FASTA sequences for three Halichoeres species cited in Victor et al. (in review)

>Halichoeres sanchezi|gnl|uoguelph|LIDMA3845-22.COI-5P  
CCTCTATTTAGTATTCGGTGCCTGAGCTGGGATAGTAGGCACAGCTTTAAGCCTGCTCATTCGAGCTGAGCTGAGCCAGCCCGGCGCTCTTCTCGGAGACGACCAAATCTATAATGTAATCGTCACTGCCCACGCCTTTGTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGCGGGTTCGGGAACTGACTAATTCCCCTTATGATTGGCGCACCCGACATAGCCTTCCCTCGAATGAACAACATGAGTTTCTGACTACTCCCCCCTTCTTTCCTTCTTCTCCTAGCCTCTTCTGGCGTAGAAGCAGGTGCTGGAACTGGCTGAACAGTTTACCCCCCGCTAGCAGGAAATTTAGCTCACGCTGGTGCATCTGTAGATCTTACGATCTTCTCCCTCCACTTAGCTGGAATTTCTTCAATCCTAGGTGCAATTAACTTTATTACAACTATTATTAACATAAAACCCCCCGCCATCTCTCAGTACCAAACACCTTTATTTGTCTGAGCGGTGTTGATTACAGCTGTACTTCTTCTCCTGTCACTACCCGTCCTTGCTGCAGGCATTACAATGCTCCTGACAGACCGAAACCTGAATACTACCTTCTTCGACCCCGCTGGGGGAGGAGACCCTATCCTATACCAGCACCTA  
  
>Halichoeres burekae|gnl|uoguelph|LIDMA3677-22.COI-5P  
CCTTTATCTAGTATTCGGCGCCTGAGCTGGGATAGTAGGTACGGCCTTGAGCCTACTTATTCGGGCTGAATTAAGCCAACCCGGCGCTCTCCTTGGGGACGACCAGATCTATAACGTAATCGTTACAGCCCATGCGTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATCGGCGGATTTGGAAATTGACTAATCCCCCTCATGGTTGGTGCCCCTGACATGGCCTTCCCTCGAATAAATAATATGAGCTTTTGACTTCTCCCGCCTTCCTTCCTACTCCTGCTTGCCTCTTCTGGGGTAGAGGCTGGAGCCGGTACCGGATGAACAGTTTACCCCCCTTTAGCAGGTAATCTTGCACACGCCGGTGCATCTGTAGACCTCACAATCTTTTCTCTCCACCTGGCCGGTATTTCGTCGATTCTTGGGGCTATCAACTTCATTACTACTATTGTTAATATGAAACCCCCTGCTATTTCCCAATATCAAACACCCCTCTTCGTCTGAGCCGTCCTAATTACGGCCGTACTTCTCCTCCTTTCCCTCCCAGTGCTTGCCGCTGGTATTACAATGCTTCTTACAGATCGAAATTTAAATACTACTTTCTTTGACCCAGCTGGAGGGGGCGATCCCATCCTATACCAGCACTTA  
  
>Halichoeres burekae|gnl|uoguelph|LIDMA3725-22.COI-5P  
CCTTTATCTAGTATTCGGCGCCTGAGCTGGGATAGTAGGTACGGCCCTGAGCCTACTTATTCGGGCTGAATTAAGCCAACCCGGCGCTCTCCTTGGGGACGACCAGATCTATAACGTAATCGTTACAGCCCATGCGTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATCGGCGGATTTGGAAATTGACTAATCCCCCTCATGGTTGGTGCCCCTGACATGGCCTTCCCTCGAATAAATAATATGAGCTTTTGACTTCTCCCGCCTTCCTTCCTACTCCTGCTTGCCTCTTCTGGGGTAGAGGCTGGAGCCGGTACCGGATGAACAGTTTACCCCCCTTTAGCAGGTAATCTTGCGCACGCCGGTGCATCTGTAGACCTCACAATCTTTTCTCTCCACCTGGCCGGTATTTCGTCGATTCTTGGGGCTATCAACTTCATTACTACTATTGTTAATATGAAACCCCCTGCTATTTCCCAATATCAAACACCCCTCTTCGTCTGAGCCGTCCTAATTACGGCCGTACTTCTCCTCCTTTCCCTCCCAGTGCTTGCCGCTGGTATTACAATGCTTCTTACAGATCGAAATTTAAATACTACTTTCTTTGACCCAGCTGGAGGGGGCGATCCCATCCTATACCAGCACTTA