

Table S3 Correlation between urinary microbiota and IL-8 level

Taxon	r-value	p-value
<i>Acinetobacter</i>	-0.18	0.13
<i>Acinetobacter rhizosphaerae</i>	-0.07	0.59
<i>Acinetobacter schindleri</i>	0.2	0.11
<i>Actinomyces</i>	0.19	0.11
<i>Akkermansia</i>	-0.14	0.26
<i>Akkermansia muciniphila</i>	0.07	0.58
<i>Anaerotruncus</i>	0.28	0.02
<i>Aquaspirillum</i>	-0.12	0.34
<i>Bacteroides</i>	0.11	0.36
<i>Bacteroides coprophilus</i>	-0.01	0.91
<i>Bacteroides ovatus</i>	-0.01	0.93
<i>Bacteroides uniformis</i>	0.07	0.57
<i>Blautia producta</i>	-0.03	0.78
<i>Cloacibacterium</i>	-0.26	0.03
<i>Comamonas</i>	0.3	0.01
<i>Coprococcus</i>	-0.08	0.51
<i>Coprococcus eutactus</i>	-0.15	0.21
<i>Corynebacterium</i>	-0.08	0.47
<i>Cytophaga</i>	0.31	0.01
<i>Dokdonella</i>	-0.1	0.43
<i>Dysgonomonas</i>	0.2	0.11
<i>Eubacterium bifforme</i>	0.08	0.49
<i>Exiguobacterium</i>	0.07	0.59
<i>Faecalibacterium</i>	0.03	0.82
<i>Faecalibacterium prausnitzii</i>	-0.1	0.43
<i>Gemella</i>	0.11	0.35
<i>Geobacillus</i>	-0.06	0.63
<i>Giesbergeria</i>	0.24	0.04
<i>Klebsiella</i>	-0.08	0.51
<i>Lactobacillus</i>	-0.11	0.38
<i>Lactobacillus iners</i>	0	0.98
<i>Limnohabitans</i>	0.1	0.39
<i>Luteibacter</i>	0.27	0.02
<i>Megamonas</i>	-0.08	0.54
<i>Meiothermus</i>	0.28	0.02
<i>Microbacterium</i>	-0.05	0.7
<i>Mobiluncus</i>	-0.06	0.63
<i>Parabacteroides</i>	0.12	0.32
<i>Parabacteroides distasonis</i>	-0.1	0.41
<i>Prevotella</i>	0.14	0.24
<i>Prevotella copri</i>	-0.03	0.78
<i>Prevotella stercorea</i>	0.09	0.45

<i>Providencia</i>	0.28	0.02
<i>Pseudomonas</i>	-0.06	0.61
<i>Ruminococcus</i>	0.28	0.02
<i>Ruminococcus gnavus</i>	-0.08	0.52
<i>Shewanell algae</i>	-0.07	0.58
<i>Shuttleworthia</i>	-0.14	0.28
<i>Solitalea</i>	0.11	0.36
<i>Streptococcus anginosus</i>	0.06	0.62
<i>Sutterella</i>	0.07	0.55
<i>Thermaceae</i>	-0.1	0.43
<i>Thermales</i>	-0.09	0.46
<i>Thermus</i>	0.24	0.05
<i>Ureaplasma</i>	0.01	0.93
<i>Zoogloea</i>	-0.03	0.83

Pearson's correlation analysis was used.