Table S2. Per strain Jaccard distances for each SV type in *C. elegans*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Strain | Caller1 | BND2 | DEL2 | DUP2 | DUP:I2,3 | INS2 | INV2 | Total2 |
| DL238 | pbsv | 0.022±0.044 | 0.012±0.001 | 0.029±0.005 | NA | 0.019±0.003 | 0.019±0.012 | 0.017±0.002 |
| DL238 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.008±0.002 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| DL238 | svim | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| ECA36 | pbsv | 0.007±0.013 | 0.015±0.002 | 0.023±0.006 | NA | 0.017±0.002 | 0.039±0.013 | 0.017±0.002 |
| ECA36 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.011±0.001 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| ECA36 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |
| ECA396 | pbsv | 0.033±0.028 | 0.021±0.002 | 0.031±0.005 | NA | 0.023±0.004 | 0.017±0.006 | 0.022±0.002 |
| ECA396 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.008±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| ECA396 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| EG4725 | pbsv | 0.078±0.069 | 0.042±0.005 | 0.034±0.004 | NA | 0.032±0.002 | 0.016±0.008 | 0.036±0.003 |
| EG4725 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.012±0.002 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| EG4725 | svim | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |
| JU1400 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.013±0.001 | 0.013±0.005 | NA | 0.013±0.001 | 0.017±0.014 | 0.013±0.001 |
| JU1400 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.009±0.002 | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 |
| JU1400 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU2526 | pbsv | 0.032±0.000 | 0.015±0.001 | 0.056±0.006 | NA | 0.020±0.001 | 0.004±0.008 | 0.020±0.001 |
| JU2526 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.010±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.000 |
| JU2526 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU2600 | pbsv | 0.047±0.062 | 0.014±0.002 | 0.041±0.006 | NA | 0.017±0.001 | 0.025±0.000 | 0.018±0.002 |
| JU2600 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.010±0.002 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| JU2600 | svim | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU310 | pbsv | 0.044±0.089 | 0.003±0.001 | 0.039±0.006 | NA | 0.009±0.001 | 0.000±0.000 | 0.009±0.001 |
| JU310 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| JU310 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| MY2147 | pbsv | 0.178±0.089 | 0.017±0.001 | 0.048±0.005 | NA | 0.019±0.002 | 0.000±0.000 | 0.020±0.001 |
| MY2147 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.003±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| MY2147 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| MY2693 | pbsv | 0.042±0.052 | 0.008±0.002 | 0.017±0.005 | NA | 0.014±0.001 | 0.006±0.013 | 0.012±0.001 |
| MY2693 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.004±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| MY2693 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| N2 | pbsv | 0.522±0.207 | 0.045±0.019 | 0.115±0.013 | NA | 0.057±0.003 | 0.000±0.000 | 0.064±0.005 |
| N2 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| N2 | svim | 0.000±0.000 | 0.013±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| NIC2 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.012±0.003 | 0.028±0.005 | NA | 0.012±0.002 | 0.000±0.000 | 0.013±0.003 |
| NIC2 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.002±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 |
| NIC2 | svim | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| NIC526 | pbsv | 0.047±0.062 | 0.019±0.002 | 0.067±0.008 | NA | 0.026±0.003 | 0.013±0.011 | 0.026±0.002 |
| NIC526 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| NIC526 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| QX1794 | pbsv | 0.070±0.023 | 0.013±0.002 | 0.024±0.005 | NA | 0.014±0.001 | 0.000±0.000 | 0.014±0.001 |
| QX1794 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.003±0.001 |
| QX1794 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| XZ1516 | pbsv | 0.036±0.026 | 0.038±0.002 | 0.037±0.009 | NA | 0.025±0.001 | 0.003±0.007 | 0.031±0.001 |
| XZ1516 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.007±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |
| XZ1516 | svim | 0.001±0.001 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.006±0.013 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |

1. SV call sets were generated from Minimap2 aligned and SAMtools sorted BAM files (20X depth).
2. Values represent the Jaccard distances (mean and standard deviation) between the original and randomized FASTQ files for each strain.
3. The identification of interspersed duplications was only supported by SVIM.