**Supplementary table 2. Sequences of plasmids and siRNA**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **miRNA-has-mir-3662** | target sequence | GAAAATGATGAGTAGTGACTGATG |
| shDNA tamplate sequence | **S** 5'**-**AATTCGAAAATGATGAGTAGTGACTGATGGTTTTGGCCACTGACTGACCATCAGTCTACTCATCATTTTCA-3' |
| **A** 5'**-**CCGGTGAAAATGATGAGTAGACTGATGGTCAGTCAGTGGCCAAAACCATCAGTCACTACTCATCATTTTCG-3' |
| **miRNA-ShNC** | target sequence | AAATGTACTGCGCGTGGAGC |
| shDNA tamplate sequence | **S** 5'-AATTCGAAATGTACTGCGCGTGGAGACGTTTTGGCCACTGACTGACGTCTCCACGCAGTACATTTCA-3' |
| **A** 5'-CCGGTGAAATGTACTGCGTGGAGACGTCAGTCAGTGGCCAAAACGTCTCCACGCGCAGTACATTTCG-3' |
| **LncRNA-RP11-594N15.3** | target sequence | CACAGGCAGTAATGACCAAACAGAGACCAAGGTGGAGCTCAAGAGAAAGTAAGCATCAAACAGCACTCAGCCTGAATCCAGGCACGTTCTTCAGTCCAAAAAGCAAAGGGGATGTAAATACTTAAGTTCATCTTACTCAGATCGCAAGAATAAAACACCACATAGGGACTTGGGACCAACAAAATGCTAACCAGTGAAATAAGTTGTAGAGCCTCTAGTGTCTCTACTCATTGTGTATTTCTTGTATCTGTCTAATTCAGGTGTGGGGATTCAGGATCCTTTTCATCTTTAATACTAAAGTCAAAATTAACAAAATTATATGACTATAACCTATTAACTTTCTAATTTGCACCACATCTTCTTTCTGATTGGGTTAATATGGGTGCTTCCTCAGCAACCTTCCTGCTAGTCTGGACTCTATTGTTCATCTTTCTCCTAGGTGCTCCTCAGGTTCCACATTTTCTTGCCTTTCTGCCATCTCTGCCCCATCAAAGTCAATTAGGCCACTCACTTCTCTTTACTTGTCTTCTGGATGACTGTAAAAAGTTTAAAACAATGCTTATTCATTGTCTGCAACCTCAATCTAGACATAAGTGCTGCACAGCTCTCTCTTTTCATGTCCCTGGGGACAGAGGAATCTTCCCACTTTCAGGCTAAGATTTATTCCTTCATTTGATGTTTTTAAACCACTTTATTCTGACTTTAACAGGATGTCTTAATTATCCTTTTTCTTTACTGACTTTACCCTTTTTCACAAATGTGCTCAAGTTTTCAATTTCCCATTTGCTTCATCACTTCTGTTTCTCAAAATAGTAATGTATACTCCCTATTTTCATGCTTCTTCTCCTCCTTATTTCTTATTCTTTTGCAATTTGGCTTCCAATAAAATTTTTCTCATTATCAATGACATCTTTAGTAGCTCATCGTCTCTGCCATAGTCATTGAATCTCTGACCAATGTGGAAATTAAAAGGTGATGATGATTCAGAGGACTCAGATTAACCTAAAATAAAATTTAATGTTTTTATATTTTTAATTGATACTAGTATGACAGAGTATCACTGAATAATATAGTATTTTTCAACTATATAGAATCGACATATATCAAGAAAACGTCAGCTTTCTCTCTAGTATAGAACTTCCATAATGTATGGATATGTCCTTGCTCTATGACCACAGTCTCCCCGTAATGTTTGCTTGCTATGTACTCAGATCCTATAGTGCTCATTTCTTTATAGGAGTGGTTGTCACATATCTGGGCACCAACACAGAGCCTAGACATTCATAGATGGGCAAGATTACTTTGTGATGTTGTAAAGTTCTGTGTTCCATTCTACTCTTGGATAAATGTTAGTGATATCACTTGTTCCTCTCAACAGCAGCCATATATGTGTAAAATCCCAGTCTTGCTCTACTTCTCTGAATTATACCTAAACAAATATATCTACCCGAAATAGAGTGGATCATTTTTGTATATTTTATTAGCTTACTCAATGACATTTAATCTGGTTCACCATGGAATCTTTTTGATATGCTTCATTTGCCTTCCTTTTTCTTCCAGATGTTTTTTATTTAGTGAGTTCTTGTTTGTTTCTCTCTGACACCTCCTCACTAACCTAAGACTGGTTCCTCCTTGTCTACCTCTCCACTAAATTTCATGGTTCCCTGGGTTTCCATTCTCATTCCTCTCCTCTAATCTCTCTCTCCAGATGACTTCCTCCACTCCCACATCAGCAACTATATTCCTATGGCGAATCTCATATCTTGATCTCTAGCCCAGGAGTCACTCCTCATTATCTGACCTATTGGATAGTTGAACATGGATTGCTCGAAGAATCTTAAAATTCAATGTTCTAATACTAAATCCAATGCATAATCCCATTTTCAAACCTGCTTTTCCTTATATGCTACAGATTTCAGATCATGGTAGCACTGATTTTCCACTGACCTTAAATCAAAATTTTTGGAGCCCTTTTAGCTGTTACCTCTTCCTCTGATTTGTGTGTTTGTTTGTTTTTTGGTCAATCGATTCTAATTCTTCACTACTGAAACTGTTCACTTCTTTTTATCTGCACTCCAACCCTTAAATCATTACTTATCTATTATTATGCAATGGCCTGCTCAGCATGACCTGCCTCATCCAGCACTCTTTCTAGCCATCTTGCCACCAGATGTATTGCTCTGATACATGATTTTGATCATGTATCTCTCCTAATTAAAAAATCCTTAAGTTTAGCCAGACAAACTTTACGGTATAAGTACCACATTGTATTTGTGTATAACTCCTTGCTCTGTGTTAGCTTTTATCCTGTTCCTAAAATGTGCTTCATGCTTGTGGGCAAAGTCTCATTGATCCTTTCAGACTAAGCCTCATTTCATCCTTTTCGGTAGTCTTTCTGACTCATCTCCATTCCCGAGCCCTACCCTAGGAAATCAGCCATTCTATACTCCTTGCTCTCTAACAATTTATCCACAAATGGATCTCTATATCATAGCTATTTATTTGCATGCATATCTCTCCACCTTGAGTGTGAGCTTTTTGAGGGCATCAACTCCGTTTTATTCATCTTTGTATACTCACTGTTTATCTATGTAGGTTATTGCTAATCAGTACAAACATCAGTAGATATTTGTAAATAAATAATATCTGCCCTCCTGAAGCTCATAATGAAGTTAAGAGAGAGAATCTACACATAGATCGATTAGGGAAAATGCAATTCAGAGATAAAATTCATGGTTGAAAATAGTGACGTCTCAAGAATATTGCATTGCAGAGGATAAAAACTTAATTCCTATCACCATTTTTTTTAGTTTATACAAGAGTAACTATTTTAAAATTTCTATTGCAAACTGGTGTGCTGCATTTGTACACACACACACACACACACACGCACAAAGATTTGATAAGACATAGAGAAATGAGATGTCCAATAGGACAACACGTAACTAGATGGGCAAATTAAGGTAAGCCATCCAGCTAAATAAGCCTTTGGTAAATTTATTTCTGGGAATTCTGTAGCAGGAATTATCTTCAGTTTGCTGGAATTAAGATGAGCCAAAAGGGGGTTATATCTTACTCTTTTGGCCTAAGCAATACATTGTTCAGAGAGGAGGATCTCCAGGAAGGATCTTGCAGGCCTTGAACAAAAGTTCACTGGAGTTTCTGAGAATATGCCTTACAGAAATGCACTCAAACAGCCTAAAGAAATGAGAGTTCTAATAACAATAGAATAAACCTCAGTGTCAGGAATTCACAGAAAAAAGGGGGAAAAATTGTAGAAAGGGATTAAGAAACACATTTTTATATACTCAAGAAAGAAAGCTCACTGATATACATGTATAGAACCTTAAAGACCTTTTCCTGAATAGTGTTATCTTTTAAAAAAACACTGGTAATAAAATTAACTTTGGAGATCTAACAAGACTAAAGAAGTACTGTGAACTTTTGGACTCTGAAACTAAGAAAAAGACTGACAAAGGTGATGATGTAGGTTACTGCTAATAGAACATGTTTAAACTTTGGCTGCCATGATTCATTTTACACCTTGTTTGAGTAGGATGGTGTGACTATTATGACTGTCCTGTTGAATTTCTAAGTTTTCTTTTATCCCATATCCTCTTTGAAATTCACAAGCCAAGATATAATCATGAAGTTTTAAGGGTAAAAAAACCTATTCTGCCTTCTCAGATAGTCCTAAATACAATTCAACAAATCATCAAATTTGTCTAGGAAATAAAATTTGAGCATTTACTAA |
| siRP11-594N15.3 | **S** 5'-CCCUCCUGAAGCUCAUAAUTT-3' |
| **A** 5'-AUUAUGAGCUUCAGGAGGGTT-3' |
| si-NC | **S** 5'-UUCUCCGAACGUGUCACGUTT-3' |
| **A** 5'-ACGUGACACGUUCGGAGAATT-3' |