

AP2 Subfamily

Double domains

[illegible]

AP2 domain

AP2 domain

Single Domain

PITA_05778	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_09250	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_09364	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_10423	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_11766	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLSAKINFFPRDYK	70
PITA_11770	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_15081	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_16114	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_16944	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_18941	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_21258	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70
PITA_24497	FRGVGTVKRWIRYQARLIDFTWIKKQARRGK	RGYDSEHAAKA/VDAAI	FWGLTAKNFFPRDYK	70

AP2 domain

PITA_25834	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_30609	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_36015	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_39291	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_39628	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_40018	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_42417	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_42702	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_45092	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_47861	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_48723	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_50115	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70
PITA_51087	FRGGVTKRWRYQRYARLDSTWTKQFARRGK	FGYDSEDAAKAYDVAAL	FWGLTAKNPF	DDYDK	70

AP2 domain

RAV Subfamily

PITA_01616	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	KEBDA SMYDRA AKR AEADAIT	FSP	59
PITA_06696	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	SEBDA RYDRA AKR AEADAIT	FN	58
PITA_10968	SSQKGLVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	REBDA RAYDRA ARRRPDAIT	FN	58
PITA_12882	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	KEBDA IAYDRA AKRRADMT	FSL	59
PITA_12934	KK LTVGVVAFNGR WGAQIYANHK IWLIGKESDA	LAYDR SIKLRKDSRP	LPN	59
PITA_13317	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	REBDA RAYDRA AKRRADMT	FN	58
PITA_15109	SSQKGVVAFNGR WGAQIYVTH IWLIGF	SEBDA LAYDR CKKRNAGRP	ILN	59
PITA_21181	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	SEBDA KAYDR AKRRADAIT	FSP	59
PITA_22025	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	SEBDA RYDRA AKR AEADAIT	FN	58
PITA_24731	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	KEBDA RAYDRA AKRRADMT	FSL	59
PITA_30174	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	SEBDA RAYDRA AKR AEADAIT	FN	58
PITA_30835	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	REBDA RAYDRA AKRRADMT	FSP	59
PITA_32145	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	REBDA RAYDRA ARRRPDAIT	FN	58
PITA_47647	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	HBDRA RAYDRA AKRRADAIT	FN	58
PITA_49133	SSQKGVVAFNGR WGAQIYVSH IWLIGF	SEBDA LAYDRA CKKRNAGRP	LLS	59
PITA_21543	SSQKGVVAFNGR WGAQIYEKRWVLGIF	HBDRA RAYDRA AKRRADMT	FN	58
PITA_42507	SSQKGVVAFNGR WGAQIYKGRH IWLIGF	KEBDA RAYDRA AKRRADMT	FN	58

AP2 domain

[illegible]

B3 domain

Soloist

PITA_21665 : PSFARTIQRKCLGRSGKMSFPVMFMTKYLSGSQGIVTFDDCDGLSWRVEWYAYLQSGRRLVFTTGWPEFASDHNAKDG DILLVEVLNSEHFRVQILS : 97

B3 domain

PITA_21665 : RFVGVRRKRPWGAYGAEIRTPEGKRLWLGTYYTTEEAAAHAYDDAARKFKGKGAVTNFS : 57

AP2-1 domain

PITA_21665 : HFFGVRKTSSGRFEASLYDRNKKKKVYVGMYDTMIEAARARDQRAIDLGAASVLNFPPELQECT : 63

AP2-2 domain

PITA_21665 : AYRGVYSNGKKFQSIYYNPVSKKHTYLGTFCSGEDAAKAYDQVAYGQLGESAKMNFPPDCLEP : 63

AP2-3 domain