATTAGAAAAATGAAAAAAAAAAGTTTTCGAGTTATAACAATTTTAGAAGAAAGAAGAAAATCTTTTCTAAAATTATCAAAAGAAAAAAAAAACCGGGTCATCAAAAACATTTTTTTTCGAAAAGAAATAATAAACAAACTTTCAAACTCAAAAAGAAATCCAATTTTATTATCTGGATTTAGAAAAGTATATGAATTGGTGGATGAAACTAAAAAAGATTCGACAATCAATAAAAATAACGGGACGATTCAGAAATTGTCTACCCCAATTCGATCTACGGCTTGGATAAATTATTCATTGACAGAAAAAAAAATGAAAGATCTTTCTTCTAGAAGAAAGATAATCATAAATCAAATAGAAAAAATTACAAAAGAAAAGGAAACTAAAATTAGAACCTCGGAAAGAAATATTAGTCCTAACAAAATAAGTTATAATGGTAAAAATTTAAAATCATCAAAAAATCTTCCACGGATATTAAAAAGAAGGAATGCTCGATTAGCGCGTAAATTCTATTTTTTTATAAAAATTTTGATTCAAAAGATATACATAGATATCTTTTTAGGTATCATTAATATTCCGAGGATCAATGCACAGTTTTTTCTTGAATCAACAAAAAAAAAAATTTCTGAATACATTTACAATAATGAAAAAAATCACAAAAAAATTGATAAAACAAACCAAAATACAATTCACTTTATTTCGATTATAAAACAGTCACTTAATAATAGTAATATTTCTATTATTAATAAGAATTCACAGTGTGATATATCCTCCTTGTCACAAGCATATGTATTTTACAAATTATCACAAATTAAAATTATTAACTTATATAAGTTAAGATCTATCCTTCAATATCATGGCCTTTTTCTTAAGAATGAAATAAAGGATTCTTTTAAAGACCAAGGATTATTTAATTCCGAATTAAAAGATAAAAATTTTAGAAATTTTGTAATGGATCAATGGAAAAGCTGGTTAAGGAGTCATTATCAATATAAATACGATTTAGCCCAAATTAGATGGTCTAGATTAATACCAAAAAAATGGCGAAATAGAACCAAGCAACACCATATGGTTCGAAATAAAAAGTGGAATTTATATGAAAAAGACCAATTAATTCATTACGAAAAAGAAAATGATTTTGAGGCAGACTCATTACCAAATCAAAAAGATAATTTCAAAAAACACTATAGATATAATCTTTTATCATATAAATCTATTAATTATGAAAAAAAGAAGGACTCATATATTTACGGATCCCTAGTACAAGTAAATAATAAACAAGAGATTTCTTATAATTACAACACAAATAAAAGAAAACTATTCGAAATATTAGAAGGTATTCCTATCAATAATTATCTAGCGGAAGATGATATTATTGATATGGAGAAAAGACCGGATAGAAAATATTTTGATTGGAGAATTCTCAATTTTTGTCTTAGAAAGAAGGTCGATATTGAGTCCTGGATCGATATCGGAAGCAAAGATAAAAAAAATACTAAAACTAGGACTAATAAGTATCAAATAATTGATAAAATTGATAAGAAAAGTCTTTTTTTTCTTACAATTCACCAAGATCAAGAAGTCAATTCATCCAATCAAAAAAAAAACCTTTTTGATTGGATGGGAATGAATGAAGAAATACAAAATCGTCTCGTATCAAATTTTGAACTTTGGTTCTTGCAAAAATTTGTGATACTTTATAACACATATAAGATAAAACCGTGGGTGATACCCATCCAATTTCTTCTTTTCAATTTTCATCGAAATGAAAATATTAGTAAAAATAAGAAAATCAAGGGGAAGAAAAATGGCGATCTTTTTCTATCTATATCCTCGAATGAAAAAAAATTCATTGAATTAGAGAATCGAAATCACGAAGAAAAAGAATCCGAAGACCAAATGGACTTTGGATCAGTTTTCGCAAATCAAGAAAAAGATATTGAAGAAGATTATATGGGATTAGATATGAAAAAACATAGAAATAAAAAACAAAACAAAAGTCATACGGAAGTAGAGCTTGATTTCTTCCTAAAACGATATTTATGTTTTCAATTAAGATGGAATGGTTCTTTAAATCAAAAAATAATCAATAATATCAAAGTCTATTGTCTTCTGCTTAGACTGACAAATCCACGAGAAATTCTTATATCTTCTATTCAAAGGCAAGAAATAAGTCTGAGTATTCTGATGGTTCAGAAAGATTTAACTCTTACAGAATTGATGAAAAAGGGGATATTAATTATCGAACCTCTTCGTCTGTCAGTAAAAAATGATGGCCCATTTTTTTTGTATCAAACGGTAGGTATCCTATTAGTTCATAAGAACAAACAACAAATTAATCAAAAATACAGAGAAAAAATCTATGTTGATAAAAAGAATTTTATCGAATCTATTGAAAGACATCAAAGTCTAATTGGAAATAGAGACAAAAAAGATTATGATTTACTTGTTCCTGAAAATATTTTATCCCCTAAACGTCGTAGAGAATTAAGAATTCTAACTTCTTTCAATTTTAAAAATCAAAACGATATTCATATAAATACAGAAATTTTCAATGGTAATAACAGTGGTTCCATTTTGGATAAAAGAAAACATTTTGATAGAGATAAAAATAAACTAATTAAATTAAAAATTGTTATTTGGCCCAATTTTCGACTAGAAGATTTAGCTTGTATGAATCGTTATTGGTTCGATACTAACAATGCCAGTCGTTTCAGTATGGTAAGAATATATATATATCCACAGTTGAAATTTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371103.1\_68 [gene=rps15] [locus\_tag=CCM79\_pgp042] [db\_xref=GeneID:32891939] [protein=ribosomal protein S15] [protein\_id=YP\_009371103.1] [location=120829..121101] [gbkey=CDS]

ATGGTAAAAAATTCATGCATTTCCGTTATTTCACAAGAAAAAAAAGACGAAAATAAGGGATCTGCTGAATTTCAAATAGTAAGTTTCACTAAGAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGCATAGAAAAGACTATTTATCCCAGAGAGGTTTGCGAAAAATTCTAGGAAAACGTCAACGATTGCTATCTTATTTAGCAAAGAAAAATAGAATACATTATAAAGAATTAATTAGCCGGTTGGATATTCGGGAGTCAAAAACTCGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371104.1\_69 [gene=ndhH] [locus\_tag=CCM79\_pgp041] [db\_xref=GeneID:32891940] [protein=NdhH] [protein\_id=YP\_009371104.1] [location=121199..122380] [gbkey=CDS]

ATGAATGTACCAGCTACACGAAAAGACCTTATGATAGTCAATATGGGTCCCCATCACCCATCAATGCACGGTGTTCTTCGACTCATCGTTACTTTAGACGGTGAAGATGTTGTTGACTGTGAACCAATATTAGGTTATTTACACAGAGGAATGGAAAAAATTGCGGAAAATCGAACAATTATACAATATTTGCCCTATGTAACACGTTGGGATTATTTGGCTACTATGTTCACCGAAGCAATAACAGTAAATGGTCCAGAACTGTTAGGAAATATTCAAGTACCTAAAAGAGCTGGTTATATCAGAGTAATTATGTTGGAATTGAGTCGTATAGCTTCTCATTTGTTATGGCTTGGCCCTTTTATGGCAGATATTGGGGCACAAACCCCTTTCTTCTATATTTTTAGAGAGAGAGAGTTAGTATATGATTTATTCGAAGCTGCCACTGGTATGAGAATGATGCATAATTATTTTCGTATCGGGGGGGTAGCGGCTGATCTACCTCATGGCTGGATAGATAAATGTTTGGATTTTTGCGATTATTTTTTAACAGGAGTTGCTGAATATCAAAAACTTATTACGCGAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAAGGAGTAGGTATTCTTGGTACCGAAGAAGCAATAAATTGGGGGTTATCGGGACCAATGCTACGAGCTTCTGGAGTACAATGGGATCTTCGTAAAGTTGATCATTATGAGTGTTACGACGAATTTGATTGGGAAGTCCAGTGGCAAAAAGAAGGAGATTCATTAGCTCGTTATTTAGTCCGAATTGGGGAAATGATGGAATCTATAAAAATTATTCAACAGGCTCTGGAAGGAATTCCGGGGGGGCCCTATGAAAATTTAGAAACCCGACGTTTTGATAAAGAAAGGGGTCCAGAATGGAACGATTTCGAATATCGATTCGTTAGTAAAAAAACTTCTCCTACTTTTGAATTACCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCCCCAAAAGGAGAATTGGGAACTTTTCTGATAGGGGATCAGAGCGGGTTTCCTTGGAGATGGAAAATTCGCCCGCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATTCTTCCTGAATTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCCGATATTATGACAATACTAGGTAGTATAGATATCATTATGGGAGAAGTTGATCGTTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371105.1\_70 [gene=ndhA] [locus\_tag=CCM79\_pgp040] [db\_xref=GeneID:32891941] [protein=NdhA] [protein\_id=YP\_009371105.1] [location=join(122382..122934,124054..124592)] [gbkey=CDS]

ATGATAATTGATACAACAGAAGTACAAGCTATCAATTCTTTTTCTAGATTAGAATCCTTAAACGAGGTCTGTGGAATTATATGGGTGTTTGTCCCTATTTTGAGTCTTGTATTGGGAATCACGATAGGCATACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCTGCAGGGATACAACAACGTATTGGACCCGAATATGCCGGTCCTTTAGGAGTTCTTCAAGCTCTAGCAGATGGAACAAAACTACTTTTCAAAGAGAATCTTTTTCCATCTAGGGGGGATACTCGTTTATTCAGTATCGGACCATCCATAGCAGTCATATCAACTCTATTAAGCTATTCAGTAATTCCTTTTGGCTATCACTTTGTATTAACTGATCTAAATATGGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTATTGCTCCCATTGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCAAATAATAAATATTCCTTTTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCAATTAGTTATGAAATACCTTTAACTCTTTGTGTGTTATCCATATCTCTACTATCTAACAGTTCAAGTACAGTTGATATAGTTGAGGCACAATCAAAATCTGGTTTTTGGGGGTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGATTTCTCATTTTTTTTATTTCTTCTCTAGCAGAATGCGAAAGATTACCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCAGGTTATCAAACCGAATATTCGGGTATCAAATTTGGTTTATTTTATATTGCTTCCTATCTAAACTTATTAGTTTCTTCATTATTTGTAACAGTTCTTTACTTGGGGGGTTGGAATATTTCTATTCCGTATATATTCGTTCCTGAGCTTTTTGAAATAAATAAAATAGGTGGAATTTTTGGAACAACAATTGGTATCTTTATTACATTGGTTAAAACTTATTTGTTCTTGTTCATTCCTATTTCAACAAGATGGACTTTACCTAGACTAAGAATGGACCAACTTTTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATTTCTCTCGGTAATTTATTATTAACAACCTCTTTCCAACTCCTTTCACTATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371106.1\_71 [gene=ndhI] [locus\_tag=CCM79\_pgp039] [db\_xref=GeneID:32891942] [protein=NdhI] [protein\_id=YP\_009371106.1] [location=124690..125190] [gbkey=CDS]

ATGTTTCCCACGGTAACTGGGTTCATGAATTATGGGCAACAAACCATACGAGCTGCAAGGTACATTGGTCAAAGTTTCATAGTTACCTTATCCCATGCAAACCGTTTACCTGTAACTATTCAATATCCTTATGAAAAATTAATCACATCGGAGCGTTTCCGCGGTCGAATCCATTTTGAATTTGATAAATGCATTGCTTGTGAAGTATGTGTTCGTGTATGTCCTATAGATCTACCTGTTGTTGATTGGCAATTGGAAACTGACATTCGAAAGAAACGGTTGCTTAATTACAGTATTGACTTTGGAATCTGTATATTTTGTGGCAACTGTGTTGAGTATTGTCCAACAAATTGTTTATCAATGACTGAAGAATATGAACTTTCTACTTATGATCGTCACGAATTGAATTATAAGCAAATTGCTTTAGGTCGTTTACCAATGTCAGTAGTTGACGATTATACAATTCGAACAATTTTGAATTCAACTCAAAAAAATAGGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371107.1\_72 [gene=ndhG] [locus\_tag=CCM79\_pgp038] [db\_xref=GeneID:32891943] [protein=NdhG] [protein\_id=YP\_009371107.1] [location=125594..126124] [gbkey=CDS]

ATGGATTTGCCTGGACTAATACATGATTTTCTTTTAGTCTTTCTGGGATTAGGTCTTATATTAGGGGGTCTGGGAGTGGTATTACTTACCAACCCAATTTATTCTGCCCTTTCGTTGGGATTCGTTCTTGTTTGTATATCTTTATTCTATATTTTATCAAACTCTCATTTTGTAGCTGCTGCACAGCTCCTTATTTATGTGGGAGCTATAAATGTTTTAATTCTATTTGCCGTGATGTTCATGAATGGTTCAGAATATTACAAAGATTTTAATCTTTGGACTGTTGGAAACGGGGTTACTTCCGTAGTTTGTACAAGCATTTTTGTTTCACTAATTACTATTATTCCAGATACGTCATGGTACGGGATTATTTGGACTACAAGAACAAATCAGATTCTAGAACAAGATTTGATAAGTAATGGTCAACAAATTGGAATTCATTTATCAACAGATTTTTTTCTTCCATTTGAATTCATTTCAATAATTCTTTTAATTGCTTTGATAGGTGCGATTGCTGTGGCTCGTCAGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371108.1\_73 [gene=ndhE] [locus\_tag=CCM79\_pgp037] [db\_xref=GeneID:32891944] [protein=NdhE] [protein\_id=YP\_009371108.1] [location=126349..126654] [gbkey=CDS]

ATGATGCTCGAACATGTACTTGTTTTGAGTGCCTATTTATTTTCTATCGGTATCTATGGGTTGATCACGAGTCGAAATATGGTTAGAGCCCTTATGTGTCTTGAACTTATACTGAATGCAGTTAATATAAATTTTGTAACCTTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGTCAATTAAAAGGAAATATTTTTTCAATTTTTGTTATAGCTATCGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGACTGGCTATTGTTTCGTCAATTTATCGTAACAGAAAATCAACCCGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371109.1\_74 [gene=psaC] [locus\_tag=CCM79\_pgp036] [db\_xref=GeneID:32891945] [protein=PsaC] [protein\_id=YP\_009371109.1] [location=126907..127152] [gbkey=CDS]

ATGTCACATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCCTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGATGGATGTAAATCTAAGCAAATTGCTTCTGCTCCAAGAACAGAGGACTGCGTGGGTTGTAAGAGATGTGAATCCGCCTGTCCGACAGATTTCTTGAGTGTTCGAGTTTATTTATGGCATGAAACAACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371110.1\_75 [gene=ndhD] [locus\_tag=CCM79\_pgp035] [db\_xref=GeneID:32891946] [protein=NdhD] [exception=RNA editing] [protein\_id=YP\_009371110.1] [location=127303..128805] [gbkey=CDS]

ACGAATTCTTTTCCTTGGTTAACAACATTTGTAGTTTTTCCGATATCCGCGGGTTCTTTAATTTTCCTTTTGCCTTATAGAGGAAATAAGATAATTCGGTGGTATACTTTATGTATATGCGCCTTAGAGCTCCTTTTAATGACTTATGCGTTCTCTTATTATTTCCAATTGGACGATCCATTAATCCAATTAACAGAAGATTATAAATGGATCCAATTTTTTGATTTTTACTGGAGACTGGGAATAGATGGCTTTTCTTTAGGACCTATTTTACTGACAGGATTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTCGGCCAATTACTCGGGATTCCCAATTATTCCATTTTCTGATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTTCTCAAGATCTTTTACTTTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATTGATGTGGGGGGGAAAGAAACGTCTGTATTCAGCTACAAAGTTTATTTTGTATACTGCAGGGGGTTCCATTTTTTTATTAATGGGAGCTTTAGGTATCGCTTTATATGGCTCCAATGAACCAAGATTCCATTTTGAAACATCAGTCAATCAATCATATCCTGTGGCGCTAGAAATATTTTTCTATATTGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATTGCCGATTATACCCTTACATACGTGGTTACCAGACACCCATGGGGAAGCGCATTACAGTACTTGTATGCTTCTAGCCGGAATCTTATTAAAAATGGGGGCGTATGGGTTGGTTCGAATCAATATGGAATTATTACCCCACGCTCATTCTATCTTTTCTCCCTGGTTGATAATAATAGGCGTAATACAAATAATCTATGCAGCTTCAACATCTCCCGGTCAACGAAATTTTAAAAAAAGAATAGCCTATTCTTCTGTATCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGGATTTGCTCTATAAGTGATATGGGACTCAATGGAGCTATTTTACAAATCATATCACATGGATTTATCGGCGCTGCACTTTTTTTCTTGGCAGGAACGGGTTATGATAGAATACGTCGTGTTTATCTTGACGAAATGGGCGGAATGGCTACCCCAATGCCAAAAATATTCACGACATTCAGTATCTTATCACTAGCTTCCCTTGCATTACCGGGCATGAGCGGTTTTTTTGCGGAATTGATAGTCTTTTTTGGAATAATTACCGGCCAAAAATATCTTTTAATGTCAAAAATATTAATTACTTTTGTAATGGCGGTTGGAATGATATTAACTCCTATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTTCTATGGATACAAGCTGTTTAATGCCCCAAACTCTTATTTTTTTGATTCTGGACCGCGGGAGTTATTTGTTTCGATTGCTATCCTTCTGCCTGTAATAGGTATTGGTATTTATCCGGATTTCGTTTTCTCATTATCAATTGACAGAGTCGAATCTATTCTATCTAATTATTTTTATAGATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371111.1\_76 [gene=ccsA] [locus\_tag=CCM79\_pgp034] [db\_xref=GeneID:32891947] [protein=CcsA] [protein\_id=YP\_009371111.1] [location=complement(129075..130049)] [gbkey=CDS]

ATGATATTTTCGACTTTAGAACATATATTAACTCATATATCTTTTTCAGTCGTGTCAATTGTAATTACAATTCATTTGATAACCTTATTTGGTGATGAATTCGTAGAACTATATGATTCGTCAGAAAAGGGCATGATAATTACTTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTTTTGGGGGACATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTAATCTTTCTTTCATGGGCTTTTTCCATTATTCATATGGTTCCGTATTTTAAAAAACAAAAAAATTATTTAAGCGCAATAACCGCGCCAAGTACTTTTTTTACCCAAGGGTTTGCTACTTCAGGTCTTTTAACTGACATGCATCACTCCGAAATCTTAGTGCCTGCTCTTCAATCCCAGTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGATATTGGGCTATGCAGCTCTTTTGTGTGGATCATTATTATCAGTAGCATTTCTAGTAATCACATTTCGAAAAATCATAAGAATTGTTGATAAAAACAATAATTTATTAAATGATTCATTTTCCTTTAGTGAGATACAATATATGACGGAAAGAAAGAATGTTTTAAGAAATATTTCTTTTCTTTCTTCTACTTCTAGGAATTATTACAAGTTTCAATTGATTCAACAATTAGATGACTGGGGTTATCATATTATAAGTATAGGATTTATCTTTTTAACCATGGGTATTCTTTCGGGAGCAGTCTGGGCTAATGAAGCGTGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAGGAAACTTGGGCATTTATTACGTGGACCATATTCGCGATTTATTTTCATACTCGAACAAATAAAAATTGGGAGGGTTTAAATTCCGCAATTGTTTCTTCTATCGGTTTTCTTATAATTTGGATATGTTATTTTGGCGTTAATTTATTAGGAATAGGATTGCATAGTTATGGTTCATTTACATTAACAATTAACATCTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371112.1\_77 [gene=rpl32] [locus\_tag=CCM79\_pgp033] [db\_xref=GeneID:32891949] [protein=ribosomal protein L32] [protein\_id=YP\_009371112.1] [location=complement(131058..131219)] [gbkey=CDS]

ATGGCAGTTCCAAAAAAGCGTACTTCTATATCCAAAAAGCGTATTCGAAAAAATATTTGGAAAAAGAAGGGATATTGGGTAGTATTGAAAGCTTTTTCATTAGCGAAATCCCTTTCTACAGGTAATTCAAAAAGTTTTTTTGTGCGACAAATAAAAAATTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371113.1\_78 [gene=ndhF] [locus\_tag=CCM79\_pgp032] [db\_xref=GeneID:32891950] [protein=NdhF] [protein\_id=YP\_009371113.1] [location=132186..134435] [gbkey=CDS]

ATGGAACATATATATCAATATTCATGGATCATACTTTTCGTTACATTCCCAGTCCCTATGTTAATAGGAGCGGGACTCCTATTTTTTCCGGCAGCAACAAAAAAACTTCGTCGTATGTGGGCTTTTCCAAGCATTTTTTTGTTAAGTATAGTCATGATTTTTTCAATCGATCTGTCTATTCAGCAAATAAATAGCAGTTTTATTTATCAATATATATGGTCATGGACTATCAATAACGATTTTTCTTTAGAGTTCGGACACTTGATTGACCCCCTTACTTCTATTTTGGTAGTATTAATTACTACAGTTGGAATTTTGGTTCTTTTTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGCTATTTGAGATTTTTTGCTTATATGAGTTTTTTCAATACTTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGCTCTAATTTGATACAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTTTTGGTTCATACGACCTATTGCATCGAATGCTTGTCAAAAAGCGTTTGTAACTAATCGTGTAGGGGATTTTGGTTTATTATTAGGAATTTTAGGTTTTTATTGGATAACAGGCAGTTTCGAATTTCGGGATTTGTTTAAAATATTCAATAACCTAGTTTATAATAATCAGGTTAATTTTTTATTTGTTACTTTGTGTGCCTTTCTATTATTTTCCGGCGCAATTGCGAAATCGGCGCAATTTCCTCTTCATGTATGGTTACCGGATGCCATGGAAGGGCCTACTCCTATTTCGGCTCTGATACATGCTGCTACTATGGTAGCGGCGGGAATTTTTCTTGTAGCTCGACTTTTTCCTCTTTTCGTAGTCCTACCTTACATAATGAATCTAATTGCTTTGATAGGTATAATAACAGTGTTTTTAGGAGCTACTTTAGCTCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGTTATATGATGTTAGCTCTAGGTATGGGGTCTTATCGAGTCGCTTTATTTCATTTGATTACTCATGCCTATTCGAAAGCATTGTTGTTTTTAGGGTCTGGATCCATTATTCATTCAATGGAAGCTATTGTTGGTTATTCTCCAGATAAGAGTCAAAATATGGTTCTGATGGGTGGTTTAACAAAACATACTCCAATTACAAAAACTGCTTTTTTATTAGGAACGCTTTCTCTTTGTGGTATTCCACCTTTCGCTTGTTTTTGGTCCAAAGATGAAATTCTTAATGATAGTTGGTTGTATTCACCTATTTTCGCAATAATAGCTTGTTTCACAGCAGGATTAACTGCATTTTATATGTTTCGGGTTTATTTACTTACTTTTGAAGGACATTTAAATGTTCATTTTCAAAATTACAAAAACAGTTCATTTTATTCAATATCTTTATGGGGTAAAGAAGAATCAAAAATGCTTAACAAAAATTTTCGTTTATTACCTTTATTAACTAATAATGAAAGGGCTTCTTTTTTTTGGAAGAACACATACAAAATTGATGGTAATGTAAGAAATATGACATGGCCTTTTATTACTATTAAAAATTTAAATACTAAAAGGGTTTTTTCCTATCCCCATGAATCGGATAATACTATGTTATTTCCTATGCTTGTTTTGGTACTATTTACTTTGTTTATTGGAGCCGTAGGAATTCCTTTCAATCAATTCAATCAAGTCAATCAAGAAGGCATGCAGTTGGATATATTGTCAAAACTGTTAACTCCGTCTTTAAACCTTTTGCACCAAAATCAAAATGATTCTGTGGATTGGTATGAATTTGTAACAAATGCAATTTTTTCGGTCAGTATAGCTTTTGGGGGGATATTTATAGCGTCTTCTTTATATAAGCCCGTTTATTCATTGTTACAAAATTTAAATTTCTTTAATTCGTTCGCTAAAAAAGGTCCTAAGAGAATTCTTTGGGACAAAATAATAAATGTGATATATAATTGGTCCTATAATCGAGGTTACATAGATGCTTTTTATGCAATATCTTTTATTGGGGGTATAAGAAAATTAGCCGAATTAATTCATTTTTTTGATAAACGAATAATTGATGGAATTCTCAATGGAGTCGGTGTTACTAGTTTCTTTGTAGGAGAGGGTATAAAATCTGTAGGAAGCGGTCGCATCTCTTCTTATCTCTTATTGTATTTATTTTGTACATTAATCTTTTTATTAATTTACTACTTTATTTTCTTTTTTTTCTATTTGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371114.1\_79 [gene=ycf1] [locus\_tag=CCM79\_pgp031] [db\_xref=GeneID:32891951] [protein=Ycf1] [protein\_id=YP\_009371114.1] [location=complement(134696..135931)] [gbkey=CDS]

ATGATTTTGAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCTATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATGGGGCCCTCTTATTTCTTCCTTCTTCGAGCTCGGGTTATAGAAGAAGGAGAAGAAGGAACTGAGAAGAAGGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCCTATCTTTTGTTTTATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAAATTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATTTGTATTCCTGAATAATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTCATTTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTATATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTGGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTGGATACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAATGTACTTTTTCGATCTAATAAGTACCTTGTGTCAGAATTGAGAAATTCTATGGCTCGAATCTTTAGTATTCTCTTATTTATTACCTGTGTCTACTCTTTAGGCAGAATACCGTCACCCATTTTTACTAAGAAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAAGAAAGGGAGGAAGAAACAGATGTAGAAATAGAAACAATTTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCGCCGAAGAAGATCCTTCTTCTTCCCCTTTTTCGGAAGAAAAGGAGGATCCGGGCAAAATCGACGAAACGGAAGAGATCCAAGTGAATGGAAAGGAAAAAACAAAGGATGAATTCCATTTTCACTTTAAAGAGACATGCTATAAAAATAGACCACTTTATGAAACTTTTTATCTGGATGGGAATCAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATATTGATAGATAAAAAAAATAAAGATCTTTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTAACTATTCTTTTTGACTCTAAACGTTGGAATCGTCCATTTCGATATATAAAAAATGATCAGTTTGAGAATGCTGTAAGAAAAGAAATGTCACAATATTTATTTTATACATGTCGAAGTGTAATATATAAATAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371115.1\_80 [gene=rps7] [locus\_tag=CCM79\_pgp029] [db\_xref=GeneID:32891962] [protein=ribosomal protein S7] [protein\_id=YP\_009371115.1] [location=147458..147925] [gbkey=CDS]

ATGTCACGTCGAGGTATTGCAGAAGAAAAAACTGCAAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAAACACGGAAAAAAATCATTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAACAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAAGCAAGGCGTGTAGGCGGATCGACTCATCAAGTTCCCATTGAAATAGGATCCACACAAGGAAAAGCACTTGCCATTCGTTGGTTATTAGGGGCATCCCGAAAACGTCCGGGTCGAAATATGGCTTTCAAATTAAGTTCCGAATTAGTGGATGCTGCCAAAGGGAGTGGTGATGCCATACGCAAAAAGGAAGAGACTCATAGAATGGCAGAGGCAAATAGAGCTTTTGCACATTTTCGTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371116.1\_81 [gene=ndhB] [locus\_tag=CCM79\_pgp028] [db\_xref=GeneID:32891963] [protein=NdhB] [protein\_id=YP\_009371116.1] [location=join(148236..149012,149695..150450)] [gbkey=CDS]

ATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACTTCATTCTCGATTCTACGAGAATTTTTATGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTTCCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTCAACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTCATCTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGTATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTCTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTTATGCGGTGCTAACGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCCAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTACGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGCTCTTCTATTCTGGTTCATGCTTTCTCTTGGCTATATGGTTCGTCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTGAATGGCCTTATCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCCAGCCCCTTCTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTCAGCTTCAGTCACTCGACTTTTTGATATTCCTTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTTTTCTGAGCATGATAGTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATATTCGTCCATAGGTCAAATCGGATATGTAATTATTGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATCTCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGTATTGTATTATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACACGAAAGATCCTTTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCCTAGGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGGTTTTTCGGAAAACTCCATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTTTAATAGGACTCCTTACGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTAAAAATAATCAAGTTATTAATGACTGGACGAAACCAAGAAATAACCCCTCACGTGCGAAATTATAGAAGATCCCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACCAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAAGATACCCTTTTTTAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371117.1\_82 [gene=ycf2] [locus\_tag=CCM79\_pgp026] [db\_xref=GeneID:32891966] [protein=Ycf2] [protein\_id=YP\_009371117.1] [location=complement(152156..159061)] [gbkey=CDS]

ATGAAAGGACATCAATTCAAATCCTGGATTTTCGAATTGAGAGAGATATTGAGAGAGATCAAGAATTCTCACTATTTCTTAGATTCATGGACCCAATTCAATTCAGTGGGATCTTTCATTCACATTTTTTTCCATCAAGAACGTTTTATAAAACTCTTGGACTCCCGAATTTGGAGTATCTTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGCAATCGATATTTCACGATCAAGGGTGTAGTGCTATTTGTAGTAGTGGTTCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGAAAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGCTTCTTCCTATACCTATGAATTCCATTGGACCCAGAAATGATACATTGGAAGAATCCTTTGGGTCTTCCAATATCAATAGGTTGATTGTTTCGCTCCTGTATCTTCCAAAAGGAAAAAAGATCTCTGAGAGCTCTTTCCTGGATCCGAAAGAGAGTACTTGGGTTCTCCCAATAACGAAAAAGTGTATCATGTCTGAATCTAACTGGGGTTCGCGGTGGTGGAGGAACTGGATCGGAAAAAAGAGGGATTCTAGTTGTAAGATATCTAATGAAACCGTCGCTGGAATTGAGATCTCATTCAAAGAAAAAGATATCCAATATCTGGAGTTTCTTTTTGTATATTATATGGATGATCCGATCCGCAAGGACCATGATTGGGAATTGTTTGATCGTTTTTCTCCGAGGAAGGGGCGAAACATAATCAACTTGAATTCGGGACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAAAAAATACCAATTGAAGTGGAGGGTTTCTTCAAACAACAAGGAGCCGGGTCAACTATTCAATCAAATGATATTGAGCATGTTTCCCATCTCTTCTCGAGAAAGAAGTGGGCTATTTCTTTGCAAAATTGTGCTCAATTTCATATGTGGCAATTCCGCCAAGATCTCTTCGTTAGTTGGGGGAATAATCCGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGGGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGCACGGAATATATCGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTCGTTCAAGGAAGGAATTCTAGCCAATTGAAGGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTTCGATTCCATTAGTAATGAGGATTCGGAATATCACACATTGATCAATCAAAGAAAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCTAAATGCCTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGACTATTCACGGAAGGTGAGAAGGAGATGAATAATCATCTGCTTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTTGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTTTTCTCTGACAGATCGTCAGAACTTCATCTGGGTTCGAATCCTACTGAGAGGTCCACTAAATTGTTGAAGAAAGAACAAGATGTTTCTTTTGTCCCTTCCAGGCGATCGGAAAATAAAGAAATAGTTAATATATTCAAGATAATCACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCTGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTCTTTCTTGAACAAAAATCCATTTTTTGATTTATTTCATCTATTCCATGATCGGAACGGGGGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATAACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTACCTTTTTTATTGATTCCTACGGATTGGATCAAAAACAATTCTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATCTTTATTGGTTCTACCTCCTATTTTTTATGAAGAGAATGAATCGTTTTATCGAAGGATCAGAAAAAAATGGGTCCGGATCTCCTGCGGGAATGATTTGGAAGATCCAAAACAAAAAATAGTGGTATTTGCTAGCAACAACATAATGGAGGCAGTCAATCAATATGGATTGATCCTAAATCTGATTCAAATCCAATATAGTGCCTATGGGTACATAAGAAATGTATTGACTCAATTCTTTTTAATGAATAGATCCGATCGCAACTTCGAATATGGAATTCAAAGGGATCAAATAGGAAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATCGAATTTGAAACAGAGTCAGAAGAACTGGTTCGATCCTCTTATTTTTCTTTCTCGAACCGAGAGATCCATGAATTGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCTAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTGGAACATTTCATTTCTGAGCAGAAGAGCCGTTTTCTTTTTCAAGTAGTGTTCGATCGATTACGTATTAATCAATATTCGATTGATTGGTCTGAGGTTATCGACAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTCTTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCATTCATAGGTCCGAAATCCATATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGCTGTTAGAACCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATGGAAACCCTTCTTATTGGATGATCATGATACTTCCCAAAAATCGAAATTTTTGATTAATGGAGAAACAATATCACCATTTTTGTTCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCTTTTGATAACACGGATTCCTATTTCTCAATGATATCTCACGATCAAGACAATTGGCTGAATCCCGTGAAACCATTTCATAGAAGTTCATTGATATCTTCTTTTTATAAAGCAAATCGACTTCGATTCTTGAATAATCTACATCACTTCTGCTTCTATTGTAACAAAAGATTCCCTTTTTATGTGGAAAAGGCCCATATCAAGAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCATTCGCAACAAAATATTTTCTTTGTGCGGCGGTAAAAAAAAACATGCTTTTTTGGAGAGAGATACTATTTCACCAATCGAGTCACAGGTATCTAACATATTCATACCTAATGATTTTCCACAAAGTGGTAACGAAAGGTATAACTTGTACAAATCTTTCCATTTTCCAATTCGATCCGATCCATTCGTTCGTAGAGCTATTTATTTGATCGCAGACATTTCTGGAACACCTCTAACAGAGGGACAAATAGTCCCTTTTGAAAGAACTTATTGTCAACCTCTTTCGGATATGAATCTATCTGATTCAGAAGGGAAGAACTTGCATCAGTATCTCAATTTCAATTCAAACATGGGTTTAATTCACACTCCATGTTCTGAGAAATATTTACCATCCGAAAAGAGGAAAAAACGGAGTCTTTGTCTAAAGAAATGTGTTGAAAAAGGGCAGATGTATAGAACCTTTCAACGAGATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACCTATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGTACAAATATCTAAATTTGATATTTTTAGATACCTTTTCGGACCTATTACCGATACTAAGTAGCAGTCAAAAATTTGTATCCATTTTTCATGATATTATGCACGGATCAGATATATCATGGCGAATTCTTCAGAAAAAATTGTGTCTTCCACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTTCGAGTAAGTGTTTACATAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGCCACCATTGATATCGACACATCTGAGATCGCCAAATGTTCGGGAGTTCCTCTATTCAATCCTTTTACTTCTTCTTGTTGCTGGATATCTCGTTCGTACACATCTTCTCTTTGTTTCCCGAGCCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCGAAAACTTCTGGATAGGTATCCTACATCTGAACTGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAGGAGATTTTCTAGAAGAAATGCGGGGTTCTGCTTCTGGCGGCAACATGCTATGGGGTGGTGGTCCCGCTTATGGGGTTAAATCAATACGTTCTAAGAAGAAATTTTTGAATATCAATCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCACTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATTTATTCATTGATAAGAAAAAGAAAAAACGTGAACGGTGATTGGATTGATGATAAAATAGAATCCTTGGTCGCGAACAGTGATTCGATTGATGATAAAGAAAGAGAATTCTTGGTTCAGTTCTCCACCTTAACGACAGAAAAAAGGATTGATCAAATTTTATTGAGTCTGACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAAGAGCCGGGAGCAATTTATTTACGATACTTAGTTGACATTCATAAAAAGTATCTAATGAATTATGAGTTCAATACACCCTGTTTAGCAGAAAGACGGATATTCCTTGCTTATTATCAGACAACCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGTAAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAACCCTTTTCGCTCCGCTTAGCCCTATCCCCCTCTAGGGGTATTTTATTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGATCCTATTTGGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCATTACAGTATTTCTGAACAAGTTCCTGGATAACAAGCCTAAGGGCTTTCTTATTGATGATAGTGACGATATTGATGCTAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGCTAGTGACGATATTGATGATAGTGACGATATTGATGTGAGTGACGATATCGACCATGACTTTGATACGGAGCTGGAGTTTCTAACTAGGATGAATGCGCTAACTATGGATATGATGCCGGAAATAGACCGATTTTATATCACCCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATGATCTGGATGTGAATGAGTCGAATTACTTATCCCTCGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTGTGAAAGATGTTCCACTAGAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACTCATATTCCCCAAAAAGTGGATCCCGCTCTAATAGCTCCGAATAAATTAAATACATGCATTAAGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTTACTCTTTCATATACTAGGGGATTTCACTTGGAAAAGAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGGTCCATAACCATGGGTTCGAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACACAGAAGAAATCAATTATAGACACTAATATAATTAGATCTGCTCTTCATAGACAAACTTGGGATTTGCGATCCCAGGTAAGATCGGTTCAGGATCATGGGATCCTTTTCTATCAGATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTATTTCTAAGTAATTGCCCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGAGGATTCTTATTTGTACAAATGGTACTTCGAACTTGGAACGAGCATGAAGAAATTAACGATACTTCTTTATCTTTTGAGTTGTTCTGCCGGATCGGTTGCGCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAATGGGATCACTTATTATGGACTTGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGGTGGGATCCTCACGTACAGAAAAAGATTGCAGTCAGTTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCCGAACCAAAGAGTCCCTTAGATATGATGCAAAACGGATCTTGTTCTATCCTTGATCAGAGATTTCTCTATGAAAAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGAAGAAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGGAGGATTTATTCAATCACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGTTTTCTATTTGATTGTATCGAAAGGCCCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCCAGGTCATTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATGAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGGTTCGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCATGCAGTACCAGATACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCGGATCCACTCTTTTTCCTATTCAAAGATCAGCCCTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGCAGATGAAGAGATGTCAAAGGGGCTTCTTACTTCCCAAACAGATCCTCCTACATCTATATATAAACGCTGGTTTATCAAGAATACGCAAGAAAAGCACTTCGAATTGTTGATTCATCGCCAGAGATGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCTATCCGAGAGTTATCAGTATTTATCAAATCGGTTCCTATCTAATGGAACGCTATTGGATCAAATGACAAAGGCATTGTTGAGAAAAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGAAAATTGGATTCATGTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371118.1\_83 [gene=rpl23] [locus\_tag=CCM79\_pgp025] [db\_xref=GeneID:32891968] [protein=ribosomal protein L23] [protein\_id=YP\_009371118.1] [location=159381..159662] [gbkey=CDS]

ATGGATGGAATCAAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCGAATCAGGATCCACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCGAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGCCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGAGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAA

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371119.1\_84 [gene=rpl2] [locus\_tag=CCM79\_pgp024] [db\_xref=GeneID:32891970] [protein=ribosomal protein L2] [protein\_id=YP\_009371119.1] [location=join(159681..160073,160703..161173)] [gbkey=CDS]

ATGGCGATACATTTATACAAAACTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTGAAATCCAATACACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGCCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAAGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAAATCGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAGAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTATTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGAGGTTTTGATTGATCAAAAAGAAGAATCTACTTCAACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGAAAGGGTGGACAATTAGCTAGAGCTGCAGGTGCTGTAGCGAAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTTCGTTTAATATCCAAAAACTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTAGGGAATACTGGGGTGAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACCATCCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAG

>lcl|NC\_034803.1\_cds\_YP\_009371120.1\_85 [gene=rps19] [locus\_tag=CCM79\_pgp023] [db\_xref=GeneID:32891971] [protein=ribosomal protein S19] [protein\_id=YP\_009371120.1] [location=161242..161520] [gbkey=CDS]

GTGGCACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCAAATCATTTATTAAAAAAAATAAATAAGCTTAACACAAAAGCAGAAAAAGAAATAATAGTAACGTGGTCCCGGGCATCTACCATTATACCCACAATGATCGGCCATACTATTGCTATCCATAGTGGAAAGGAGCATTTACCTATTTATATAACAGATCATATGGTAGGCCATAAATTGGGAGAATTTGCACCTACTCTAAATTTCCGGGGACATGCAAAAAATGATAATAAATCTCGTCGTTAA