>Unigene31564\_All

GCTAGAAATATATAACACATATGAAAGAACTTTTATTGGAACATGAACTATTAAGTAATCTAACGTACGATATACAATTCGCACATCTTAGTAACTTAAGAGCAGATGAGTAACTTCATATTTTCTAAATTAAACAACATCAATCAAACCAATACAAAGAGTTAGATCTCGAGGTAATCCGCATTCACAGGCTTGAACATGTGACTTGCATCATGTGCCTCAATGTAGTTGATATGTTTGATCGGCATATGCATGTACACGACCCAATCCTCGCTGCTGGTGATCGGGCCAGGCAATGTCATCACGTAACAGTCCTTCCTCGTTGGTGGAATATAGCATGATCCGAAAGCCACCTTACCCCACCCAAAGTCCATATCGTTCATGAACTGGAACCTTTGTCCAGATGACACGATCACCGTCATGTCTTTGTTGATAAATGGTCTTGGTATTAGTACATGCGACCGTCGTTCTTCCACCCAGTTTATGATGTCTAGGAAATGTTCTTTACCGTTGACGATCTGCAAGAGCTCATGAACCTCCGTAGCTACATTGCTCAATGACATTTCAACCAACTCCTGTGATCCTTTTCCCCCAAATGGCATTGACAAAACATTGCCAAAGTGCGAAGCCATTAGCTTTTCTATCTGTTCTCCATCTCCTTCACTTAACCTTCGCCTTCCATCAACTGCAACAGCAACGTTACAATACCTCTCATTATGATTTCCCAATTTTTCCATGCTCATGCCAATTGTCTTCCACAAGAAAGATGTGAAGGCCTCAAACTTCGACCTCTTACTTCCATTTTCACTTGCCAACTGCTGTATCTTGTTAATTTGCTCACCCTTGATGTAGTATATACGGTTAATGAGTAGATCCTCGGATCCATCATTGTGGTTTTTATCATTATCTGGCGGCATGAATGATGGTTCAAATGTAGCAACGAAGTCGTCTATTGATGGCGAAGAACTATAAGTAGGTGGGCTTCGTGGTTTGAGGATGGACCTCGAATAGGAGGGTAACATAGATGGGATTTGGGATCGAGCCATGTCTGCCCATGATGAGATAAACATGTTAGCCGAATACCCGTCTGCTGCCTTATGATCAAACATGCATCCTATCACCATGCCTCCG

>Unigene18001\_All

TGGTAGGGACATATATAGCTTAATCATGAAAGATATCAAAGAGGACACACACAGAGTACATTTTTAATATTTTAACAAGAAACAACTTGCAGATTTTCAAAAGTAAAACACATGAATTGAACCGAGACAAAGCGTGTTAAATTTTGAGGTAATCGGCATCCACGGGCTTGAACATGTGACTGGCATGTGCCTCGATATAGTTGATATGTTTGATTGGCATATGCATGTACACGACCCAATCTTGGCTGTTGGTGATGGGACCGGGCAATGTCATCACGTAACAGTCTTTTCTTGTAGGGGGAATATGGCATGATCCGAAAGCCACCTTACCCCAGCCGAAGTCCATATCGTTCATGAATTGGAACCTTTGTCCAGATGATATGATCATTGTCATATCTTTGGTGACAAATGCTCCTGGCAATAGTAGACGTGATCGTCGTTCTTCCACCCAGTCTATTAGGTCCAGGAAGTGGTCTTTCCCGGCGACGGTGTGCAAGAGCTCGTGAACATCTGTAGCTACACTGCTCAATGACATTTTAGCCAAATCCTGTGATCCTTTCCCCCCAAACGGCAATGTCAAAACATTGCCAAATTGCGAAGCCATTAACTTTTCTTTCTCTTCTCCATCTCCTTCACTTAACCTTCGCCTTCCATCAACTGCAACAGCAACGTTACAATACCTCTCATTATGATTTCCCAATTTTTCCATGCTCATGCCAATTGTCTTCCACAAGAAAGATGTGAAGGCCTCAAACTTCGACCTCTTACTTCCATTTTCACTTGCCAACTGCTGTATCTTGTTAATTTGCTCACCCTTGATGTAGTATATACGGTTAATGAGTAGATCCTCGGATCCATCATTGTGGTTTTTATCATTATCTGGCGGCATGAATGATGGTTCAAATGTAGCAACGAAGTCGTCTATTGATGGCGAAGAACTATAAGTAGGTGGGCTTCGTGGTTTGAGGATGGACCTCGAATAGGAGGGTAACATAGATGGGATTTGGGATCGAGCCATGTCTGCCCATGATGAGATAAACATGTTAGCCGAATACCCGTCTGCTGCCTTATGATCAAACATGCATCCTATCACCATGCCTCCGCATTTTAATTCCGTAACCTGGACAGCAAGCACCCCACGTAGCCTCTCGGGTACTAGTTTACCCTCAATGCTCTCATCCGGATTGTAGAAATCCAGTTCCTTCAGCTGCACGTCAGCAACGGCATGAGTAAAATCAACACCTTGGTTGTTGCAGTGGATCTGATTCTCTCCGGCAGCCGCATTCCAGGCGATCTCACCGGCGAGCGGGTGATAGAGTGCGAGAGCTCGCGATAAGGAATCTTTAAGGGTGTTGAGCATGGTGGTGAAACTACTACTACTCCCATGGGAGGGTAAGGGTTTCTTGTAGCAAAAGAAAGAAGCAGCATCAAAAGCAGGGACAACCAAATCCAGGTTTGTAAAGGATAGCCAGCGATCATCCCATGGCTCTTCTGCAGCCACCACCACCTTCTCAATCACCTTCACTGAGAAAGGCATACCTCTGATACCCATATTAATTAATTTGCACACAGAAAGAGAGAAGTGTGTGTGTGAGAGAGAAAGAGAGAGAGATCTAGAGAGAGGTG

>CL1709.Contig9\_All

CACAGACTATAGCAACAAAGAAATCTCCCTCTAAACATACAAGAAAAATGAAGTGCATTTATAAACAACAAAGGCTACACGACTAAGCCACTACTTCTACCACTAACTATTTAGACCTCAAGAAAAGGACATCGTGACGAACAAAATAGAAAATACGCTTTCAACATAAATAAACGAAAACCCACCGAGAGAATCTGGATTAAACCAAATAGATGAAAATTAAACTTTATTTATTTTGTCAACGTTCGTAGAGGGCTTGGATCCACGGAAGCATATGCTAGTAGCTCCGAGTTGCCTTGTAGAATCTCCATCTCTTGTTCATCAAAGTTCACCCATGCTTCTATTCCTCCAACAAATGTTGTGTCCATTAGGGTGACCTGATTGACGAACACCGGGATGCCATGGTTGATGAAACCACTCACCCAACTCGGTTCTCCCCAACCAAAATCCATTTGGTAAAAACCCATCTTGCACCAACTTGTAAAAATGTAGTTATCCATGGTTCCTTTGGAGCTAATTTCTCCCATTTCTTTGATAGACTCCTGCATCGCAAGGTACCCCTTTTCACCTTGTGCTTTGTTCACAAATTCCATGTCGATTTTGGAAATGCTTTCATGCACCTTTTCCACCAAGCCATGCAATGTAATCTCATAGCCAGCTTGGCACTTTGCGGTTGCTGGCCAAATCACATTACCGATGGAGTCTTTTGGTAAGGTTGATGCGAGTTTTCTGCGAAGGTTCACCATGTGCGTTAAGCGAGAAGGTTTCTGGAGACCAGTGGCTTGTTTGGATGCTGCCAGTGCACACTTCCATATCAAAGCAGTTACCACCTCAACGCTTGTAGGGTTCTTCACTCCATTCCGTGTTGCATTAGCTTTCAATCTCGCTATTGAATCAGAATCAAATACAAATCTTTTCGTGCTACATTTCCCCTCCTTTAACCACGACCCACACATGGCCATTGAAGATTCTTTAAGCCACAAGTCTTTCGCAGGGAAGAGAGAGGGTGCAGTAAAGTTTGGATGCACGACTTCTTTAGCTCCACAAGCCACGTCGGTCCATCCTCTTAGAAAAGTGTATAGCGAGGCCCCATCAACGACCTTGTGTGAAACACACAAGCTGATAGCGATCCCACCACATTCGAAGATGTTCACTTGAACATTTGTTACACGAGCACCTACACAAGACCGCTCGAAACTAGGTTGAACCGGCAACAGCCTATTCAGCTGCTCGTGGTCAGGATGGCTCAGAAGCTCGTTAAGACGACAACGAACCAAAGCTATGGCATAGGAAGCACCAACGTCATTGCAGTCGATGGAAAGATCATCCTTGATGGTTCCAGCGAGAGGGTAAAACCGAGTCAAGGTTTTGGATAAAGATTTCTTCAAGGCTAGTGCTCTCTCTAAGGCTTGGAGGATGGTGCTGCCATTGTGGTTAGGGTAGTAGAAGACGATCGGTACATAAGGATCCATAATAAGCTGATCTAAGAGGGAGAGGTTGAATGTTTTCAAGTGGTGTGGCGTAGGGGAAGATGGTTTGATGCTCTCTTTGGAAATGATTTCAATATTCATTTCTTAAAATTTTGTTGGAACTTGGAAGTGTAGATCAGATAGATGGTTTTTGTGGAAGATGACTTTGTATGTAGAATAAGATGATTGTTGTATAAGATATGTGAGGCTGAAGAGCCTTTTATAGTGAAGGTATGAAGACAGATTTCATAG

>CL10633.Contig6\_All

GGCTTATCTGTCGTTTCACATTACTTGTATTTGAAACATTTTGTTTAATTTGGCTGTATTTGTTAAAGTCCATTGTTTGAGGACTTAAAGTGAAAATTGTGTGATGACTTTGTGGGCTATATAATAGCCTTACCTTTCTAGGGTTTGTCCCTATGAATGATAAGTGATATTTTTGGTGGCTGAGATATTGTGTGAACATAGCTTTCCTTATAGTCATCTTCTTCTTTGCTTGTCATCTTCATCACAAGCTTGTGCTTACTTTCTCTACAAATCTTTGTCAAGCTTATCTCATCTTGTTTATCACTCTCTTTGGGACTCACAGCTAAATAAGATTGAGTAAGGGCATTATATATAGATATCGATAAAGACTTAATTAGGATGTTGAACCGATAATATAGGACTTACCTTACTTATGAATTGTTTAGGGCACTTTTAGGCTCGGGGTTGGAATTCAAATCGTTGTTCGAATCGCTAAGCTTACCAAGGTGAGTATTCACAGCCCCTCTTTTATCGATTTTACGTATTTGGGGTGAAAAGCATGTTGATTGATGAAATATGTTATGAGTTATGCTTACGAGCAAATTGTTATGCAAATGATGATATGAATTGAGTAAAAGTCCCCTTATAATATACACTACTATTAACTCATTAGGAGCCTATGATCCAGTGGATAGCGCTATTTGGTAAAGAGACTCACCCTTCTGACTGACGAGTAGAGGGTGCACTATTTCAGAATTAACGACTGACCGCTGAGGTAGTCGTTGGGAAACGTTCTACACATGTGGGGTTCTAGTCCCACCGCTGAGGTAGTTCATAAGAGCGTTATACCCTACGTGGTTCGCGACCGCCTCTGAGGTATAACGTTGGGGTGTTACGGTTTGTAGTGGCTCAATCTTTCATATCAAGTGCATAAATAACGTTATTTAACGTTTAATGATTGAACAAAGGATTTTCGATAATGATTTCTGCATATGAAACTGTTTTGTGCATATAAAACCTGTGAACTCACCAACTCTTGTAGTTGACACTTGTTTTAACATGCTTTTCAGGAAAATAGAAGGTAGTTGAATATGCCTGTTGTTGCAAGTGACATCAATCTTCAGACTTTTCTTTTCTTTTGTTATTTTGGATGTTTGAAAGTTAAACTATCGTTGGTTATGTAATATGTGGTACTGTAAACAATGAACTTTTAAGTAAAATGATTGATGTTATTTATCTCCTATCGCAATGAAATCTTAGCTGTCACGTCTCGCGTTTCCGCTTTAGCGGGGTGTTACACTCATCAAGTCATAGAGGAGTTGGACCAACACTATCTCATTCAAAGCATACCCAATGAGATCTATGCAAACATTGACTGCAACGACACGGGGAAGGCGATGTGGGATGAAATCTGTAGTCTGATGCATGGTACGGAGAAGGGTATTCAGATGAAGAGATCTAACCTGTTAACAAAGTTTGCCACCTTCAAAAGTCGTGAGGGGGAGTTACTTGAAGAAACCTACCATAGGTTCTGCACAATAATAAATGAGTTGAGGAAGAACAAGCTCAAGAAGTCTCATTTGGAAATCAACATCCAATTCATCAACTCACTGCGATCTGAGTGGAGAAGATATGCCTTAAACATTCAACAGAATCGCAGCCAGGAAGATATAGACAGTCATGAACTGTTTGAGTTACTTAACCACAACCAAGATGAAGTGCTTGAAATACTTGGTACTGAGATGAAAGTAGAAAAATATGTTGATCCACTTGCCTTGGTCGTTGACAAAAGACAATACTTGGTACTGAGATGAAGTGCTTTAAAAAGTTATACTTTTTTAGATCTATAGTTGCATTCAGGAAAAGAAGTTATTTTTTTTGGAAGGGTGCCCGGGCCAAATACTGACTAATCCCCGACAATTTTTGGAGGCTAAATATGGTCCCACTTAAATCATAAAAGCCATTTTAAGTAGACAAAGCATACGGTCATTATTTATATGATACACACACATTGTTTTTTTAATACAGACCTAGATATAATAAATCATAGATAGTATTGCTTAAGGTGCGATTTGCTCTTTAGTTCCTTCGAAAAAAAGTTCTTCAAGAAATCTGCAACACTTACTCTTGTAAATCTTGGAGGTGTAGCAGCAGTGATTAGGCTTGGAGCTGGTCCCAAATCACCTTCCAATACAGGTCCTAAAAAAGTGGCTATTGAAAGCCTCTCCTTTTCCGAGTTCACGGTTGCTCTATGCTCTATGCTTTTATATATTCCGTTTGTCAGAATCTCCAAGACGTCTCCAATATTGACAATGAAGGCATCATTCAGTGGTGTAACTGGCATCCAATTGCCATCCTTTTTTATTTGGAGACCTTCTACTTCATTGATTTCGAGGAGGAATGTGATTCCATGAGCATCTGAGTGAGGGCTAAGACCCATGACTTGGTCAGGCTCTGGACAAGGTGGATAATAGTTCATCCTCATAGATTGCCATCCCTCATCAAATAATACTCTCATATCCTCAACCTTCATCTTTGAAGCTTTTGCAATGAAGATAAGAGTTTTTAAAGCAAGGCACTTCATTTCTCTCGAGTACTCTTCTAGGGTATCTCTGAATGGAAGAGGTAGATTGGGAAATAAGTTTGGCTTCCTCAGATGATGAGGAAGGGTAATCATGTAAAACATGTCAGCCCAATCAAGCTTTTGCTCCTCAGATACAACAAAAGCCTGTCCAAATCCTTGTATGTCTCCTTCATCTTGCCAAAAGCTCTTTTTCTTTTCCATTGGTAAGTTGAAGAATTCTTGTGTTTCTTCCTTCACTTTCTCCAACAATGAACAACTCACCCCATGATTTATCATCTGAAAGAAGCCCCAATCTTTACAAGCAAGATGTAGTTTTTCCAATTCATCATTACATGATTCCTTGGACGCTAATCGTTGCATATCGATGACGGGTACTTTAGTCATTGAAGGCAATAACCTTGAAATGGCAGGAGGGCCATCATTAGGACGAACGTATCTGGATGGAATCTTGGTTAGTGGTTTCTTAGCCAGTTCTTGGACGCTCGGCACCAAAAGTGAAGCCCAATGGCTTGTTACATTGGGTTCCATGATACCTACCTCTAGACGTACTCTCTCCCTTTAATTTGTTATGCTTTTTTACATGTATCTCCGCATTGTTGCTAGAAATATATACACACGTCGATCAACACGTGTTGTTGATACGTATCGGGTTTGAAAG

>CL9672.Contig4\_All

CCCTATGTCTAGTCTTGTGTCGATGTTGTTAACGAATCTTGACCACAAATTCGTATCATAAATATATTTAAAACAGCCAAATCGCTCTAAATCCCCAATTAATCATGTCTATCAATGAAGGTTACGATGGTCCTCACTCTCATGAAGTCAGTTTTATCGACGAAAATGGTGAACTTAAAACCACCAAGATTCCTGTGGTTCAAGAGCTTGCACGCCAAGGCCTCACCAACGATCACTTCCCCAAGAGGTTCATTGCCTTCCAATCAACAACTTCCGCTGTCGATTGCCAATCGGTAACCCCTCCGGTGATTGACGTAGTGAAACTAAAAAGTGATGTAACCCGAGGGTTGGAGCTGCGGAGGCTGGCCGATGCTGCCAAAGAATGGGGCGTGTTTTTGGTCAAGAATCATGGGGTGGATGATACGGTGTTGGATGATGTTAAGGATGTTGTGAAAGGTTTCTTCGGGTTGGGTTTTGAGGAGAAGAAGGCCAATGTTGGATCGTATAAGAGCGTGGATAACATGGGATACGGCAAGAACTTCGTGAAGTCCGAAGATCAACCGTTGGATTGGATCGATCGGCTCACCATGAAAGCGGCTCCTGTGGATCCAGATGAAGCAACTAATGGCCTCTTAATTTGGCCTAGAAAACCAACAAACTTCAGGAAAGCCGTAGAAAAATATGTGGAAAAATCAAGAAAAATTCTCGATGGGTTACTCCAAGACCTTGCAGAATCGCTATCACTAGATAAAAATGCTTTCTTGCAACAGTTTGAGCCAAAAGAAAGTGAGATCAAGGTTAGGGTGAATTACTACCCGCCGTGTCCAAGACCGGACCTGGCCATAGGAATCATGCCGCACACCGATCCTAGTGGCCTCACGCTCTTACTCGAGTTCGGAACCACAAGTGCCCTCCAAGTGCAGAAAGACAACTTTTGGACCACCCTTCAATTGCCGAACGATAACAGTTTGGTCGTCAGTATCGGAGATCTGCTCGAGATCATGAGCAACGGCATGCTGAATAGCCCGTGGCATCAAGTGCGAACACAGCTCGAAATGGAACGGTTTTCACTGGCCTGTTTTTATAACCCGCCGGCCAAAAGTGAAATTGGGGCGGTGGTCGGAGGTGATTCATCGGAGGAGATATATAAGAAGGTGGTGGTGGAGGACTATGTAACTAACTATTACAAAATTAGCCCAACAACTAGCAAGGAGGCAATAATGGCTTTTCTTTTCATTTTCCGTTTGGAGAAAACCTTTATTGTGTGCTTAATTGTAATTTTAAAAGTTTGAAAAAGTTCTTTCGATCATAAACGTTATTGGAATTAGACGATGGGTAATTTTATATATCCACCTATGCAGTCATTGGTTTGTACAATTGTAATTTTTATCTCATATATATTGTCTCAATCATTT

>CL10633.Contig3\_All

GTTATCTTCTGCCATCCCCTCATGCTTTCAGTATTAGAAAACGACATATAACAACATAAAGAATGGTTCAATAACTTAAGCTCCTTTCGAACCCGATACCTATCAACAACACGGGTTGATCGATGTGTTTATATATTTCTAGCAACAATGCAGAGATACGTGTAAAAAAAAACGTAACGAATTAAAGGGAGAGAGACATCTATAGGTATCATGGAATCCAATGTAACAAGCTACGGGGTTTCACTTTTGGTGCCTAGCGTCCAAGAACTCGCTAAGAAACCACTCACCAAGGTTCCATCCCGATACGTTCGTCCTCATGATGGCGCTCCTGCCATTTCAAGGTTGTCGCCCGCAATGACGACGAATGAACTACCCATCATCGATATGCAGCGATTAGCGTCCCAGGAATCATGCAATGATGAACTGGAAAAGCTACATGTTGCTTGTAAAGACTGGGGTTTCTTTCAGATGATAAATCATGGGGTGAGTTGTTCATTGTTGGACAAAGTGAAGGAAGAAACACAAGAATTCTTCAACTTACCAATGGAAAAGAAAAAGAGCTTTTGGCAAGATGAAGGAGACATACAAGGATTTGGACAGGCTTTTGTTGTATCTGAGGAGCAAAAGCTTGATTGGGCTGACATGTTTTACATGATTACCCTTCCTCATCATCTGAGGAAGCCAAACTTATTTCCCAATCTACCTCTTCCATTCAGAGATACCCTAGAAGAGTACTCGAGAGAAATGAAGTGCCTTGCTTTAAAAACTCTTATCTTCATTGCAAAAGCTTCAAAGATGAAGGTTGAGGATATGAGAGTATTATTTGATGAGGGATGGCAATCTATGAGGATGAACTATTATCCACCTTGTCCAGAGCCTGACCAAGTCATGGGTCTTAGCCCTCACTCAGATGCTCATGGAATCACATTCCTCCTCGAAATCAATGAAGTAGAAGGTCTCCAAATAAAAAAGGATGGCAATTGGATGCCAGTTACACCACTGAATGATGCCTTCATTGTCAATATTGGAGACGTCTTGGAGATTCTGACAAACGGAATATATAAAAGCATAGAGCATAGAGCAACCGTGAACTCGGAAAAGGAGAGGCTTTCAATAGCCACTTTTTTAGGACCTGTATTGGAAGGTGATTTGGGACCAGCTCCAAGCCTAATCACTGCTGCTACACCTCCAAGATTTACAAGAGTAAGTGTTGCAGATTTCTTGAAGAACTTTTTTTCGAAGGAACTAAAGAGCAAATCGCACCTTAAGCAATACTATCTATGATTTATTATATCTAGGTCTGTATTAAAAAAACAATGTGTGTGTATCATATAAATAATGACCGTATGCTTTGTCTACTTAAAATGGCTTTTATGATTTAAGTGGGAC

>CL3969.Contig2\_All

GTGAATTAGAGGGGTTCGGAATGGCTATTTTGGACAATTTCCTTAAATGCTTGTTGGTTCCAAGGTTTTCTTTTTTGAGGTAAGGTTTACAACAAACTTATTGTAGCTTTTTTATGAAAGAAAAGTACAAAATTCCACACTATGTTTACATATTTCTTACATAAAATCGTTATTGCAGCTAGGCGGGATACCAGCTGGGACCGTTGGGCTTGGAAGCATCGGTACCGCCAACACGTATAGCTCGAAAAAGAAGTCACAAATCCACTATTCCTTCCAACTTGAGAATATGCTGGTGCAGATCTTGTTCGGAGGTGAGTTATTTTAAAAAAGTTTATTCATAACGACAATAACATATATGATTATATGCATAATTACTCGATAAATAAACACATAACACTGTTCACTCAACATAATACAATTATGTAAACCATGCAAAACCGAGTGACTTTAACATCATTTAGGATCAACTGCATCATCGTTCTTCCTGAACAACTTGTGTTCCATATGTTGTTGGAACGTCCGAGGCGGAAACCGTGGTGGTTCCGCCTCGGAAACAGTCTCCGGTAGCGGTTTCAGGACGATCTTCTCCTTGGGCGGTTCACAGAAAACCGCCCAAGAAATCCTAACCTTCTCCTTGTTCACAAGCCCTCTATGGAGGATGCTTTTGTACTTTCCATTACTTAGGATCTCAATGGTGTCACCAATGTGAAGGATGATGGAGTCCGGCACGCACTGTGCCGACACCCATCGTCCGTCGTAAAAGACTTGGAGCCCTGGGACCATGTTGTGGAGGATGAACGTGAGAGCGCTCACGTCTGTGTGCGCCTCGACACCAAGCGCTAGCTCGGGTTGAGGGCATTTTGGGTAGTAGTTGATTTTTAGTTGGAGGAGTAACTCATCGGTCCCTCCGACCTCCTTCTCGAGCCTCCCCTCGTCCAGTCCCAACCCGAGAGATAAAACCACGAGTATCTCGGTGGCGAGTGCTCGTAGTTGCTTTGCGTACTCTGCAGTCGCCGGGATGTAATCTTCCGGCTTCGTTGGCCATATGGTCAAGTCGCGCTTCTCCTCCGGGAAGACGAGGTGAAAGAAGTAATCTTCCCATTCGAGTTGTCCGCAAGCATTGTTAGCCAATTTACTCCCGTACCCTTGCCTGTTCCCGGATGCGATATCGTTAGCATACTTCTCCTTCTCCTCCACGGGCTGACCGAAAAAGCCCTCCCCCGCGGCCTTAACACGGTCGATCACGTCTCCGGGGATCCCGTGGTTGACGACGTGCATGAAGCCCCACTCGGTGGCGGCCCTCGTGAGCTCGTCGCGACACTTTTGTCGGGTCTCCGGGTCGTCGGAACGGATGCGGCTTAAGTCGATGATCGGGAGTTGAGGGGCGTTTTCGTGGTGGAAGATGTTGGTGATGGTTTTGAGCTCGTGTTGTGGGCGGATGTATTCTTTTGGGATTTGGTGAATCCCACTTGTGGCTAAGCTTTCGACTCTTGTGTTCGTTGAAACCACCATTTTTGGAGTTTTTTTGTTTCTGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGTTGTGGAAGGTGGTTTTATAGGGAAATTAGTGAAGTTGGAAAGAATGGTGGGTGGTGAAGAATGGTGGGTGGGTGATGGGGTTGTTCTTAATTTTATGGTTGGTGGTTTGACTAACGGTCAAAGGACTTAAAGAAGGCACAAGTGAAG

>Unigene15127\_All

TCTCTCTAGATCTCTCTCTCTTTCTCTCTCACACACACACTTCTCTCTTTCTGTGTGCAAATTAATTAATATGGGTATCAGAGGTATGCCTTTCTCAGTGAAGGTGATTGAGAAGGTGGTGGTGGCTGCAGAAGAGCCATGGGATGATCGCTGGTTACCCTTTACAAACCTGGACTTGGTTGTCCCTGCTTCTGATGCTGCTTCTTTCTTTTGCTACAAGAAACCCTTACCCTCCCATGGGAGTAGTAGTAGTTTCACCACCATGCTCAACACCCTTAAAGATTCCTTATCGCGAGCTCTCGCACTCTATCACCCGCTCGCCGGTGAGATCGCGTGGAATGCGGCTGCCGGAGAGAATCAGATCCACTGCAACAACCAAGGTGTTGATTTTACTCATGCCGTTGCTGACGTGCAGCTGAAGGAACTCGATTTCTACAATCCGGATGAGAGCATTGAGGGTAAACTAGTACCCGAGAGGCTACGTGGGGTGCTTGCTGTCCAGGTATATATGTAGTAAATTACGGTTTTTGTTTAACCAGATAATCGATCCTATAAAATTCTATGAAACATTCATATATTTAATATAAAATATATGAAAAGTTGATGAGTATGGAAATATGGATATATGAAAAGTCGATGATTATATATGGAACCCGATGAGAGAATATTGTGTGGGAAAAAAAGTTCAGACATGAATTGTAAGAATGGGATTTGGATCCTTAGATACTTTTAATCTCAGAC

>Unigene18529\_All

GCCGGCCCTCGATGTACTGATGGCAATTGGTTTGAAAGGAAAGTCCACGGAAAGAGTGGTCTAAACACTACACATTGAAAATCCCAAGGTTGACCGACAGAAATTCAACATCGCACGCTCAAACCACCCACCCACCACTATCAACTCTCTAATGGCGGACTCCATCACCTCCTCCCAGTCCCATGTGGTGGCGATACCATACCCCGGCAGAGGCCACATCAACCCAATGCTCAACCTCTGCAACCTCATGTCCCTCCGCCGCCCTTCCGACCTCCTCATCACCGTCGTCGTCACCGAAGAATGGCTCGGATTCATCGGATCCGACCCGAAACCGACAAACGTCCGCTTCGCCACCATCCCTAACGTCATCCCGTCGGAGCTCGACCGCGCCTCCGACTTCGCCGGCTTCATCAAATCCATTCACACAAAACTAGTAGACCCGGTCGAGAGATTACTCCGCCGGATGGAAATTCCGGCGACCGTAATCATATACGATACCTACCTCATGTGGATCATAGATCTCGGAAAACGGTTGAACATTCCGGTGGCTTCCTTCTTCACGATGTCGGCCACGGTGTTCTCCATGTGTTATCATCACGATCTCCTCCTCCAAAACGGCCATGTCGGAGATGATTATTTCTCAGAAAAAGGTGAGGAAGTGATCGATTACATACCTGGAGTGCCTCCCATGCGCGTGGCTGATCTCGTGACAGGCTTCAATGGCAAAGGAAAAGAGGTTTTTCCGTTAGCTCTGCAAGCTATTTTAATGGCGGACAAAGCTCAGTTTCTGCTTTTCGTGTCGGTTTACGAGTTGGAAGATAAAGTGATCGATGCCTTAAAATCGGAGCTTTCGGTACCCGTTTATGCTATTGGGCCGTCCATTCCCTACTTCAAAGTCCAAAATGACGAAAACACCCCTGTATGTGAAAATGACCAAAATGGTCGTCATTATGAAAATGACCAAAATACCCCTGGCTATTTGGAGTGGTTGGACCGTCAACCCGAGGGTTCCGTGTTGTACATCTCGCAAGGGAGTTTTCTCTCGGTCTCGAATGCGCAGTTGGAGGAGATCGTGGCGGGTGTGCATGAGAGCGGCGTACGGTACATGTGGATTGCACGTGGCGAGACGTCTCGGTTTAGACGTGAAAATGACGAAAAGGGGATCATTATACCTTGGTGTGACCAATTACGGGTGTTGTGCCATGGTTCGGTAGGGGCGTTTTGGTCACATTGCGGATGGAATTCAACGAAAGAAGGTGCATATGCGGGGGTGCCGATGCTCACGTTTCCCATATTTTGGGATCAAGTTCCAAATAGTAAGATGATCGTTGAAGATTGGAAAATGGGACGGAGGGTGAGGGTTGACGAGGGTATTTTGGTCACTCGAGATGAAATTGCGAAACTCGTAAGGGGTTTCATGGATGAGGAGAGCGAAGAAGGTAAAGAGATACGCAAAAGGGCAAGAGAAATAAAGAAGATATGCCGACAAGCGACCAATGAAGGAGGGTCCGCTCAAAAAGACATCGATTCATTTATCAGCAATATCTTGAACAGTCGAAACAATTAATTGATGAAGTATATTATAAATGTACTTGACGATATTTTA

>Unigene62812\_All

CATGGTTAAGGCATCCACAAGTTGATCTTGGCTGGGGTCGGGTAGTAGCACGGTTGCCATGAGGTGGTAGAACAACGTTTGAGTGGAGGTCTTTGAAGGTTGGACAATAAGCAAGAAACATGGCATTTCTCATTACACCATTGGCACTTTCCTTCAAAAGGGAGGCGGCATGGAGGCGGCAACCCGATTTCAGAAACTAAGATGGTTCTTCAGCTCGTTTTGGGTCTTCCTAAAGGCGACTATGACACCATCGCAACCTTCATTTAACAGTCTGATCCTCTTCCAACCTTTACCTGCTCAATCCCAACAGTCTATCGTTCCCTTATTTATCTGGAAGCTTGTATTGTAACCTTATAAATACTTTGCTTTTGGAAGGAAAAAGAACAACAGATTCTACACGTTCTAACACTTATAAACAAATTAATTCACATTACATGAAAGCCTTCAACAGGATTAGAAAAGTATCATAAGCAATCCACAGGATAAGAAAAGAAAGCTACTTGCATATCTGCTCACAACTCAAATCCTTTTGTAATCGTTAATAATGATCTAAATTTGTCACGAGTTCACCAGTGAAAACAACGATCGAAGCTAATCATTTTGCGATTTTGGAATGTCATCGATTTCGTCGGCTTAAATGTAGTCTTCTAAACCACCATTGAAGATCGAAACAAAATCCTTCATCTCGGCCGCTGAAAGACACACACCAATTTCCAAATCTTCACTCGATTTGCTACAGGCGTTCAACGAAATAGATCCACTGTAATCAATCGAAACAATCTCATACTTTTTCGGCTTCCCCCATCCAAAATCAGCGGTATCATAAAACTTAATCCTTGGCGTTCCGGCCACCCCCGTAACCGATAACGGCTCCTCCCCAACCAAAAACTCGAAGTCGAACCAACTCTCGGCACCTTTCAAGATCCCGTCTTTATCGCTCAACTTCTTATGTAAACTCTCGCCAAGCAACTTGGCCGCTGTAACGAAGCCGTCTTTATTGGTTAACTCACTCTTTCTAGCGAACGCCCCACACGGGGCAACGCAGTTGCCCGAATACGTCGAGGGGACCACCGGAACCAGACGCGACCTGCAATCGATCACGAAACCAAACACTTGTAGCTCGACGTCGCGAACTTTCGCCAGCGAGCACCATATATACGCGCATGCGACCGTAAAAGACGATACGTATTGCAACGACGGCAGTTGGGTCGATACCCGTTTCTTTAACCGGTTAACGATCGTTCGGGTCAACACGAACGTGGCCCGAACGTTGTTTGTTGGTCCGGAAAGGCTCGGAGGCCGATAATCTTGAACGAAAGTTTCTAACTCTGCTTTCTTTAGATATACTTCGTCTAGAGTCGGGTGTTTGATCACTCTATCGTACAACGGCAAGGCTCCGTTGGCTAGAAACGACTCGTGGGTGCCGGATCTCGCGATCGAAGTCCACGCGTCCATGAAACAAAACCGGGTGCTGGCATCTCCGAGACAGTGATGGTTTGTCATCCCGATGGAGATCCCAGCACCCGGGAAAACCGTCACCTGGACCGAGAACAGCGGGATCGATAGGTAACCCTCGGATGCCTTTGTGGCATCCCTGAGAAGTGGTATAAGAGGATAAAATTTATCGCAATCTCGAGGATGGTTTCCGATTAGATCGTCGAAATCAAGATCGCTCTCCGCGATGGTAACGACTACGTAGTCGCCATCCACGTGACGGATTTCGGGTTTTCGAGCAACGCCTGAAGGGTTTTGAGCGGGATACACGATCAAGTTACTTGCAAACGGGAAAAAGTGTTGGAGGGTTATCGATAACGAGTGTTTAAGGTTCGGAATAACGGTTTCGACGAAATGGGATTTAGAATGTGGGAATTCGTAGAAGAAGAGCTGGTGGATTGGATGGAAGAGTAGCCATCCCAGATCGAAGAAAGTAAGTGGCAGTGACCTTTCGCCGACGGTGTTCGGCGGTGGCGAGATCCGGCATTTCTCAACAACACTTAACAGCTCATTGGTGGTGGTGGCAGCCATTTTTGGGTTTTTATTTGCTTGTGGCTAGAAATGCTTCTTTGTGTAGATATTAAAGT

>CL285.Contig2\_All

ATGAATCATATATGATTTTGTACGTGATTTTTGTACTTGAATTACATATGATTTTACATAATCGTATATGATGGGCAAGACTTTGGGCGGGCCACCAAAGCGGGTTTAGCCGATTAGAGCTCAGTTACAGGAACAGCCGTCTGATGGAAAACGACTTTCGCATTAGGTGCTTTATGAAAGCCGGTCCACAGCGGTGCATCGCCTATTTCTCGTTCTCGCTCGGGAGCCAAAACGAACACGCCTGCTACTTACTACGTCACCCTCACATACACCGGGAAAAAGGTTACGATAGCAAGCCCCTCCCCGGCCGGAAAGGGCTTGCTGATAGAGCTGGGCGGGGAGGCGATACTAGTTATCAAGTCAGAGAGAGGTTTGGCCCGTAAGCTGGCCCCCCGGGAATCTTTAGAATTACCACTGCTTAGCTTGATATATACGTGATTTTGTACATGAATCATATATGATTTTGTACGTGATTTTTGTACTTGAATTACATATGATTTTTATACATGAATTATACGTGATTTTGTACATGGACGACCATTCTCACGTTCTCGTAAATAGTTAGCGATCTCGTTTGGACCTTTTTTCTATATATATTATGTGTGTGTATATATATGATTGATCAAAGCTAAGGTTCACAAAGTAGGCATCATCCTGAGTTCAATCAAGGGGTCATTAGAAGAAGGCCACAAGATGTCGAATGAAGAAGAAGGGCTGCAAAAAATGAGGGAAATACGTTCTGCCATAGTTCTTCCAATGATCATCAAAACCGCCATCGAACTTGATCTCTTTGAGATCATGGCCAAGACTCCAGGTGCCCGTTTCTCTTCGTGTGATCTTGCTTCTAATCTACCTTCACAAACCCCACAAACCCCACACTTACTCGAGCGCATTCTTCGGTTTCTTGCCACCCAATCCATTCTCAAATCGACCACGGAAACCGATGAACACGGGAACTCGAAGAGCTTGTATAGCATGACACCCGTGTCGAATCACTTTGTTCGCGATCAAGATGGGACTTCTTCGGGTTCATTACTTCTCTTGACCTATGATAAAGTGTTTTTGGATTGTTGGTAATTGTTCTCTAAACTTCATACCTTACATCTAGCTTTATAAGTGAACTTAATTGCATGTTTCTCTCTTTGTATATATATGTACAGGTTTTGTAAATTATAGAGGTTGTAAAGCATGTGGCGATACCCTGACCATGGGTCGGCTTTCAGGTCGCTCCATGGCCGCCGAGAATTAGTCGGGTGCCTGTATGGATCCCGAATACCTCGTCGAGTTCATGTCGAGACGTGTGCGTGAGTTATCTGTCGTTCAAAAAAAATTCTTATTAGAAATCTAGTTGGCACCTTGGTGGTTTAAAGTTGGCATCGTTTGCATATAATTGAGCTTGAAACTTGAAGCTTGAATATCCCATTAGTCTCCAATAGAATATGCCCCCCACTGTTGCTGCCTGTTGACCGTTTGGAGTTTAACCCACGGAAGAAAGAAAGAACAAAACCGAAACTTTAGGACAAAACCACCACCACCTGAGCTTATACAATTCGATCGAGCTGGATATGGAGAAAGTGATCCGAATCCAAAGCGTTCGTTGAAGAGTGAATCATCGGATATTGAAGAACTTGCAGACCAATTGCAGCTTGGATCTAAATTCTATCTCATTGGTGTTTCTGTGGGATCATATCCCACATGGAGTTGCATCAAGAACATACCTGAAAGGCTAGCAGGAGTTTCTTTAGTGGTTCCATTCATAAACTACAGATGGCCATCACTTCCTGATGATCTCATCCAAGATGATTACCGGAAGAATCTTGCCAGGTGGGCGGTCTGGATTTCGCGCCACACCCCCGGATTGCTACACTGGTGGTTGACTCAAAAGATGTTCCCTTCATCCTCTGTTCTTGATAGAAACCCTAAATTCTTCAGCACTAAAGACTTGGAAGTCCTGAAAAACACTCCTGGATATCAGTTGCTCAGTAAGAGCAAGCTGAAAGAAGAACCGATCTTCCATAGTCTTCGTAAAGACTTCATGGTGGCATTCGGGAAATGGGATTTCGACCCGTTGAGTATGAGCAATCCGTTTGGTCAAAGTCAAAGTCAAGTCCACATTTGGCAAGGTTACGAAGACAAGGTTGTCCCGGTCGAACTACAAAGGTTTGTTTCGAAAAGGTTGCCATGGATCAAGTACCATGAAGTTGGTGATGGAGGACATCTGCTTGTGTATGATAGTGATGTATGTGAAGGCATTTTGAGGTCTCTTTTGCTTGGAGAAGATTCTCCTTTGTATAAACCTAAATTTGATTAAAACTAGCTAGAATGTCCCTTGTAAATTAATCATATGATTGTTTAAGAAATGGATCATATTTATGGTTTGATTTTATTTAATGTAACTCCT

>CL10851.Contig1\_All

TCTCTCTAATTGGGTCTTCCAATTTATGCCCACTTCTCTAATCTCTAGTCTCTGCTTTTGTCCATTCAGACGATATGGGATACATCCATTTCTTACCAAAAGGGGGAATTAATAAATCTGAACACTCAGCAGGCATCCTGTGAATTAAAAGTTAAAGAAACCAAATTTGCTATCCCATTTTTCACCGTTAAAATACTCTTTCCGTAGAAGGTTTGTGTGCCTATAAACTTTAATCACAACAAGCAAATAATATTTATTTGCTTCTTTTCAAGAACTATATAAGATCCATGATACTTACGTAGAGATATGATCGTATTAAAGGTATTAAACCAATAAGCTGATGAAAAACTGTTTCAGCCTCCATTGACATTGTAATGATATTGTGTCTGGGAAAGGTTTTAGGAATTATAATCATCCAGTTTAGATATCATACAGGAACTTGCTGAATAGCTTCATGTGTTCCGCTTGCAGCGAAATCGCAACCGACAAGCTTCCGTCATTAATCGGGCTCGGTAACACGAAACTCAACCCTTCATACGCAATCCCACCGGGCCCCATGAATATCGGCCGACCCCATCCGAAGTCGGCATCGTGAATCGGGAGTCTGGCCCAGCTCGTTATCCCGAGATTTGGGCATTTAAAAGTATGGGCCCCACGAACCAGGGCCTTCAGATCGGGCTGCAGTTCCAAGAAATCGAGTGCCGACTTTAGATAATCGTCGTCCATCCTTGCCAACGCGTCGTGGATTTTACTAGCAGCATACCACGTCGGCTTCGACTGCAGGTCGCCGGCCACCGCTACCGGGGTGGTCGTGAATATGACGTTCCCGAAATAGCCCGGCGGCAGCGCGGGCCGGAGGCGGGCCCGTCCGTCGGTCGCGATGTAAAGCTTCGTGTCCTGGTCGTCCGGAAGGCCGCGCGCTAGGCACACGCACCTCCAGACGTGGCCCGAGAGCATCTCGTAGGAGCTGTAATTGACGGTGTTGCCGGCTTCTTTCGACTTCCCTTTGAGTGCGTTGAGCTGGTCTCGTGTTAGCTTAAAAATCGAGACCGCGGTCTCGGGAACCGATTGGTCGTCGGTGGGTTTGGGTGCGGTTTTCATCGGGGGAGCGGGTTGGTACTCGATGTGGTCAAAGGCCGGTCGGGGCGGGTCACGGGCACGTAGAAGGGTTCGGTCGATGAAGGGTGGGAGGGTTAGGTCAAGGCCACGAGCCATATCGGACCAGGTGTTGATGAAGTGCAGCCCAGATGCACCATCAGCCGCGTGATGTTGCATCCCAACTCCTAGCGACACCCCACCACATTTAAAATAAGTAACCTGCAAGACTAGCAGCGAATAGGATTCAATTCCTTGAGTGTAATCAACCGCCGGAATAAGCTTCCGGAGCTCCAACGTCGGTGCAAAATCACCGAAATCATCAACCACGCCGTCGGACTCCGCCTCCACGAACAACACGCCTTGTCCTTGGCAATCGATCTCGATCCGGCCATCTTCATCTCTCTTCAACCGTCCTCCCATCGGATAAAACGGAACCAACGCCTTGCTCAGCGCCTCCTTCATCACCTTCGGATCGAAGAAGTTCGCAGCGCCGGTCGGCCGGTAGAAATACACACTCGGTGTGTGAAAATTAGGGACAACCAGATCGACATTCGAGTTCCATAGATTTATCCTCGGCGTCTCCTCCGCCGGCCTCACCATCGTCGATTCTCTCACCTCGATCTTCATCTCCTTCTTTTGCTCCAATTCACTGTGAAGAAACGACAACAGATTTTGGTGCAGTGTAGGTGTTCGATGAAATGCGTGAGATAATTAGAAGAAGAAGAAGGTGGTGCTGGTGGTGGTGGTGGTAATATTGGTATGGTTGGTGTTGATTTGGTATGAAGTGGTTTTGAGTTGGGAAGACTTTAAAAAAGAAAGCGT

>CL18920.Contig24\_All

CAAGTGTCGCGCTCTGGGCTGTCCTCACGTTCACAACCAAAAAGTGGTTCACATTTGAACCCACCCCATATAATTAATTGCATAAGTTTATTCTTCTATGATGATGATTAGATATGGATCATTTTAACGTATGGACACTTGGACAGTAATTCACTTGTATGATAGACTGAATGTTTCACTTGATACTTTTTCTTTATCGTGAATTCGTGATCCACTAAATCTATGGGATTGATACAGACCAAGATGGTACCCTTCATATTCATCTTTAAGCCACATATTCATGATCTTTCCTGATACAGACCAGTACGGTCCCTAGGCTGTCTTTTTCCATGAAGTGCACTTGTTGCTAGTTGAAAACGTTTGAACATTGAATAAGACATTCCTACATGGTGCCTTTCCACCATTCCTTAGTCTAAGGTGCACTGCACAAATACACAACTCTAATGTCCAATATCAAGGGTAGATTCATCGTAATAACTTGCTATTGGGTGTCATTCTGATTGATGATCAATTAAATAACTAGAGATCAAAAAATTTCAAGACTACTGGTCTCAACATACTCAGATTACCAGCATGCACAAACACCTGGTCTTCAACACTACAGGAGGATTTCCAGGACCACATATAGAAAAAAGTGAAAAACGATCCGAGCTGACATGACAAATAATAGTTATGACAGAGTAACGAAAAAAGATAGCAAATCTTTCTTCTCTTGTTTATGTAAAAGCCAACTGTTCTTGCTGTACTGGAATCCAAGACAAGCCTACCCCACAAACACACACACACACATATTGAAAGCAAATTTTTTATAGTATACCATACTCTGTCTCACTTGCACAGACATGCATCACTTCAACTCAACGGAATACCAAACGTAAGTCACAGCTATGCATCTAGAACAGCGGAATTTATATGATTAAGCAAGAGTCTTATATGTCATTCTTTTTCTCTTTAATGTACCTTTTAGTGATCCCGAATCAAGATGGAAGACGGTTTTCATCCACCTTGATCCATTCAATAAAATTGCTTAGATTCTTTTCTGAGCTCCCGCCTTTTCTGATGCTACTCACAGCCTTTTCTTTGAGAGCCAGGGCGTTATCTTTGAATCTTGTGTTGTTGAGCAGCTTGTTCACTTTACTTTTGATCTCTTCTCCTGTGACGATTCCTCCTATGTTTTTCTTCAACGCCAGCCCGTTCTCCCAGATGTCACAAATGTAAGTTTCGTTCTGAAATTGATCAGCAAAATACGGCCAACACATGAAAGGGACTCCATTATTGACACCTTCCAGAGTAGAGTTCCAACCACAGTGGCTCATGAAGCAAGCCACCGAAGGATGAGATAGGACCTTCTGTTGAGGTGCCCAGCTTACGATTCTTCCTCGACTGCCAATTCTATCCATAAACCCTTGAGGCATCTATCAACGTCTGAAAGCTCAAAATTGAAGCCAATGTAACTGCTGAGGCAGGCCAGAATGATGCCCTTCTAATTCCCATCTTCTCTGCAACAGGCATGGTTTGGAATATTGCTTCGGTCTGCTTAGCAAGGTCGTTCCTGTCCTCCCATGGTTCCAACCCATCTGGGAGCGAAACCATTTGCACAAGATCACCGAAACCATCTTTTTCCAACCAGGCGCTTGCTACCAGTTTATGTGTGACCTCTGTGTTTATAAACGTGACTTTGATACCCTGCTTAACCAAGCATTGAGCAAACTCCATCAGAGGAATTACATGGCCCTGTGCTGGATAAGGTATGGCTATAACATGACTATTCTCCATATTTTTGTGTTGGTGGTTACTTCTGGATTAATCTAACTCTTATAGACGGCCATGGCTGAGATACCAAAGCTCCAAATCTTGTCTGTTATATGTGATCTATGACAGAATTTGATCCTTTGGCCTAGTTAGTCCATGGAGGTAACTTCAGGATTAAACAGTTGCAACTGTCTTACTTAGTGAA