Table S3. Coordinate level per strain Jaccard distances for each SV type in *C. elegans.*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Strain | Caller1 | BND2 | DEL2 | DUP2 | DUP:I2,3 | INS2 | INV2 | Total2 |
| DL238 | pbsv | 0.022±0.044 | 0.001±0.000 | 0.017±0.003 | NA | 0.011±0.001 | 0.000±0.000 | 0.007±0.001 |
| DL238 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.008±0.002 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| DL238 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| ECA36 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 | 0.016±0.003 | NA | 0.009±0.001 | 0.000±0.000 | 0.006±0.000 |
| ECA36 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.011±0.001 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| ECA36 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.003±0.000 |
| ECA396 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.021±0.004 | NA | 0.011±0.002 | 0.000±0.000 | 0.007±0.001 |
| ECA396 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.008±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| ECA396 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| EG4725 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 | 0.021±0.003 | NA | 0.018±0.002 | 0.000±0.000 | 0.013±0.001 |
| EG4725 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.012±0.002 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| EG4725 | svim | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |
| JU1400 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.008±0.002 | NA | 0.008±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.000 |
| JU1400 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.009±0.002 | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 |
| JU1400 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU2526 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 | 0.031±0.004 | NA | 0.011±0.001 | 0.000±0.000 | 0.008±0.000 |
| JU2526 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.010±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.000 |
| JU2526 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU2600 | pbsv | 0.031±0.062 | 0.003±0.000 | 0.024±0.004 | NA | 0.012±0.001 | 0.000±0.000 | 0.009±0.001 |
| JU2600 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.010±0.002 | 0.000±0.000 | 0.006±0.001 |
| JU2600 | svim | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| JU310 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.018±0.003 | NA | 0.006±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.000 |
| JU310 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| JU310 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| MY2147 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 | 0.028±0.007 | NA | 0.012±0.000 | 0.000±0.000 | 0.010±0.001 |
| MY2147 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.003±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| MY2147 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| MY2693 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 | 0.009±0.004 | NA | 0.007±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.000 |
| MY2693 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.004±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| MY2693 | svim | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| N2 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.013±0.008 | 0.046±0.011 | NA | 0.030±0.001 | 0.000±0.000 | 0.030±0.002 |
| N2 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 |
| N2 | svim | 0.000±0.000 | 0.005±0.002 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| NIC2 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 | 0.024±0.004 | NA | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.007±0.001 |
| NIC2 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.002±0.001 | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 |
| NIC2 | svim | 0.000±0.000 | 0.003±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| NIC526 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.003±0.000 | 0.028±0.004 | NA | 0.014±0.001 | 0.000±0.000 | 0.011±0.000 |
| NIC526 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 |
| NIC526 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.002±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| QX1794 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.002±0.001 | 0.017±0.004 | NA | 0.007±0.001 | 0.000±0.000 | 0.005±0.001 |
| QX1794 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.005±0.001 | 0.000±0.000 | 0.003±0.001 |
| QX1794 | svim | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 | 0.000±0.000 | 0.001±0.000 |
| XZ1516 | pbsv | 0.000±0.000 | 0.004±0.001 | 0.018±0.006 | NA | 0.013±0.001 | 0.000±0.000 | 0.009±0.000 |
| XZ1516 | sniffles | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | NA | 0.007±0.001 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |
| XZ1516 | svim | 0.001±0.001 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 | 0.000±0.000 | 0.004±0.000 |

1. SV call sets were generated from Minimap2 aligned and SAMtools sorted BAM files (20X depth).
2. Values represent the Jaccard distances (mean and standard deviation) between the original and randomized FASTQ files for each strain.
3. The identification of interspersed duplications was only supported by SVIM.